

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE



95TH SUMMARY

MAY 20, 2009

JOHN MURAMOTO, CHS / CLIN. GENETIC MB SCI.
 J. MICHAEL CECKA, PH.D
 ELAINE F. REED, PH.D

DNA Sample	
#591	#592
#593	#594
#595	#596

DNA #591 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	2601	6803	216/216	130/131	86/92
B*	1401	3548	216/216	145/147	87/90
Cw*	0702	0802	186/186	108/108	59/90
DRB1*	0407	0701	220/220	156/158	84/86
DRB3*					
DRB4*	0101	0103	140/140	87/87	14/16
DRB5*					
DQA1*	0201	0301	68/68	45/46	5/8
DQB1*	0202	0302	196/196	150/151	72/72
DPB1*	0401	1401	69/70	69/70	44/44
DPA1*	0103	0201	8/8	5/5	

Agreement for this sample was greater than 95%.
 This sample was previously sent as DNA #540 (11/2007). In 2007, consensus for B*3548 was 91%. Consensus is now 97%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 6801. Not excluded: 2601g, 2625, 6824.
 B*: 3501/68. Not excluded: 3501/23.
 Cw*: Not excluded: 0717/50, 0805/7/17.
 DRB1*: 0401/13. Not excluded: 0715.

DNA #592 ASIAN IND

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	0201		110/110	63/63	41/46
B*	4402	5101	220/220	119/121	68/90
Cw*	0501	1402	190/190	129/129	80/90
DRB1*	0801	1301	226/226	157/158	82/86
DRB3*	0101		73/73	53/53	7/8
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0103	0401	68/68	51/51	5/8
DQB1*	0402	0603	199/199	151/153	73/74
DPB1*	0201	0401	66/70	65/69	38/40
DPA1*	0103		4/4	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

B*: 4420, 5104. Not excluded: 4419/23/27, 5135.
 C*: Not excluded: 0503/7.
 DRB1*: 1302. Not excluded: 0817, 1340/69.
 DQB1*: BLANK, 0608. Not excluded: 0401, 0630.
 DQB1*: Not excluded: 0319.

DNA #593 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2402	2601	214/214	108/109	68/92
B*	3901	5401	214/214	126/127	81/92
Cw*	0102	0702	180/180	114/114	67/90
DRB1*	0405	0803	220/220	157/158	86/86
DRB3*					
DRB4*	0103		70/70	52/52	7/8
DRB5*					
DQA1*	0103	0303	66/66	43/43	5/8
DQB1*	0401	0601	194/194	152/152	72/72
DPB1*	0201	0501	70/70	68/69	43/44
DPA1*	0103	0202	8/8	7/7	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 2609. Not excluded: 2402g/86, 2601g/10/25.
 B*: 3906. Not excluded: 3904/4, 5402/7/13/17.
 Cw*: Not excluded: 0117, 0750.
 DRB1*: 0401/11. Not excluded: 0457, 0801/18/33.

DNA #594 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2402	6803	207/208	124/127	82/90
B*	3543	3906	207/208	132/136	86/90
Cw*	0102	0702	180/180	107/108	65/88
DRB1*	0403	1406	214/214	150/152	84/84
DRB3*	0101		68/68	49/49	7/8
DRB4*		0103	68/68	50/50	7/8
DRB5*					
DQA1*	0301	0503	64/64	42/42	1/8
DQB1*	0301	0302	188/188	131/131	59/70
DPB1*	0402		34/34	33/33	20/20
DPA1*	0103		4/4	3/4	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 2444, 2601. Not excluded: 2488, 6824.
 B*: 3505/22, 3924, 4403. Not excluded: 3567/79, 3934.
 Cw*: 0101. Not excluded: 0117, 0750.
 DRB1*: 0401/11, 1402/3. Not excluded: 0452/71, 1407.

