

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE

97TH SUMMARY

SEPTEMBER 16, 2009

JOHN MURAMOTO, CHS / CLIN. GENETIC MB SCI.

CATHY HUYNH

J. MICHAEL CECKA, PH.D

ELAINE F. REED, PH.D



DNA Sample	
#603	#604
#605	#606
#607	#608

DNA #603 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	3201	6801	190/190	104/104	60/76
B*	4002	5201	190/190	112/112	62/78
Cw*	0304	1202	164/164	112/113	70/74
DRB1*	1502	1602	200/202	124/126	51/80
DRB3*					
DRB4*					
DRB5*	0102	0202	127/128	90/92	14/16
DQA1*	0103	0505	70/70	52/52	4/6
DQB1*	0301	0601	174/176	126/127	50/58
DPB1*	0401	0402	64/64	58/58	25/26
DPA1*	0103	0202	8/8	7/7	0/0

Agreement for this sample was greater than 95%.

One SBT lab indicates B*4002 has a C deletion in intron 2, position -16.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 3203/12/17, 6803/4/33.
 B*: Not excluded: 4056/57, 5207.
 Cw*: 1201. Not excluded: 0306/32, 1211/17.
 DRB1*: 1201/20, 0601. Not excluded: 1511/19, 1610/12.
 DRB5*: 0102, 0203. Not excluded:
 DQA1*: Not excluded: 0509.
 DQB1*: 0501. Not excluded: 0309/19, 0630.
 DPA1*: Not excluded: 0110, 0204.

DNA #604 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0301	3001	192/192	103/105	53/76
B*	1510	3801	192/192	132/132	75/78
Cw*	0304	1203	168/168	120/121	71/76
DRB1*	0301	0701	206/206	140/140	78/80
DRB3*	0202		66/66	45/46	7/8
DRB4*		0101	66/66	50/50	8/8
DRB5*					
DQA1*	0201	0501	70/70	60/60	4/6
DQB1*	0201	0202	180/180	140/141	60/60
DPB1*	0101	0301	68/68	62/62	28/28
DPA1*	0103	0201	8/8	6/8	0/0

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 0305/7/43, 3004/20/24/26.
 B*: Not excluded: 159, 3802/5/6/16.
 C*: 1202/11. Not excluded: 0306, 1213.
 DRB1*: Not excluded: 0337/42, 0715/16.
 DRB3*: 0101. Not excluded:
 DQB1*: 0201. Not excluded: 0203/5.
 DPA1*: 0106. Not excluded:

DNA #605 CAUC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	2601	192/192	98/101	47/76
B*	1401	5501	192/192	123/124	110/111
Cw*	0303	0802	166/166	110/111	66/74
DRB1*	0701	1103	204/204	143/143	78/80
DRB3*	0202		66/66	46/47	7/8
DRB4*		0101	65/66	50/50	7/8
DRB5*					
DQA1*	0201	0505	72/72	56/56	4/6
DQB1*	0202	0301	178/178	124/125	49/58
DPB1*	0401	0402	64/64	59/59	26/26
DPA1*	0103		4/4	3/3	0/0

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 0206/9/20. Not excluded: 0224, 2610/12/15.
 B*: 5509. Not excluded: 5502/3/15.
 Cw*: 0805. Not excluded: 0804/17.
 DRB1*: Not excluded: 0716, 1102/11/55.
 DR3*: 0101. Not excluded:
 DQA1*: Not excluded: 0509.
 DQB1*: 020101. Not excluded: 0203, 0304/6/13/19/22.
 DPA1*: Not excluded: 0110.

DNA #606 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2902	3001	184/184	111/112	72/76
B*	1503	4201	184/184	129/129	77/78
Cw*	0210	1701	161/162	101/103	63/76
DRB1*	0302		98/98	76/76	39/39
DRB3*	0101		64/64	46/46	7/8
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0401		32/32	14/14	1/3
DQB1*	0402		86/86	69/70	30/30
DPB1*	0101	0401	64/64	60/60	30/30
DPA1*	0202	0301	8/8	7/7	0/0

Agreement for this sample was greater than 95%.

In a previous sample containing C*0210 (DNA#541, 11/2007) consensus was 94%. Consensus is now 98%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 2901. Not excluded: 3024.
 B*: Not excluded: 4208.
 Cw*: 0206/10. Not excluded: 1702/3.
 DRB1*: Not excluded: 0303/29/38/41.
 DQA1*: Not excluded: 0402/4.
 DQB1*: 0401. Not excluded:
 DPA1*: Not excluded: 0204.

DNA #607 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2402	3303	177/178	95/97	61/72
B*	4001	5801	178/178	100/100	54/74
Cw*	0302	0304	156/156	102/103	71/72
DRB1*	0803	1405	188/192	130/133	69/78
DRB3*	0202		62/62	44/45	7/8
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0103	0104	62/62	39/39	4/6
DQB1*	0503	0601	165/166	134/136	56/58
DPB1*	0501		30/30	28/28	14/14
DPA1*	0202		4/4	4/4	0/0

Agreement for this sample was greater than 95%.

16 SBT labs reported a substitution in exon 4, position 873, of either B*4001 or B*5801. The amino acid remains a Proline. One lab using GSSP indicated that the mutation was in B*580101 (G-A).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	23XX, 3301.	Not excluded: 2406/33, 3310/15.
B*:		Not excluded: 4055, 5811.
Cw*:		Not excluded: 0302/16.
DRB1*:	0101, 1360.	Not excluded: 0801/10/36, 1444/45.
DRB3*:	0101.	Not excluded:
DQA1*:		Not excluded: 0101/5.
DQB1*:	0201, 0501.	Not excluded:
DPA1*:		Not excluded: 0204.

DNA #608 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	0301	182/182	89/89	54/72
B*	1501	4403	181/182	103/106	65/74
Cw*	0102	0401	158/158	88/88	49/72
DRB1*	0101	0301	193/196	130/132	67/78
DRB3*	0101		64/64	45/45	7/8
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0101	0501	64/64	39/39	2/6
DQB1*	0201	0501	167/168	129/131	57/58
DPB1*	030101g	0401	60/60	54/54	26/26
DPA1*	0103		4/4	3/3	0/0

Agreement for this sample was greater than 95%.

At DPB1*, an ambiguity exists between DPB1*0301 and DPB1*0502. The results were graded as DPB1*030101g.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:		Not excluded: 0202/6/9/24, 0317.
B*:	1546, 4002.	Not excluded: 1527, 4402/45/65.
Cw*:		Not excluded: 0117/25, 0407/10/30/35.
DRB1*:	0803, 1405.	Not excluded: 0701, 0306/13/37.
DQA1*:		Not excluded: 0104/7.
DQB1*:	0503, 0601.	Not excluded: 0205.
DPA1*:		Not excluded: 0110.