DNA #595 CAUC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	3001	204/204	111/111	75/88
B*	1801	3501	204/204	103/104	52/88
Cw*	0701	1601	173/174	104/105	68/84
DRB1*	0302	1104	209/210	146/147	78/84
DRB3*	0101	0202	128/132	91/91	12/16
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0401	0505	64/64	29/29	2/8
DQB1*	0301	0402	184/184	133/133	62/70
DPB1*	0101	1401	64/64	64/64	38/38
DPA1*	0201		4/4	3/3	0/4

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 0204/90., 3006/16/24.
 B*: 1820. Not excluded: 1808/17, 3504/42.
 C*: 1203. Not excluded: 0706/18 .
 DRB1*: 1101. Not excluded: 0303, 1160.

DNA #596 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2402	3402	202/204	115/115	79/88
B*	1302	1402	204/204	129/130	83/88
Cw*	0602	0802	170/170	113/113	79/84
DRB1*	0701	1454	210/210	127/135	61/84
DRB3*	0202		66/66	43/44	6/8
DRB4*		0103	66/66	46/46	6/8
DRB5*					
DQA1*	0105	0201	62/62	38/40	5/8
DQB1*	0202	0503	182/182	138/140	70/70
DPB1*	0401		31/31	31/31	19/19
DPA1*	0103		4/4	2/2	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: BLANK. Not excluded: 3401/4.
 B*: 1401. Not excluded: 1308, 1409.
 Cw*: Not excluded: 0611, 0812.
 DRB1*: 1401. Not excluded: 0709, 1454/75.
 DQB1*: 0201/4, 0501/5. Not excluded:

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #591

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	07	401	401	02	03	02	03					26	68	14	35	07	08
16	040701	070101	40101	40103	0201	03	0202	0302	040101	1401			260101	680301	1401	3548	0702/50	0802
61																		
80	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
124	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302	0401	1401			26	6803	1401	3548	07	0802/5
131	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
134																		
138	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
139	04	07	401	401									26	68	1401	35		
142	04	07	401	401			02	0302					26	68	1401	35		
144																		
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	0407	0701	4	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702/50	0802
151	040701	0701	4	4			0202	0302					2601/25	680301	1401	350101	070201	0802
152	BLANK	07											26	68	14	35		
153	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
155	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
156	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
158	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
160																		
162	040701	070101					0202	030201					260101g	680301	1401	3548	070201	0802
163							NT	NT					2601	6803			07	08
164	04	07											26	68	14	35		
166																		
167	040701	0701					0202	030201					260101	680301	1401	3548	070201	0802
168	04	07											26	68	14	35		
170	0407	0701	4	40103			0202	0302					26	6803	1401	35	07	08
171	0407	0701	40101	40103			0202	0302					26	68	14	35	07	08
173					0201	03	02	0302					26	68	14	35		
174	0407	07											26	6803/24	1401	3548		
175	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	07	08
176																		
179	04	0701	401	401	0201	03	0202	0302					26	6803	1401	3548	07	08
180																		
185	040701	070101					0202	030201					26	680301	1401	3548	07	08
186																		
187	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702/17	0802/7
188	0407	07							0401	1401								
189	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
190	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
192	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
193	0407	07											26	68	1401	35		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0407	0701	4	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
197	0407	0701	401	401	0201	0301/3	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
199	04	07	4	4			02	03										
201	0407	0701	40101	40103			0202	0302					26	68	14	35	07	08
203	0407	0701	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
204	0407	0701											2601	6803	1401	3548	0702	0802
205	0407	0701	401	401	0201	0301	0202	0302	0401	1401	0103/10	0201	2601	6803	1401	3548	0702	0802
206	04	07											26	68	14	35		
207	0407	0701					0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
208	04	07											26	68	14	35		
209	0407	0701	401	4	02	03	02	03					26	68	14	35	07	08
210													26	680301	1401	3548	0702/50	0802
211	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302	0401	1401	01	0201	2601	6803	1401	3548	07	08
212	040701	070101	401010101401030101				0202	030201	040101	1401			260101	680301	1401	3548	070201	0802
213																		
214													26	680301	1401	3548	07	08
215	NT	NT	NT	NT														
216	04	07	401	401			02	03					26	68	1401/64	3548	07	08
218	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
219																		
220	0407	07											26	68	1401/7	3548	07	08
221																		
222	04	07	401	401			02	03					26	68	14	35		
223	0407	07			0201	030101	0202	0302	040101	1401					1401	3548		
224	04	07	401	401			02	03					26	68	14	35		
225	0401/13	0701	4	4			0201/4	0302					2601	6801	1401/7	3548	NT	NT
230	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548/23	0702	0802

DNA #591

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	0407	07	40101	40103	0201	0301	0202	0302					26	68	14	35		
278	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
291	0407/74	07	401	401	0201	0301	0202	0302					26	68	1401/8	35	07	08
401	0407	0701					0202	0302	0401	1401								
452	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
519	0407	0701					0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	07	0802/7
615	0407	0701	401	401	02	03	0202	0302	0401	1401								
616	04	07																
635	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
702	0407	0701	40101	40103	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
714	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
726	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
732	040701	070101	4010101	4010301			0202	0302					260101	680301	1401	3548	0702/50	0802
743	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
805	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	07	08
1018	0407	0701	4	4	0201	0302	0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
1113	0407	0701	4	40103	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
1189	0407	0701	4	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3568	0702	0802
1212	0407	0701	4	4			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
1251	0407	0701	4	4	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
1498	0407	070101	4	40103	0201	030101	0202	0302					26	68	14	35	07	08
1647	04	07	4	4			02	03	0401	0201			26	68	14	35	07	08
1686	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401	0103	0201	2601	6803	1401	3548	0702	0802
1905	0407	0701	4	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
2004																		
2013	0407	0701	4	4			0202	0302					26	68	14	35	07	08
2015																		
2019	0407	0701	4	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
2063	0407	0701/15	401	401	0201	03	0202	0302										
2347	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
2411	04	07											26	68	14	35		
2518	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
2549	0407	0701	NT	NT	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702/50	0802
3248																		
3261	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3264	0407	0701	4	40103	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
3324	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	07	0802/7
3325	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35		
3410	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3438	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3522	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3548	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3582	0407	0701	401	401	NT	NT	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	35	07	08
3600	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
3614	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3501/48	0702	0802
3625	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
3807	04	07	4	4	0201	0301	0202	0302	0401	1401	01	02	26	68	1401/7	3548	07	08
3849	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302					26	6803/24	1401	35	07	08
4237																		
4281																		
4336	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	07	08
4420	0407	0701											2601	6803	1401	3501/48	0702	0802
4545	0407	0701	4	40103	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702/50	0802
4551	0407	0701	NT	NT			02	03	NT	NT			26	68	14	35	07	08
4582	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
4585	0407	07					02	03					26	68	1401	35	07	08
4613													2601	6803	1401	3548	0702	0802
4623																		
4653	040701	070101					0202	0302					260101	680301	1401	3548	07	0802
4709	0407	0701	40101	401	0201	0301	0202	0302	NT	NT			2601/37	6803	1401	3548	0702	0802
5204													2601	6803	1401	35	0702	0802
5365	04	07	4	4	0201	03	02	03					26	68	14	35	07	08
5720	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
5982	040101	0701					0202	030201	040101	1401			260101	680301	1401	3548	0702/17	0802/17
6051	0407	0701	401	401			02	0302	0401	1401			26	6803	1401	35	07	08
6313	0407	07					0202	0302					26	68	1401	35	07	08
9221	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08