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #603

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	15	16	501	502	01	05	03	06					32	68	40	52	03	12
16	150201	160201	50102	50202	0103	0505/9	0301/19	0601	040101	0402			320101	680102	400201	520101	0304	1202
124	1502	1602	501	50202	0103	0505/9	0301/19	0601	0401	04			3201	68	4002/56	5201/7	0304	1202
131	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
134	1502	1602	50102	50202			0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
138																		
139	15	16	501	502									32	68	40	52		
142	15	16	501	502			0301	06					32	68	4002	52		
144	1502/11	1602/10					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
147																		
148	15	16					03	0601					32	68	40	52	03	12
151	150201	160201	5	5			030101	060101					320101	680102	400201	520101	0304	1202
152																		
153	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
155	1502	1602	50102	50202	0103	0505	0301	0601										
156	1502/11	1602/10					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
158	1502	1602	50102	50202			0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
160																		
162	150201	160201					0301	0601					3201	680102	400201	520101	0304	1202
163																		
164	15	16											32	68	40	52		
166	1502	1602	50102	50202	0103	0505	0301	0601	0401	0402								
167	150201	160201					030101	060101	040101	0402			320101	680102	400201	520101	0304	1202
168	15	16											32	68	40	52		
170	1502	1602	5	50202			0301	0601					32	68	40	52	03	12
171																		
173	15	1602/10			0103	05	03	0601					32	68	40	52		
174	1502	1602											3201	6801	4002	5201		
175	BLANK	1602					0301	0601					3201	6801	4002	5201	03	12
176																		
179	15	16	NT	NT	0103	05	03	0601					3201/12	68	40	52	0304	1202
180																		
185	15	16					03	0601					3201	68	40	52	0304	1202
186																		
187	1502/11	1602/10					0301	0601					3201/17	6801/3	4002	5201	0304	1202
188	15	16	501	50202														
189	1502	1602	50102	50202	0103	0505/9	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
190	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
192	1502	1602	50102	50202			0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
193	15	16											32	68	40	52		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
199	15	10	5	5			05	06										
201																		
203	1502	1602	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
204	1502	1602											3201	6801	4002	5201	0304	1202
205	1502	1602	501	50202	0103	0505	0301	0601	0401	0402	0103/10	0202/4	3201	6801	4002	5201	0304	1202
206	15	16											32	68	40	52		
207	1502	1602					0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
208	15	16											32	68	40	52		
209																		
210																		
211	1502	1602	501	502	0103	0505/9	0301	0601	0401	04	01	0202	3201	68	4002/56	5201/7	0304	1202
212													3201/17	68	4002/56	5201/7	0304	1202
213	1502	1602	50102	50202	0103	0505	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
214																		
215	NT	NT	NT	NT														
216	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
218																		
219																		
220																		
222																		
223																		
224																		
225	1501/20	160101	50101	BLANK			0301	0601/30					3201/3	6801/4	4002	520101	0304	1202
226	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
227	1502	1602					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
228	1502	1602	50102	50203			0501	0601										
229																		
230	1502	1602	50102	50202	0103	0505/9	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202

DNA #603

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	15	16	50102	50202	0103	0505	03	0601					32	68	40	52		
278	15	16	50102	50202	0103	0505/9	03	0601					32	6801/33	4002/56	5201/7	0304/32	1202
291	15	16	501	50202	0103	05	03	0601					32	68	40	52	03	1202/11
401	1502/11	1602/10			0103	0505/9	0301/19	0601	0401	0402								
452	1502	1602	50102	50202			0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
519	1502/19	1602					0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
615	1502	1602	50102	50202	01	05	03	0601	0401	0402								
616	15	16					03	06										
635	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
702	1502	1602	50102	50202	0103	05	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
714	1502	1602					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
732	150201	160201	50102	50202			0301/19	0601					320101	6801	400201	520101	0304	1202
743	15	16	5	5			0301	0601					32	68	40	52	03	12
805	1502	1602					03	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
1018	1502	1602	5	5	0103	0505	0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
1113	15	16	NT	NT	0103	05	03	0601	0401	0402			32	68	40	52	03	12
1189	15	16	501	50202			03	0601					32	68	40	52	03	1202/11
1212	1502	1602	50102	50202			0301/19	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
1251																		
1498	150201	160201	50102	50202	0103	0505	0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
1647	15	16	5	5			03	06	04	04			32	68	40	52	03	12
1686	1502	1602	50102	50202	0103	0505	0301	0601	0401	0402	0103	0202	3201	6801	4002	5201	0304	1202
1905	1502	1602	50102	50202			0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
2004																		
2013	1502	1602	501	502			0301	0601					32	68	4002	52	03	12
2015																		
2063	15	1602/12	501	50202	0103	0505/9	03	0601					32	68	40	52	03	12
2347	15	16	5	5			03	06	04	04			32	68	40	52		
2411	15	16											32	68	40	52		
2518	15	16			0103	05	03	0601					32	68	40	52	03	12
2549	1502	1602	50102	50202	0103	0505	0301	0601	NT	NT			3201	6801	4002	5201	0304	1202
3248																		
3261	1502	1602	5	5			0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
3264	1502	1602	50102	50202	0103	05	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
3324	1502	1602	501	502	0103	05	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
3325	1502	1602	50102	50202			0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
3410	1502	1602					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
3438	1502/19	1602					0301/19	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
3522																		
3548	1502	1602	50102	50202			0301	0601					3201	6801	4002/57	5201	0304	1201
3582	15	16	501	502	0103	0505/9	NT	NT	NT	NT			32	68	40	52	NT	NT
3600	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
3614	1502	1602					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
3625	1502/11	1602/10	50102	50202	0103	05	0301	0601	0401	0402			32	68	4002	5201	03	12
3807	1502	1602	5	5	0103	0505	03	0601	0401	0402	0103	0202	3201	6801	4002/57	5201	0304	1202
3849	1502/11	1602/10	50102	50202	0103	0505/9	0301	0601					32	68	40	52	03	1202/17
4237																		
4281																		
4336	1502/11	1602/10					0301	0601					3201/17	6801/3	4002	5201	0304	1202
4420	1502	1602											3201	6801	4002	5201	0304/6	1202
4545	1502	1602	50102	50202	0103	05	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
4551	1502	1602	NT	NT			03	06					32	68	40	52	03	12
4585	15	16					03	0601					32	68	40	52	03	12
4613																		
4653	1502	1602					0301	0601					3201	6801	4002	5201	0304	1202
4709																		
5204													3201	6801	4002	5201	0304	1202
5720	1502	1602	50102	50202			0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
5982																		
6051	1502	1602	501	50202			0301/9	0601	0401	0402			32	68	4002	5201/7	0304	1202/17
6313	15	16					03	06					32	68	40	52		
9221	15	16	5	5			03	06					32	68	40	52	03	12
197H	1502	1602			0103	0505	0301	0601	0401	0402			3201	6801	4002	5201	0304	1202
197L	15	16	501	50202			03	0601	0401	0402			32	68	40	52	03	12
4582H	1502	1602	50102	50202	0103	0505/9	0301	0601					3201	680102	4002	520101	0304	1202
4582L	15	16	501	502	01	05	03	06					32	68	40	52	03	12