DNA #592

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	08	13	301	BLANK	01	04	04	06					02	BLANK	44	51	05	14
16	0801	130101	30101	BLANK	0103	04	0402	0603/28	020102	04010101			020101	BLANK	4402/19	510101	050101	140201
61																		
80	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
124	0801	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401			02	BLANK	44	51	0501/3	1402
131	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
134																		
138	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
139	08	13	301	BLANK									02	BLANK	44	51		
142	08	13	301	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51		
144																		
147	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
148	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
151	0801	130101	3	BLANK			0402	0603					020101	BLANK	440201	510101	050101	1402
152	08	13											02	BLANK	44	51		
153	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
155	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603										
156	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
158	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
160																		
162	0801g	130101					0402	060301					0201g	BLANK	440201g	5101g	0501/3	140201
163							0402	0608					0201	BLANK			05	14
164	08	13											02	BLANK	44	51		
166																		
167	0801	130101					0402	060301					020101	BLANK	440201	510101	050101	140201
168	08	13											02	BLANK	44	51		
170	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603					02	BLANK	44	51	05	14
171	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603					02	BLANK	44	51	05	14
173					0103	04	0402	0603/14					02	BLANK	44	51		
174	08	13											02	BLANK	44	51		
175	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101/35	05	14
176																		
179	08	13	3	BLANK	0103	04	0402	0603/28					02	BLANK	44	51	0501/3	1402
180																		
185	0801	130101					0402	060301					02	BLANK	44	51	05	140201
186																		
187	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402/19	5101	0501	1402
188	0801	1301							0201	0401								
189	0801	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
190	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
192	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
193	08	13											02	BLANK	44	51		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
197	0801	1301	301	BLANK	0103	0401	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501g	1402
199	08	13	3	BLANK			04	06										
201	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603					02	BLANK	44	51	05	14
203	0801	1301	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
204	0801	1301											0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
205	0801	1301	301	BLANK	0103	0401	0402	0603	0201	0401	0103/10	BLANK	0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
206	08	13											02	BLANK	44	51		
207	0801	1301					0402	0603	NT	NT			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
208	08	13											02	BLANK	44	51		
209	0801	1301	30101	BLANK	01	04	04	06					02	BLANK	44	51	05	14
210													02	BLANK	44	51	05	140201
211	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401	01	BLANK	0201	BLANK	44	51	0501/3	1402
212	0801	130101	3010102	BLANK			0402	060301	020102	040101			020101	BLANK	44020101	510101	050101	140201
213																		
214																		
215	08	13	3	BLANK														
216	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
218	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
219																		
220	0801	1301											02	BLANK	44	51	05	14
221																		
222	08	13	301	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51		
223	0801	1301			0103	0401	0402	06	020102	040101					44	51		
224	08	13	301	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51		
225	0801/3	1301/2	30101	BLANK			0401/2	0601/30					0201	0201	4402	5101	0501	1402
230	0801	1301	30101	BLANK	NT	NT	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402

DNA #592

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603/28				02	BLANK	44	51			
278	0801	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603/28				0201	BLANK	4402	5101	0501	1402/7	
291	08	13	301	BLANK	0103	0401	0402	0603/28				02	BLANK	44	51	05	14	
401	0801	1301					0402	0603	0201	0401								
452	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
519	0801	1301					0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402/19	5101	0501	1402
615	0801	1301	30101	BLANK	01	04	0402	0603	0201	0401								
616	08	13																
635	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
702	0801	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603	0602	3301			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
714	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
726	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
732	0801	130101	30101	BLANK			0402	0603					020101	BLANK	4402/19	510101	050101	140201
743	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
805	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	44	5101	0501/3	1402
1018	0801	1301	3	BLANK	0103	0401	0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
1113	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
1189	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
1212	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
1251	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
1498	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603/28					02	BLANK	44	51	05	14
1647	08	13	3	BLANK			04	06	0401	1401			02	BLANK	44	51	05	14
1686	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0201	0401	0103	BLANK	0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
1905	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
2004																		
2013	0801	1301	301	BLANK			BLANK	0603					02	BLANK	44	51	05	14
2015																		
2019	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
2063	0801	1301/69	301	BLANK	0103	04	0402	0603/28										
2347	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
2411	08	13											02	BLANK	44	51		
2518	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
2549	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	NT	NT			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3248																		
3261	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3264	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3324	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3325	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51		
3410	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3438	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3522	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3548	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3582	0801/17	1301/40	301	BLANK	NT	NT	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	44	51	0501/3	1402
3600	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14
3614	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402/23	5101	0501/7	1402
3625	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
3807	0801	13	3	BLANK	0103	0401	0402	06	02	0401	0103	BLANK	02	BLANK	4402	5101	0501	1402
3849	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603					02	BLANK	44	51	05	14
4237																		
4281																		
4336	0801	1301					0402	0603					0201	BLANK	4402/19	5101	0501	1402
4420	0801	1301											0201	BLANK	4402/27	5101	0501	1402
4545	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402/19	5101	0501	1402
4551	0801	1301	NT	NT			04	06	NT	NT			02	BLANK	44	51	05	14
4582	0801	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603					0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
4585	08	13					04	06					02	BLANK	44	51	05	1402
4613													0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
4623																		
4653	0801	130101					0402	0603					020101	BLANK	44	510101	050101	140201
4709	0801	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603/28		0201	0401		0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
5204													0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
5365	08	13	3	BLANK	0103	04	04	06					0201	BLANK	44	51	05	14
5720	0801	1301	30101	BLANK			0402	0603	0201	0401			0201	BLANK	4402	5101	0501	1402
5982	0801	130101					0402	060301	020102	040101			020101	BLANK	4402/19	510101	050101	140201
6051	08	1302	301	BLANK			0402	0603/28		0201	0401		02	BLANK	4402	51	05	14
6313	08	13					0402	0603/28					02	BLANK	44	51	05	14
9221	08	13	3	BLANK			04	06					02	BLANK	44	51	05	14

DNA #593

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	08	401	BLANK	01	03	04	06					24	26	39	54	01	07
16	0405	080302	40103	BLANK	0103	03	0401	0601	020201	0501			240201	260101	390101	5401	010201	0702/50
61																		
80	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
124	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			24	26	3901	5401/17	0102	0702/50
131	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
134																		
138	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
139	04	08	401	BLANK									24	26	39	5401/2		
142	04	08	401	BLANK			04	06					24	26	39	54		
144																		
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
151	0405	080302	4	BLANK			0401	0601					2402/86	2601/25	3901	5401	0102	070201
152	04	08											24	26	39	54		
153	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
155	0405	0803	40103	BLANK	0103	0303	0401	0601										
156	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
158	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
160																		
162	040501	080302					0401	0601g					2402g	260101g	3901g	5401	0102g	070201g
163							NT	NT					24	26			01	07
164	04	08											24	26	39	54		
166																		
167	0405	080302					0401	0601					240201	260101	3901	5401	010201	070201
168	04	08											24	26	39	54		
170	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601					24	26	39	54	01	07
171	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601					24	26	39	54	01	07
173					0103	03	0401	0601					24	26	39	54		
174	04	08											24	26	39	54		
175	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	01	07
176																		
179	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601					24	26	3901	5401	01	07
180																		
185	0405	080302					0401	060101					24	26	39	54	01	07
186																		
187	0405	0803					0401	0601					2402/21	2601/10	3901	5401	0102	0702/50
188	0405	0803							0201	0501								
189	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
190	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
192	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
193	04	08											24	26	39	54		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0405	0803/33	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102/17	0702
197	0405	0803	401	BLANK	0103	0303	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
199	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
201	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601					24	26	39	54	01	07
203	0405	0803	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
204	0405	0803											2402	2601	3901	5401	0102	0702
205	0405	0803	401	BLANK	0103	0303	0401	0601	0201	0501	0103/10	0202/4	2402	2601	3901	5401	0102	0702
206	04	08											24	26	39	54		
207	0405	0803					0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
208	04	08											24	26	39	54		
209	0405	080302	40103	BLANK	01	03	04	06					24	26	39	54	01	07
210													24	26	3901	5401	0102	0702/50
211	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501	01	0202	24	26	39	5401/17	0102/17	07
212	0405	080302	401030101	BLANK			0401	060101	020102	0501			24020101	260101	390101	5401	010201	070201
213																		
214													24	26	3901	54	NT	NT
215	NT	NT	NT	NT														
216	04	08	401	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
218	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
219																		
220	0405/57	0803/33											24	26	39	54	01	07
221																		
222	04	08	401	BLANK			04	06					24	26	39	54		
223	0405	0803			0103	0303	0401	0601	020102	0501								
224	04	08	401	BLANK			04	06					24	26	39	54		
225	0401/11	0801/3	4	BLANK			0401/2	0601/30					2402	2601	3901/4	5401/2	NT	NT
230	0405	0803	40103	BLANK	0103	0302/3	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702