DNA #604

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	03	07	302	401	02	05	02	02					03	30	15	38	03	12
16	0301/42	070101	30202	40101	0201	0501	0201	0202	010101	030101			030101	300101	1510	380101	030402	120301
124	0301	0701	30202	401	0201	0501	0201	0202	0101	0301			03	3001/24	1510	3801	0304	1203
131	03	07	3	4			02	02					03	30	15	38	03	12
134	0301	0701	30202	40101			0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203
138																		
139	03	07	302	401									03	30	1510	38		
142	0301	07	302	401			02	02					03	30	15	38		
144	0301	0701					0201	0202					0301	3001	1510	3801	0304	12
147																		
148	03	07					0201	0202/3					03	30	1510/90	38	03	12
151	0301	0701	3	4			020101	0202					03010101	300101	1510	380101	030402	120301
152																		
153	03	07	3	4			02	02					03	30	15	38	03	12
155	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202										
156	0301	0701					0201	0202					0301	3001	1510	3801	0304	1203
158	0301	0701	30202	40101			0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203
160																		
162	030101	070101					0201	0202					030101	3001	1510	380101	030402	12030101
163																		
164	03	07											03	30	15	38		
166	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301								
167	030101	070101					020101	0202	010101	030101			030101	300101	1510	380101	030402	120301
168	03	07											03	30	15	38		
170	0301	0701	302	40101			0201	0202					03	30	1510	38	0304	12
171																		
173	0301	0701			0201	05	0201	0202					03	30	15	38		
174	0301	0701											0301	3001	1510	3801		
175	0301	0701					0201	0202					0301	3001	1510	3801	0304	1203/13
176																		
179	0301	0701	3	401	0201	05	0201/5	0202					03	3001/24	1510	3801	0304	1203
180																		
185	0301	0701					0201	0202					03	30	1510	3801	0304	1203
186																		
187	0301	0701					0201	0202					0301/43	3001/26	1510	3801	0304	1203
188	0301	0701	30202	40101														
189	0301	0701	30202	401	0201	0501	0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203
190	03	07	3	4			02	02					03	30	15	38	03	12
192	0301	0701	30202	40101			0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203
193	03	07											03	30	1510	38		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203
199	03	07	3	4			02	02										
201																		
203	0301	0701	3	4			02	02					03	30	15	38	03	12
204	0301	0701											0301	3001	1510	3801	0304	1203
205	0301	0701	302	401	0201	0501	0201	0202	0101	0301	0106	0201	0301	3001	1510	3801	0304	1203
206	03	07											03	30	15	38		
207	0301	0701/16					0201	0202	0101	0301			0301/43	3001/26	1510	3801	0304	1203
208	03	07											03	30	15	38		
209																		
210																		
211	0301	0701/16	302	401	0201	0501	0201	0202	0101	03	01	0201	0301/43	3001/26	1510	380101	030402	120301
212																		
213	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203
214																		
215	03	07	3	4									03	30	1510	380101	030402	1203
216	03	07	3	401			0201	0202					03	30	15	38	03	12
218																		
219																		
220																		
222																		
223																		
224																		
225	030101	070101	301010201	401			0201	0201					030101	3001/4	1510	3801/2	0304	1203
226	03	07	3	4			02	02					03	30	15	38	03	12
227	0301	0701					0201	0202					0301	3001	1510	3801	0304	1203
228	0301	0701	30202	40101			0201	0202										
229																		
230	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301			0301	3001	1510	3801	0304	1203

DNA #604

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus						
239	03	07	302	40101	0201	0501	0201	0202		03	30	15	38		
278	0301	0701/15	30202	40101	0201	0501	0201	0202		0301	3001/20	1510	3801/16	0304	1203
291	03	07	302	401	0201	0501	0201/5	0202		03	30	1510/90	38	0304	12
401	0301	0701			0201	0501	0201	0202	0101	0301					
452	0301	0701	30202	40101			0201	0202	0101	0301					
519	0301	0701					0201	0202	0101	0301					
615	0301	0701	30202	401	02	05	0201	0202	0101	0301					
616	03	07													
635	03	07	3	4			02	02						03	12
702	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301				0304	1203
714	0301	0701					0201	0202						0304	1203
732	030101	070101	3020201	4010101			0201	0202						0304	1203
743	03	07	3	4			02	02						03	12
805	0301	0701					0201	0202						0304	1203
1018	0301	0701	3	4	0201	0501	0201	0202						0304	1203
1113	03	07	NT	NT	0201	0501	0201	0202	0101	0301				03	12
1189	03	07	302	401			0201/5	0202						0304	12
1212	0301	0701	30202	40101			0201	0202						0304	1203
1251															
1498	0301	070101	302	4010101	0201	0501	0201/5	0202						0304	1203
1647	03	07	3	4			02	02	01	03				03	12
1686	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301	0103	0201		0304	1203
1905	0301	0701	302	40101			0201	0202	0101	0301				0304	1203
2004															
2013	0301	0701	3	401			0201	0202						03	12
2015															
2063	0301/37	07	30202	401	0201	0501	0201	0202						03	12
2347	03	07	3	4			02	02	01	03				03	12
2411	03	07												03	12
2518	03	07			0201	0501	0201	0202						03	12
2549	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	NT	NT				0304	1203
3248															
3261	0301	0701	NT	NT			0201	0202						0304	1203
3264	0301	0701	30202	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301				0304	1203
3324	0301	0701	302	401	0201	05	0201	0202	0101	0301				0304	1203
3325	0301	0701	30202	40101			0201	0202						0304	1203
3410	0301	0701					0201	0202						0304	1203
3438	0301	0701					0201	0202						0304	1203
3522															
3548	0301	0701	30202	40101			0201	0202						0304	1203
3582	0301	0701	302	401	NT	NT	0201	0202	0101	0301				0304	1203
3600	03	07	3	4			02	02						03	12
3614	0301	0701					0201	0202						0304	1203
3625	0301	0701	3	401	0201	05	0201	0202	0101	0301				0304	12
3807	0301	0701	3	4	0201	0501	02	0202	0101	03	0103	0201		0304	1203
3849	0301	0701	302	401	0201	0501	0201	0202						03	12
4237															
4281															
4336	0301	0701					0201	0202						0304	1203
4420	0301	0701												0304/6	1203
4545	0301	0701	302	40101	0201	0501	0201	0202	0101	0301				0304	1203
4551	0301	0701/16	NT	NT			02	02						03	12
4585	03	07					0201	02						0304	1203
4613															
4653	0301	0701					0201	0202						0304	1203
4709															
5204															
5720	0301	0701	30202	40101			0201	0202	0101	0301				0304	1203
5982															
6051	0301	0701	302	401			02	02	0101	0301				0304	1202/11
6313	03	07					02	0202						03	12
9221	03	07	3	4			02	02						03	12
197H	0301	0701			0201	0501	0201	0202	0101	0301				0304	1203
197L	03	07	302	401			02	02	0101	0301				03	12
4582H	0301	0701/16	30202	401	0201	0501	0201	0202						0304	1203
4582L	03	07	302	401	02	05	02	02						03	12

DNA #605

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	07	11	302	401	02	05	02	03					02	26	14	55	03	08
16	070101	1103	30202	40101	0201	0505/9	0202	0301/19	040101	0402			020101	260101	1401	550101	030301	0802
124	0701	1103	30202	401	0201	0505/9	0202	0301/19	0401	0402			02	26	1401	5501	0303	0802
131	07	11	3	4			02	03					02	26	14	55	03	08
134	0701	1103	30202	40101			0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802
138																		
139	07	11	302	401									02	2601/15	1401	55		
142	07	11	302	401			02	03					02	26	1401	55		
144	0701	1103					0202	0301					0201	2601	1401	5501	0303	0802
147																		
148	07	11					0202	03					02	26	1401	55	03	08
151	0701	1103	3	4			0202	030101					020101	260101	1401	550101	030301	0802
152																		
153	07	11	3	4			02	03					02	26	14	55	03	08
155	0701	1103	30202	40101	0201	0505	0202	0301										
156	0701	1103					0202	0301					0201	2601	1401	5501	0303	0802
158	0701	1103	30202	40101			0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802
160																		
162	070101	1103					0202	030101					0201	260101	1401	5501	030301	0802
163																		
164	07	11											02	26	14	55		
166	0701	1103	30202	40101	0201	0505	0202	0301	0401	0402								
167	070101	1103					0202	030101	040101	0402			020101	260101	1401	550101	030301	0802
168	07	11											02	26	14	55		
170	0701	1103	30202	40101			0202	0301					02	26	14	55	03	0805
171																		
173	0701	1103			0201	05	02	03					02	26	14	55		
174	0701	1103											0201	2601	1401	5501		
175	0701	1103					0202	0301					0201	2601	1401	5501	03	08
176																		
179	0701	1103	3	401	0201	05	0202	03					02	26	1401	5501	03	0802/4
180																		
185	0701	1103					02	03					02	26	1401	5501	03	08
186																		
187	0701	1103					0202/3	0301/4					0201/24	2601/10	1401	5501	0303	0802
188	0701	1103	30202	40101														
189	0701	1103	30202	401	0201	0505/9	0202	0301/19	NT	NT			0201	2601	1401	5501	0303	0802
190	07	11	3	4			02	03					02	26	14	55	03	08
192	0701	1103	30202	40101			0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802
193	07	1103/55											02	26	1401	55		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0701	1103	30202	40101	0201	0505	0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802
199	07	11	3	4			02	03										
201																		
203	0701	1103	3	4			02	03					02	26	14	55	03	08
204	0701	1103											0201	2601	1401	5501	0303	0802
205	0701	1103	302	401	0201	0505	0202	0301	0401	0402	0103/10	BLANK	0201	2601	1401	5501	0303	0802
206	07	11					02	03					02	26	14	55		
207	0701/16	1103					0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802
208	07	11											02	26	14	55		
209																		
210													02	26	1401	5501/3	030301	0802
211	0701/16	1103	302	401	0201	0505/9	0202	0301	0401	04	01	BLANK	02	26	1401	5501	03	0802/4
212																		
213	0701	1103	30202	40101	0201	0505	0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802
214													02	26	1401	5501	03	08
215	NT	NT	NT	NT														
216	07	11	3	401			02	03					02	26	14	55	03	08
218																		
219																		
220																		
222																		
223																		
224																		
225	070101	1102/3	301010201	BLANK			020101	030101					02010101	260101	1401	5509	0303	0802
226	07	11	3	4			02	03					02	26	14	55	03	08
227	0701	1103					0202	0301					0201	2601	1401	5501	0303	0802
228	0701	1103	30202	40101			0202	0301										
229																		
230	0701	1103	30202	40101	0201	0505/9	0202	0301	0401	0402			0201	2601	1401	5501	0303	0802