DNA #593

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	0405/57	0803	401	BLANK	0103	0303	0401	0601					24	26	39	54		
278	0405	0803	40103	BLANK	0103	03	0401	0601					24	26	3901	5401	01	07
291	04	08	401	BLANK	0103	0303	0401	0601					24	26	39	54	01	07
401	0405	0803					0401	0601	0201	0501								
452	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
519	0405	0803					0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702/50
615	0405	0803	401	BLANK	01	03	0401	0601	0201	0501								
616	04	08																
635	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
702	0405	0803	40103	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
714	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
726	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
732	040501	080302	4010301	BLANK			0401	0601					240201	260101	3901	5401	010201	0702/50
743	04	08	4	BLANK			04	06					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0405	0803					0401	0601					24	26	3901	5401	0102	0702/50
1018	0405	0803	4	BLANK	0103	0303	0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
1113	0405	0803	40103	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
1189	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401/13	0102	0702
1212	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601					2402	2601	39	5401/7	0102	0702
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	0405	080302	40103	BLANK	0103	0303	0401	0601					24	26	39	54	01	07
1647	04	08	4	BLANK			04	06	0201	0501			24	26	39	54	01	07
1686	0405	0803	40103	BLANK	0103	0303	0401	0601	0201	0501	0103	0202	2402	2601	3901	5401	0102	0702
1905	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
2004																		
2013	0405	0803	401	BLANK			0401	0601					24	26	39	54	01	07
2015																		
2019	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
2063	0405	0803/33	401	BLANK	0103	03	0401	0601										
2347	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
2411	04	08											24	26	39	54		
2518	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
2549	0405	0803	40103	BLANK	0103	0303	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702/50
3248																		
3261	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702/50
3264	0405	0803	40103	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
3324	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702/50
3325	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54		
3410	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
3438	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
3522	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
3548	0405	0803/18	40103	BLANK			0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
3582	0405	0803	401	BLANK	NT	NT	0401	0601	0201	0501			24	26	3901/46	5401/17	01	07
3600	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07
3614	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
3625	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			24	26	3901	5401	0102	0702
3807	0405	0803	4	BLANK	0103	0303	0401	0601	02	0501	0103	0202	24	2609	3901/4	5401	0102	0702
3849	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601					24	26	39	54	01	07
4237																		
4281																		
4336	0405	0803					0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702/50
4420	0405	0803											2402	2601	3901	5401	0102	0702
4545	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702/50
4551	0405	0803	NT	NT			04	06	NT	NT			24	26	39	54	01	07
4582	0405	0803	401	BLANK	0103	03	0401	0601					2402	2601	3901	5401	0102	0702
4585	04	08					0401	0601					24	26	39	54	01	07
4613													2402	2601	3901	5401	0102	0702
4623																		
4653	040501	080302					0401	0601					240201	260101	390101	5401	0102	07
4709	0405	0803	40103	BLANK	0103	0303	0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
5204													2402	2601	3901	5401	0102	0702
5365	04	08	4	BLANK	0103	03	04	06					24	26	39	54	01	07
5720	0405	0803	40103	BLANK			0401	0601	0201	0501			2402	2601	3901	5401	0102	0702
5982	0405	080302					0401	060101	020102	0501			240201	260101	3901	5401	010201	070201
6051	0405	0803	401	BLANK			0401	0601	0201	0501			24	26	3906	54	01	07
6313	04	08					0401	0601					24	26	39	54	01	07
9221	04	08	4	BLANK			04	06					24	26	39	54	01	07