DNA #605

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus								
239	07	1103	302	40101	0201	0505	0202	03		02	26	14	55				
278	0701	1103	30202	40101	0201	0505/9	0202	0301/22		02	26	1401	5501	0303	0802/17		
291	07	1103	302	401	0201	05	0202	03		02	26	14	55	03	08		
401	0701	1103			0201	0505/9	0202	0301/19	0401	0402							
452	0701	1103	30202	40101			0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
519	0701	1103					0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
615	0701	1103	30202	401	02	05	0202	03	0401	0402							
616	07	11															
635	07	11	3	4			02	03			02	26	14	55	03 08		
702	0701	1103	30202	40101	0201	05	0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
714	0701	1103					0202	0301									
732	070101	1103	3020201	4010101			0202	0301/19			020101	260101	1401	550101	0303 0802		
743	07	11	3	4			02	03			02	26	14	55	03 08		
805	0701	1103					0202	03			02	2601/12	1401	5501	0303 0802		
1018	0701	1103	3	4	0201	0505	0202	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
1113	0701	1103	30202	40101	0201	05	0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
1189	07	1103/11	302	401			0202	03			02	26	14	55	03 08		
1212	0701	1103	30202	40101			0202	0301/13			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
1251																	
1498	070101	1103	302	4010101	0201	0505	0202	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
1647	07	11	3	4			02	03	04	04	02	26	14	55	03 08		
1686	0701	1103	30202	40101	0201	0505	0202	0301	0401	0402	0103	BLANK	0201	2601	1401	5501	0303 0802
1905	0701	1103	302	40101			0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
2004																	
2013	0701	1103	3	401			0202	0301			02	26	14	55	03 08		
2015																	
2063	07	1103	30202	401	0201	0505/9	0202	03			02	26	14	55	03 08		
2347	07	11	3	4			02	03	04	04	02	26	14	55			
2411	07	11									02	26	14	55			
2518	07	11			0201	05	0202	03			02	26	14	55	03 08		
2549	0701	1103	30202	40101	0201	0505	0202	0301	NT	NT	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
3248																	
3261	0701	1103	NT	NT			0202	0301			0201	2609	1401	5501	0303 0802		
3264	0701	1103	30202	40101	0201	05	0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
3324	0701	1103	302	401	0201	05	0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
3325	0701	1103	30202	40101			0202	0301			0201	2601	1401	5501/2	0303 0802		
3410	0701	1103					0202	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
3438	0701	1103					0201/2	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
3522																	
3548	0701	1103	30202	40101			0202	0301			0201	2601	1401	5501/15	0303 0802		
3582	07	11	302	401	0201	0505/9	NT	NT	NT	NT	02	26	14	55	NT	NT	
3600	07	11	3	4			02	03			02	26	14	55	03 08		
3614	0701	1103					0202	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
3625	0701	1103	3	401	0201	05	0202	0301	0401	0402	02	26	1401	5501	0303 0802		
3807	0701	1103	3	4	0201	0505	0202	03	0401	0402	0103	BLANK	0201	2601	1401	55	0303 0802
3849	0701	1103	302	401	0201	0505/9	0202	0301			02	26	1401	55	03 08		
4237																	
4281																	
4336	0701	1103					0202	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
4420	0701	1103									0206	2620	1401	5501	0303 0802		
4545	0701	1103	302	40101	0201	05	0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
4551	0701/16	1103	NT	NT			02	03			02	26	14	55	03 08		
4585	07	11					0202	03			02	26	14	55	03 08		
4613																	
4653	0701	1103					0202	0301			02	2601	1401	5501	0303 0802		
4709																	
5204											0201	2601	1401	5501	0303 0802		
5720	0701	1103	30202	40101			0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
5982																	
6051	0701	1103	302	401			02	0301/6	0401	0402	02	26	1401	5501/3	0303 0802/5		
6313	07	11					0202	03			02	26	14	55			
9221	07	11	3	4			02	03			02	26	14	55	03 08		
197H	0701	1103			0201	0505	0202	0301	0401	0402	0201	2601	1401	5501	0303 0802		
197L	07	11	302	401			02	03	0401	0402	02	26	14	55	03 08		
4582H	0701/16	1103	30202	401	0201	0505/9	0202	0301			0201	2601	1401	5501	0303 0802		
4582L	07	11	302	401	02	05	02	03			02	26	14	55	03 08		

DNA #606

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	03	BLANK	301	BLANK	04	BLANK	04	BLANK					29	30	15	42	02	17
16	030201	BLANK	30101	BLANK	0401/2	BLANK	0402	BLANK	010101	040101			290201	300101	1503	4201	0210	1701/2
124	0302	BLANK	30101	BLANK	0401/4	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001/24	1503	4201	0210	17
131	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
134	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
138																		
139	0302/38	BLANK	301	BLANK									29	30	1503	4201		
142	0302	BLANK	301	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42		
144	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
147																		
148	0302/29	BLANK					0402	BLANK					29	30	15	4201	0210	17
151	030201	BLANK	3	BLANK			0402	BLANK					290201	300101	1503	4201	0210	1701
152																		
153	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
155	0302	BLANK	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK										
156	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
158	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
160																		
162	030201	BLANK					0402	BLANK					290201	3001	1503	4201	0210	1701
163																		
164	03	BLANK											29	30	15	42		
166	0302	BLANK	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401								
167	030201	BLANK					0402	BLANK	010101	040101			290201	300101	1503	4201	0210	1701
168	03	BLANK											29	30	15	42		
170	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK					29	30	15	4201	02	17
171																		
173	0302	BLANK			04	BLANK	0402	BLANK					29	30	15	42		
174	0302	BLANK											2902	3001	1503	4201		
175	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	17
176																		
179	0302	BLANK	3	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					2902	3001/24	1503	4201	0210	17
180																		
185	0302	BLANK					0402	BLANK					290201	3001/24	15	4201	0210	17
186																		
187	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701/3
188	0302	BLANK	30101	BLANK														
189	0302	BLANK	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	NT	NT			2902	3001	1503	4201	0210	1701
190	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
192	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
193	0302	BLANK											29	30	15	4201		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
199	03	BLANK	3	4			04	BLANK										
201																		
203	0302	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
204	0302	BLANK											2902	3001	1503	4201	0210	1701
205	0302	BLANK	301	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401	0202/4	0301	2902	3001	1503	4201	0210	1701
206	03	BLANK											29	30	15	42		
207	0302	BLANK					0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
208	03	BLANK											29	30	15	42		
209																		
210													290201	30	1503	4201	0210	17
211	0302	BLANK	301	BLANK	0401/4	BLANK	0402	BLANK	0101	0401	0202	03	2902	3001	1503	4201	0210	17
212																		
213	0302	BLANK	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
214													290201	30	150301	4201	0210	17
215	NT	NT	NT	NT														
216	0302	BLANK	301	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
218																		
219																		
220																		
222																		
223																		
224																		
225	0302/3	BLANK	3010102	BLANK			0401	BLANK					29010101	300101	1503	4201	0210	1701
226	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
227	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
228	0302	0825	30101	BLANK			0402	0205										
229																		
230	0302	BLANK	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701