DNA #594

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus									
7	04	14	301	401	03	05	03	03	24	68	35	39	01	07				
16	040301	1406	30101	40103	0301	0503/7	0301/13	0302	0402	BLANK	240201	680301	3543	390602	010201	0702/50		
61																		
80	04	14	3	4			03	03			24	68	35	39	01	07		
124	0403	1406	30101	401	0301	0503/7	0301/19	0302	0402	BLANK	24	6803	35	3906	0102	0702/50		
131	04	14	3	4			03	03			24	68	35	39	01	07		
134																		
138	0403	1406					0301	0302			2402	6803	3543	3906	0102	0702		
139	04	14	301	401							24	68	35	3906				
142	04	14	301	401			0301	0302			24	68	35	39				
144																		
147	0403	1406	30101	40103	0301	0503	0301/19	0302	0402	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		
148	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		
151	040301	1406	3	4			0301	0302			2402/86	680301	3543	3906	0102	070201		
152	04	14									24	68	35	39				
153	04	14	3	4			03	03			24	68	35	39	01	07		
155	0403	1406	30101	40103	0301	0503	0301	0302			2402	6803	3543	3906	0102	0702		
156	0403	1406					0301	0302			2402	6803	3543	3906	0102	0702		
158	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		
160																		
162	040301	1406					030101g	030201			2402g	680301	3543g	390602	0102g	070201g		
163							NT	NT			2402	6803			01	07		
164	04	14									24	68	35	39				
166																		
167	040301	1406					030101	030201			240201	680301	3543	390602	010201	070201		
168	04	14									24	68	35	39				
170	0403	1406	30101	40103			0301	0302			24	6803	35	3906	01	07		
171	0403	1406	30101	40103			0301	0302			24	68	35	39	01	07		
173					03	05	03	03			24	68	35	39				
174	04	1406									24	6803/24	35	3906				
175	0403	1406					0301	0302			2402	6803	3543	3906	01	07		
176																		
179	0403	1406	3	401	03	05	03	03			24	6803	35	3906	01	07		
180																		
185	040301	1406					03	03			24	680301	35	390602	01	07		
186																		
187	0403	1406					0301/3	0302/4			2402	6803	3543	3906	0102	0702/50		
188	0403	1406							0402	BLANK								
189	0403	1406	30101	401	0301	0503/7	0301/19	0302			2402	6803	3543	3906	0101	0702		
190	04	14	3	4			03	03			24	68	35	39	01	07		
192	0403	1406	30101	40103			0301	0302			2402	6803	3543	3906	0102	0702		
193	04	1406									24	6803/24	3543/67	3906				
194	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		
195	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		
197	0403	1406	301	401	0301	0503	0301	0302	0402g	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		
199	04	14	3	4			03	03			24	68	35	39	01	07		
201	0403	1406	30101	40103			0301	0302			24	68	35	39	01	07		
203	0403	1406	3	4			03	03			24	68	35	39	01	07		
204	0403	1406									2402	6803	3543	3906	0102	0702		
205	0403	1406	301	401	0301	0503	0301	0302	0402	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		
206	04	14									24	68	35	39				
207	0403	1406					0301	0302	0402	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		
208	04	14									24	68	35	39				
209	0403	1406	30101	40103	03	05	03	03			24	68	35	39	01	07		
210											24	680301	35	390602	0102	0702/50		
211	0403	1406	301	401	0301	0503/7	0301	0302	0402	BLANK	01	BLANK	2402	6803	35	3906	0102/17	07
212	040301	1406	3010102	401			0301/19	030201	0402	BLANK	24020101	260101	3543	390602	010201	070201		
213																		
214											24	680301	35	390602	01	07		
215	NT	NT	NT	NT														
216	04	14	3	401			03	03			24	68	35	3906	01	07		
218	0403	1406					0301	0302			2402	6803	3543	3906	0102	0702		
219																		
220	04	1406									24	68	35	39	01	07		
221																		
222	04	14	301	401			03	03			24	68	35	39				
223	04	1406			030101	05	03	0302	0402	BLANK			35	3906				
224	04	14	301	401			03	03			24	68	35	39				
225	0401/11	1402/3	30101	4			0301	0302			2444	6801/6	3505/22	3906	0102	0702		
230	0403	1406	30101	40103	0301	0503/7	0301	0302	04	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702		