DNA #606

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	0302	BLANK	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					2902	3001/24	1503	4201	0202/10	1701
291	0302	BLANK	301	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					29	30	15	42	0206/10	17
401	0302	BLANK			04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401								
452	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
519	0302	BLANK					0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	17
615	0302	BLANK	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401								
616	03	BLANK					04	BLANK										
635	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	BLANK	17
702	0302	BLANK	30101	30202	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
714	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
732	030201	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK					290201	300101	1503	4201	0210	1701
743	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
805	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	17
1018	0302	BLANK	3	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
1113	0302	BLANK	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
1189	03	BLANK	301	BLANK			0402	BLANK					29	30	1503	42	02	17
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	030201	BLANK	301	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
1647	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK	01	04			29	30	15	42	02	17
1686	0302	BLANK	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401	0202	0301	2902	3001	1503	4201	0210	1701
1905	0302	BLANK	301	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
2004																		
2013	0302	BLANK	301	BLANK			0402	0401					29	30	1503	42	02	17
2015																		
2063	0302/41	BLANK	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					29	30	15	42	02	17
2347	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK	01	04			29	30	15	42		
2411	03	BLANK											29	30	15	42		
2518	0302	BLANK			04	BLANK	0402	BLANK					29	30	15	4201	02	17
2549	0302	BLANK	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
3248																		
3261	0302	BLANK	3	BLANK			0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0202	1701
3264	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
3324	0302	BLANK	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	17
3325	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0202	1701
3410	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
3438	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
3522																		
3548	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
3582	0302	BLANK	301	BLANK	NT	NT	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	17
3600	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
3614	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
3625	0302	BLANK	3	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			29	30	1503	4201	02	17
3807	0302	BLANK	3	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401	0202	0301	2902	3001	1503	4201	0210	1701
3849	0302	BLANK	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					29	30	15	4201/8	0202/10	17
4237																		
4281																		
4336	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
4420	0302	BLANK											2902	3001	1503	4201	0202/10	1701
4545	0302	BLANK	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	17
4551	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
4585	03	BLANK					0402	BLANK					29	30	1503	4201	0210	17
4613																		
4653	0302	BLANK					0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	17
4709																		
5204													2902	3001	1503	4201	0210	1701
5720	0302	BLANK	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
5982																		
6051	0302	BLANK	301	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			29	30	1503	4201	02	17
6313	03	BLANK					0402	BLANK					29	30	15	42		
9221	03	BLANK	3	BLANK			04	BLANK					29	30	15	42	02	17
197H	0302	BLANK			0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0401			2902	3001	1503	4201	0210	1701
197L	0302	BLANK	301	BLANK			0402	BLANK	0101	0401			29	30	15	4201	02	17
4582H	0302	BLANK	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					2902	3001	1503	4201	0210	1701
4582L	03	BLANK	301	BLANK	04	BLANK	04	BLANK					29	30	15	42	02	17

DNA #607

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	08	14	302	BLANK	01	01	05	06				24	33	40	58	03	03
16	080302	140501	30202	BLANK	0103	0101/4	0503	0601	0501	BLANK		240201	330301	4001	580101	0302	030401
124	0803	1405	30202	BLANK	0103	01	0503	0601	0501	BLANK		24	3303/15	4001/55	5801/11	0302	0304
131	08	14	3	BLANK			05	06				24	33	40	58	03	03
134	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601	0501	BLANK		2402	3303	4001	5801	0302	0304
138																	
139	08	14	302	BLANK								24	33	40	58		
142	08	14	302	BLANK			05	06				24	33	4001	58		
144	0803/10	1405/44					0503	0601				2402	3303/15	4001/55	5801/11	0302	0304
147																	
148	08	14					0503	0601				24	33	40	58	03	03
151	080302	140501	3	BLANK			050301	060101				240201	330301	4001	580101	0302	030401
152																	
153	08	14	3	BLANK			05	06				24	33	40	58	03	03
155	0803	1405	30202	BLANK	0103	0104	0503	0601									
156	0803	1405					0503	0601				2402	3303	40	58	0302	0304
158	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601	0501	BLANK		2402	3303	4001	5801	0302	0304
160																	
162	080302	140501					050301	0601				2402	330301	4001	5801	0302	0304
163																	
164	08	14										24	33	40	58		
166	0803	1405	30202	BLANK	0103	0104	0503	0601	0501	BLANK							
167	080302	140501					050301	0601	0501	BLANK		240201	330301	4001	580101	0302	030401
168	08	14										24	33	40	58		
170	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601				24	33	40	58	03	03
171																	
173	08	1405/44			0103	01	0503	0601				23	33	40	58		
174	0803	1405										2402	3303	4001	5801		
175	0803	1405					0503	0601				2402	3303	4001	5801	03	03
176																	
179	0803/10	1405/44	3	BLANK	0103	01	0503	0601				24	33	4001/55	5801/11	0302	0304
180																	
185	0803	1405					0503	0601				24	33	40	58	0302	0304
186																	
187	0803	1405					0503	0601				2402	3301	4001	5801	0302	0304
188	0803	1405	30202	BLANK													
189	0803	1405	30202	BLANK	0103	01	0503	0601	NT	NT		2402	3303	4001	5801	0302	0304
190	08	14	3	BLANK			05	06				24	33	40	58	03	03
192	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601	0501	BLANK		2402	3303	4001	5801	0302	0304
193	08	1405/45										24	33	40	58		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT		
195	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
199	10	14	3	BLANK			05	06									
201																	
203	0803	1405	3	BLANK			05	06				24	33	40	58	03	03
204	0803	1405										2402	3303	4001	5801	0302	0304
205	0803	1405	302	BLANK	0103	0104	0503	0601	0501	BLANK	0202/4	2402	3303	4001	5801	0302	0304
206	08	14										24	33	40	58		
207	NT	NT					NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	08	14										24	33	40	58		
209																	
210												24	330301	40	5801/11	0302	0304
211	0803/36	1405	302	BLANK	0103	01	0503	0601	0501	BLANK	0202	2402	3303	4001/55	5801/11	0302	0304
212																	
213	0803	1405	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		24	33	40	58	03	03
214												24	33	40	58	0302	0304
215	NT	NT	NT	NT													
216	08	14	302	BLANK			05	06				24	33	40	58	03	03
218																	
219																	
220																	
222																	
223																	
224																	
225	080101	1405	301010201	BLANK			0501	060101				2402/6	3301	400101	5801	0302	0302
226	08	14	3	BLANK			05	06				24	33	40	58	03	03
227	0803	1405					0503	0601				2402	3303	4001	580101	0302	0304
228	1360	1405	30202	BLANK			0503	0601									
229																	
230	0803	1405	30202	BLANK	01	01	0503	0601	0501	BLANK		2402	3303	4001	5801	0302	0304

DNA #607

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	0803	1405	30202	BLANK	01	01	0503	0601					24	3303	4001/55	5801	0302	0304
291	08	1405	302	BLANK	0103	0104	0503	0601					24	33	40	58	03	03
401	0803	1405			0103	01	0503	0601	0501	BLANK								
452	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
519	0803	1405					0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
615	0803	1405	30202	BLANK	01	01	0503	0601	0501	BLANK								
616	08	14																
635	08	14	3	BLANK			05	06					24	33	40	58	03	03
702	0803	1405	30202	BLANK	0103	01	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
714	0803	1405					0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
732	080302	140501	3020201	BLANK			0503	0601					240201	330301	40	58	0302	0304
743	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0803	1405					0503	0601					24	3303/10	4001	5801	0302	0304
1018	0803	1405	3	BLANK	0103	0104	0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
1113	0803	1405	30202	BLANK	0103	01	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	40	58	0302	0304
1189	08	14	302	BLANK			0503	0601					24	33	40	58	03	03
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	080302	140501	302	BLANK	0103	0104	050301	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
1647	08	14	3	BLANK			05	06	05	BLANK			24	33	40	58	03	03
1686	0803	1405	30202	BLANK	0103	0104	0503	0601	0501	BLANK	0202	BLANK	2402	3303	4001	5801	03	03
1905	0803	1405	302	BLANK			0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
2004																		
2013	0803	1405	302	BLANK			0503	0601					24	33	4001	58	03	03
2015																		
2063	08	1405	30202	BLANK	0103	01	0503	0601					24	33	40	58	03	03
2347	08	14	3	BLANK			05	06	05	BLANK			24	33	40	58		
2411	08	14											24	33	40	58		
2518	08	14			0103	01	0503	0601					24	33	40	58	03	03
2549	0803	1405	30202	BLANK	0103	0104	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
3248																		
3261	0803	1405	3	BLANK			0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
3264	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
3324	0803	1405	302	BLANK	0103	0104/5	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
3325	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0302/4
3410	0803	1405					0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
3438	0101	0301					0501	0201					NT	NT	NT	NT	NT	NT
3522																		
3548	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0302/4
3582	0803	1405	302	BLANK	NT	NT	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
3600	08	14	3	BLANK			05	06					24	33	40	58	03	03
3614	0803	1405					0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
3625	08	1405	3	BLANK	0103	0104	0503	0601	0501	BLANK			24	33	4001	58	0302	0304
3807	0803	1405	3	BLANK	0103	0104	0503	0601	0501	BLANK	0202	BLANK	2402	3303	4001	5801	0302	03
3849	0803	1405	302	BLANK	0103	01	0503	0601					24	33	40	58	03	03
4237																		
4281																		
4336	0803	1405					0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
4420	0803	1405											2402/33	3303	4001	5801	03	0304/16
4545	0803	1405	302	BLANK	0103	01	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	40	58	0302	0304
4551	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
4585	08	14					0503	0601					24	33	40	58	03	03
4613																		
4653	0803	1405					0503	0601					24	3303	4001	5801	0302	03
4709																		
5204													2402	3303	4001	5801	0302	0304
5720	0803	1405	30202	BLANK			0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
5982																		
6051	0803	1405	302	BLANK			0503	0601	0501	BLANK			24	33	4001	5801	0302	0304
6313	08	14					0503	0601					24	33	40	58		
9221	08	14	3	BLANK			05	06					24	33	40	58	03	03
197H	0803	1405			0103	0104/5	0503	0601	0501	BLANK			2402	3303	4001	5801	0302	0304
197L	08	14	302	BLANK			0503	0601	0501	BLANK			24	33	40	58	03	03
4582H	0803	1405	30202	BLANK	0103	01	0503	0601					2402	3303	4001	5801	0302	0304
4582L	08	14	302	BLANK	01	01	05	06					24	33	40	58	03	03

DNA #608

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	01	03	301	BLANK	01	05	02	05					02	03	15	44	01	04
16	010101	030101	30101	BLANK	0101/4	0501	0201	0501	030101g	040101			020101	030101	150101	440301	010201	0401/30
124	0101	0301	30101	BLANK	01	0501	0201	0501	030101g	0401			02	03	1546	4457	0102/25	04
131	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
134	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501	0301	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
138																		
139	01	03	301	BLANK									02	03	15	44		
142	01	0301	301	BLANK			02	05					02	03	1501	44		
144	0101	0301					0201	0501					0201	03	1501	4403	0102	04
147																		
148	01	03					0201	0501					02	03	15	44	01	04
151	010101	030101	3	BLANK			020101	050101					020101	030101	150101	440301	010201	0401/30
152																		
153	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
155	0101	0301	30101	BLANK	0101	0501	0201	0501										
156	0101	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
158	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
160																		
162	010101	030101					0201	050101					0201	030101	150101	440301	0102	040101
163																		
164	01	03											02	03	15	44		
166	0101	0301	30101	BLANK	0101	0501	0201	0501	0301	0401								
167	010101	030101					020101	050101	030101	040101			020101	030101	150101	440301	010201	040101
168	01	03											02	03	15	44		
170	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501					02	03	15	44	01	04
171																		
173	01	0301/6			01	05	02	0501					02	03	15	44		
174	0101	0301											0201/9	0301	1501/27	4403		
175	0101/7	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	01	04
176																		
179	01	03	3	BLANK	01	05	02	0501					02	03	15	44	01	04
180																		
185	0101	0301					0201	0501					02	03	15	44	01	04
186																		
187	0101/7	0301					0201	0501					0201/24	0301/17	1501	4403	0102/17	0401/10
188	0101	0301	30101	BLANK														
189	0101	0301	30101	BLANK	01	0501	0201	0501	NT	NT			0201	0301	1501	4403	0102	0401
190	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
192	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501	0301	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
193	01	03											02	03	15	44		
194	01	03	3	BLANK									02	03	15	44		
195	0101	0301	30101	BLANK	0101	0501	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
199	01	03	3	BLANK			02	05										
201																		
203	0101	0301	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
204	0101	0301											0201	0301	1501	4403	0102	0401
205	0101	0301	301	BLANK	0101	0501	0201	0501	030101g	0401	0103/10	BLANK	0201	0301	1501	4403	0102	0401
206	01	03											02	03	15	44		
207	NT	NT					NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	01	03											02	03	15	44		
209																		
210													02	03	1501	4403	0102	04
211	0101	0301	301	BLANK	01	0501	0201	0501	03	04	01	BLANK	02	03	15	4403/65	01	04
212																		
213	0101	0301	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			02	03	15	44	01	04
214													02	03	15	44	01	04
215	NT	NT	NT	NT														
216	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
218																		
219																		
220																		
222																		
223																		
224																		
225	010101	030101	3010102	BLANK			0201	0501					0201/2	030101	150104	4002	0102	0401
226	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
227	0101	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
228	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501										
229																		
230	0101	0301	30101	BLANK	01	0501	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401

DNA #608

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	01	0301/13	30101	BLANK	01	0501	0201	0501					02	0301	1501	4403	0102	0401/35
291	01	03	301	BLANK	0101	0501	02	0501					02	03	15	44	01	04
401	0101/7	0301			01	0501	0201	0501	030101g	0401								
452	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
519	0101/7	0301					0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
615	0101	0301	30101	BLANK	01	05	0201	0501	030101g	0401								
616	01	03																
635	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
702	0101	0301	30101	BLANK	01	0501	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
714	0101	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
732	010101	030101	30101	BLANK			0201	0501					020101	030101	150101	440301	01	04
743	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0101	0301					0201	0501					02	03	1501	4403	0102	04
1018	0101	0301	3	BLANK	0101	0501	0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
1113	0101/7	0301	301	BLANK	01	0501	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
1189	01	03	301	BLANK			02	0501					02	03	15	44	01	04
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	0101	0301	301	BLANK	0101	0501	0201/5	050101					0201	0301	1501	4403	0102	0401
1647	01	14	3	BLANK			02	05	03	04			02	03	15	44	01	04
1686	0101	0301	30101	BLANK	0101	0501	0201	0501	030101g	0401	0103	BLANK	0201	0301	1501	4403	0102	0401
1905	0101	0301	301	BLANK			0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
2004																		
2013	0101	0301	301	BLANK			0201	0501					02	03	1501	44	01	04
2015																		
2063	01	0301/37	30101	BLANK	01	0501	0201	0501					02	03	15	44	01	04
2347	01	03	3	BLANK			02	05	03	04			02	03	15	44		
2411	01	03											02	03	15	44		
2518	01	03			01	0501	0201	0501					02	03	15	44	01	04
2549	0101	0301	30101	BLANK	0101	0501	0201	0501	NT	NT			0201	0301	1501	4403	0102	0401
3248																		
3261	0101	0301	3	BLANK			0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
3264	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
3324	0101	0301	301	BLANK	0101/7	05	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
3325	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
3410	0101	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
3438	0803	1405					0601	0503					NT	NT	NT	NT	NT	NT
3522																		
3548	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
3582	0101	0301	301	BLANK	NT	NT	0201	0501	030101g	0401			02	03	15	44	01	04
3600	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
3614	0101	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
3625	0101	0301	3	BLANK	0101	05	0201	0501	030101g	0401			02	03	1501	4403/45	01	04
3807	0101	0301	3	BLANK	0101	0501	0201/5	0501	030101g	0401	0103	BLANK	02	0301	1501	4402/3	0102	0401
3849	0101	0301	301	BLANK	01	0501	0201	0501					02	03	15	44	01	04
4237																		
4281																		
4336	0101	0301					0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	04
4420	0101	0301											0201/6	0301	1501	4403	0102	0401/7
4545	0101	0301	301	BLANK	01	0501	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401/30
4551	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401/30
4585	01	03					0201	0501					02	03	15	44	01	04
4613																		
4653	0101	0301					0201	0501					02	03	15	4403	0102	04
4709																		
5204													0201	0301	1501	4403	0102	0401
5720	0101	0301	30101	BLANK			0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
5982																		
6051	0101	0301	301	BLANK			02	0501	030101g	0401			02	03	1501	4403	01	04
6313	01	03					02	0501					02	03	15	44		
9221	01	03	3	BLANK			02	05					02	03	15	44	01	04
197H	0101	0301			0101	0501	0201	0501	030101g	0401			0201	0301	1501	4403	0102	0401
197L	01	03	301	BLANK			02	0501	0301g	0401			02	03	15	44	01	04
4582H	0101	0301	30101	BLANK	01	0501	0201	0501					0201	0301	1501	4403	0102	0401
4582L	01	03	301	BLANK	01	05	02	05					02	03	15	44	01	04

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL			RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL
16	SBT-ATRA/RSSOP-OL	RSSOP-OL/SSP-IVGN	RSSOP-OL	RSSOP-OL	SBT-ATRA/RSSOP-OL		SBT-ATRA/RSSOP-OL	SBT-ATRA/RSSOP-OL	SBT-ATRA/RSSOP-OL/SSP-IVGN
124	SBT	SBT	SSO-LUM	SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSO-OL					
134	SBT-ATRA/SSP-GV	SSP-GV		SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV		SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV
138									
139	SSO-LUM	SSO-LUM					SSO-LUM	SSO-LUM	
142									
144	SBT-PRTRNS			SBT-PRTRNS			SBT-PRTRNS	SBT-PRTRNS	SBT-PRTRNS
147									
148	RSSO-IVGN			RSSO-IVGN			RSSO-IVGN	RSSO-IVGN	RSSO-IVGN
151	SBT-IVGN/SSOP-IVGN/SSP-IVGN	SBT-IVGN/SSOP-IVGN/SSP-IVGN		SBT-IVGN/SSP-IVGN			SBT-IVGN/SSOP-IVGN/SSP-IVGN	SBT-IVGN/SSOP-IVGN/SSP-IVGN	SBT-IVGN/SSP-IVGN
152									
153	SSO-DYNL	SSO-DYNL		SSO-DYNL			SSO-DYNL/SSP-OLRP	SSO-DYNL/SSP-OLRP	SSO-DYNL/SSP-OLRP
155	SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP					
156	SBT-ABT/SSP-IVGN			SBT-ABT/SSP-IVGN			SBT-ABT/SSP-IVGN	SBT-ABT/SSP-IVGN	SBT-ABT/SSP-IVGN
158	SSO-OL	SSP-IVGN		SSP-OL	SSP-OLRP		SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
160									
162	SBT-BIOSWM/SSP			SBT-BIOSWM/SSP			SBT-BIOSWM/SSP	SBT-BIOSWM/SSP	SBT-BIOSWM/SSP
163									
164	LiPATypingTest						LiPATypingTest	LiPATypingTest	
166	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV				
167	SSP/SSOP/SBT-OL			SSP/SSOP/SBT-OL	SBT-OL		SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL
168	SSOP-DYNL						SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	
170	SSOP-LUM/SSP-DYNL	SSP-DYNL		SSP-DYNL			SSOP-LUM	SSOP-LUM	SSOP-LUM
171									
173	SBT-ATRA		SSO-DYNL	SSO-DYNL			SSO-DYNL	SSO-DYNL	
174	RSSO						RSSO	RSSO	
175	SBT-IVGN/SSO-DYNL			SSO-DYNL/SSP-IVGN			SSO-DYNL/SSP-IVGN	SSO-DYNL/SSP-IVGN	SSO-DYNL
176									
179	SBT	SSP	SBT	SSO			SBT	SBT	SBT
180									
185	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
186									
187	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
188	SBT-IN-HOUSE/SSO-OL	SBT-PRTRNS/SSO-OL/SSP-GV							
189	SSO-OL	SSO-OL	SSO-OL	SSO-OL/SSP-IVGN	SSP-IVGN		SBT-ATRA/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ATRA/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSP-IVGN
190	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
192	SBT/SSP	SSP		SBT/SSP	SSP		SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
193	SSO-TEP						SSO-TEP	SSO-TEP	
194									
195	SSO-OL/SSP-OLRP	SSP-OLRP	SSO-OL	SSO-OL/SSP-OLRP	SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP
199									
201									
203	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
204									
205	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN	RSSO-OL	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SBT-ABT/SSP-IVGN	SSP-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN
206	SSO-OL			SSO-OL			SSO-OL	SSO-OL	
207	SSO-LUM			SBT/SSP	SBT		SBT/SSP	SBT	SBT/SSP
208	RSSO-OL						RSSO-OL	RSSO-OL	
209									
210							SBT	SBT	SBT
211	SSO-LUM/SSP-OLRP	SSO-LUM	SSO-LUM	SSO-LUM/SSP-OLRP	SSO-LUM/SSP-OLRP	SSP	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM
212									
213	SSO-OL	SSP-OLRP	SSP-OLRP	SSP-OLRP	SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP
214									
215									
216	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL-IVGN	SSP-IVGN	SSP-OL-IVGN
218									
219									
220									
222									
223									
224									
225	SSP	SSP		SSP			SSP	SSP	SSP
226	RSSO-LUM			RSSO-LUM			RSSO-LUM	RSSO-LUM	RSSO-LUM
227	SBT/SSOP			SBT/SSOP			SBT-ABT/SSOP-OL	SBT/SSOP	SBT/SSOP
228	SSP-DYNL	SSP-DYNL		SSP-BAG					
229									
230	SSO-GP	SSP-OLRP					SSO-GP	SSP-OLRP	

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-OLRP	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	
278	SSP/RSSOP	SSP/RSSOP	RSSOP	SSP/RSSOP			SSP/RSSOP	SSP/RSSOP	SSP/RSSOP
291	RSSOP-INLPA		RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA			RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA
401	SBT-CLRA/RSSOP-OL		RSSOP-OL	SBT-IN-HOUSE/RSSOP-OL		SBT-CLRA/RSSOP-OL			
452	SBT-CLRA/RSSO-OL/SSP-IVGN-OLRP	SSP-OLRP		SBT-CLRA/RSSO-OL/SSP-IVGN-OLRP		SSP-IVGN	SBT-CLRA/RSSO-OL/SSP-IVGN-OLRP	SBT-CLRA/RSSO-OL/SSP-IVGN-OLRP	SBT-CLRA/RSSO-OL/SSP-IVGN-OLRP
519	SBT-ATRA			SBT-ATRA		SSP-IVGN	SBT-ATRA	SBT-ATRA	SBT-ATRA
615	SBT	SBT	SSP	SBT		SBT			
616	SSO								
635	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
702									
714	SBT-QGN/SSP-IVGN			SBT-QGN/SSP-IVGN			SBT-QGN/SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN
732	SBT/SSO/SSP-IN-HOUSE	SBT-IN-HOUSE		SBT-IN-HOUSE			SBT-IN-HOUSE	SBT-IN-HOUSE	SBT-IN-HOUSE
743	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
805	SBT-ATRA/SSO-GP/SSP-IVGN			SBT-ATRA/SSO-GP/SSP-IVGN			SBT-ATRA/SSO-GP/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-GP/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-GP/SSP-IVGN
1018	SBT-ATRA/SSP-OL	SSP-OL	SSP-IVGN	SSP-ATRA-OL			SBT-ATRA/SSP-OL-IVGN	SBT-ATRA/SSP-OL-IVGN	SBT-ATRA/SSP-OL-IVGN
1113	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SSP-GV	SSO-LUM	SBT-ATRA/SSP-BNBIS/SSO-LUM		SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV
1189	SSOP-INGNTCS	SSOP-INGNTCS		SSOP-INGNTCS			SSOP-INGNTCS	SSOP-INGNTCS	SSOP-INGNTCS
1212	SSO-LUM	SSP-IVGN		SSP-OL			RSSO-LUM/SSP-IVGN	RSSO-LUM/SSP-IVGN	RSSO-LUM/SSP-IVGN
1251									
1498	SSO	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN			SBT	SBT	SBT
1647	SSO-GP	SSO-GP		SSO-GP		SSO-GP	SSO-GP	SSO-GP	SSO-GP
1686	SSP	SSP	SSP	SSP		SSP	SSP	SSP	SSP
1905	SSO-OL/SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSO-OL/SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN
2004									
2013	SSOP-LUM/SSP-DYNL	SSOP-LUM		SSOP-LUM			SSOP-LUM	SSOP-LUM	SSOP-LUM
2015									
2063	SSO/SSP	SSO	SSO	SSO			SSO/SSP	SSO/SSP	SSO/SSP
2347	SSO/SSP	SSO/SSP		SSO/SSP		SSP	SSO/SSP	SSO/SSP	SSO/SSP
2411	SSP/SSO-LUM						SSO-LUM/SSP	SSO-LUM/SSP	SSO-LUM/SSP
2518	SSO-OL		SSO-OL	SSO-OL			SSO-OL	SSO-OL	SSO-OL
2549	SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSO-BIOTST/SSP-IVGN		SBT-ATRA	SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN
3248									
3261	SBT-QGN/SSP-IVGN	SSP-IVGN		SBT-QGN/SSP-IVGN			SBT-QGN/SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN
3264	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV								
3324	SBT-ATRA/SSP-IVGN-OLRP	SBT-ATRA/SSP-IVGN-OLRP	SBT-ATRA/SSP-IVGN-OLRP	SBT-ATRA/SSP-IVGN-OLRP		SBT-ATRA/SSP-IVGN-OLRP	SBT-ATRA/SSP-OLRP	SBT-ATRA/SSP-OLRP	SBT-ATRA/SSP-OLRP
3325	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
3410	SBT-ATRA/SSO-IVGN/SSP-GV			SBT-ATRA/SSO-IVGN/SSP-GV			SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV
3438	SBT-PRTRNS			SBT-PRTRNS			SBT-ABT	SBT-ABT	SBT-ABT
3522									
3548									
3582	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM	SSO-LUM	SBT		SBT	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM	SBT
3600	SSP-PF	SSP-PF		SSP-PF-OL			SSP-PF	SSP-PF	SSP-PF
3614	SSO-OL			SSP-OL			SSO-OL/SSP-OL	SSO-OL/SSP-OL	SSO-OL/SSP-OL
3625	SBT		SSP	SSP		SBT	SSP	SBT/SSP	SSP
3807	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
3849	SBT/SSOP	SSOP/SSP	SSOP-LUM	SBT/SSOP			SSOP	SSOP	SSOP
4237									
4281									
4336	SBT-ATRA/SSCP			SBT-ATRA			SBT-ATRA	SBT-ATRA	SBT-ATRA
4420	WAK-FLOW						WAK-FLOW	WAK-FLOW	WAK-FLOW
4545		SSOP/SSP	SSOP-LUM				SBT-CLRA/SSOP-OL	SBT/SSOP	SBT/SSOP/SSP-OLRP
4551	SSP-OLRP/SSO-OL	SSP-OLRP		SSP-OLRP/SSO-OL			SBT-PRTRNS/SSP-IVGN/SSO-OL	SBT-PRTRNS/SSP-IVGN/SSO-OL	SBT-PRTRNS/SSP-IVGN/SSO-OL
4585	SSO-IVGN-DYNL			SSO-IVGN-DYNL			SSO-IVGN-DYNL/SSP	SSO-IVGN-DYNL/SSP	SSO-IVGN-DYNL/SSP
4613									
4653	SBT/SSP			SBT/SSP			SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
4709									
5204		SSO-OL/SSP-GV					SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN
5720	SBT-ATRA-PRTRNS/SSP-GV-PF/SSO-OL			SBT-ATRA-PRTRNS/SSP-GV-PF/SSO-OL		SBT-ATRA-PRTRNS/SSP-GV-PF/SSO-OL	SBT-ATRA-PRTRNS/SSP-GV-PF/SSO-OL	SBT-ATRA-PRTRNS/SSP-GV-PF/SSO-OL	SBT-ATRA-PRTRNS/SSP-GV-PF/SSO-OL
5982									
6051	SSO-OL	SSO-OL		SSO-OL		SSO-OL	SSO-OL	SSO-OL	SSO-OL
6313	SSOP-INGNTCS			SSOP-INGNTCS			SSOP-INGNTCS	SSOP-INGNTCS	SSP-IVGN
9221	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
197H	SBT-QGN		SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN		SBT-QGN	SBT-QGN	SBT-QGN	SBT-QGN
197L	RSSO-OL	RSSO-OL		RSSO-OL		RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL
4582H	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL	SSO-OL/SSP-IVGN			SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN
4582L	SSO-OL	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL	SSO-OL/SSP-IVGN			SSO-OL	SSO-OL	SSO-OL