DNA #594

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT				
278	0403	1406	30101	40103	0301	0503/7	0301/19	0302					24	6803	3543	3906	01	07
291	04	1406/7	301	401	0301	05	03	03					24	6803	35	3906/34	01	07
401	0403	1406					0301/19	0302	0402	BLANK								
452	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
519	0403	1406					0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702/50
615	0403	1406	30101	401	03	05	0301/19	0302	0402	BLANK								
616	04	14																
635	04	14	3	4			03	03					24	68	35	39	01	07
702	0403	1406	30101	40103	0301	05	0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
714	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
726	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
732	040301	1406	30101	4010301			0301/19	0302					240201	680301	3543	390602	010201	0702/50
743	04	14	3	4			03	03					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0403	1406					03	0302					24	6803	3543	3906	0102	0702/50
1018	0403	1406	3	4	0301	0503	0301	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
1113	0403	1406	301	40103	0301	05	0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
1189	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543/79	3906	0102	0702
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	0403	1406	30101	40103	030101	0503	0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543/79	3906	0102	0702
1498	0403	1406	30101	40103	030101	0503	0301	0302					24	68	35	3906	01	07
1647	04	14	3	4			03	03	0402	BLANK			24	68	35	39	01	07
1686	0403	1406	30101	40103	0301	0503	0301	0302	0402	BLANK	0103	BLANK	2402	6803	3543	3906	0102	0702
1905	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
2004																		
2013	0403	1406	301	401			0301	0302					24	68	35	39	01	07
2015																		
2019	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
2063	0403/71	1406	301	401	0301	0503/7	03	0302										
2347	04	14	3	4			03	03					24	68	35	39	01	07
2411	04	14											24	68	35	39		
2518	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
2549	0403	1406	30101	40103	0301	0503	03	0302	NT	NT			2402	6803	3543	3906	0102	0702/50
3248																		
3261	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3906	01	07
3264	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
3324	0403	1406	301	401	03	05	0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702/50
3325	04	14	3	4			03	03					24	68	35	39		
3410	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3902	0102	0702
3438	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
3522	0403	1406					03	03					2402	6803	3543	3906	0102	0702
3548	0403	1406	301	40103			0301/19	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
3582	0403	1406	301	401	NT	NT	0301/19	0302	0402	BLANK			24	6803	4403	3924	01	07
3600	04	14	3	4			03	03					24	68	35	39	01	07
3614	0403/52	1406					030101	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
3625	0403	1406	301	401	03	05	0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
3807	04	14	3	4	03	05	03	0302	0402	BLANK	0103	BLANK	24	6803	3543	3906	01	07
3849	0403	1406	301	401	0301	0503/7	0301	0302					24	6803/24	3543	390602	01	07
4237																		
4281																		
4336	0403	1406					0301	0302					2402	6803	3543	3906	01	07
4420	0403	1406											2402	6803	3543	3906	0102	0702
4545	0403	1406	301	401	0301	05	0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702/50
4551	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
4582	0403	1406	301	401	0301	0503/7	0301	0302					2402	6803	3543	3906	0102	0702
4585	04	14					03	03					24	68	35	3906	01	07
4613													2402	6803	3543	3906	0102	0702
4623																		
4653	040301	1406					0301	0302					240201	680301	3543	390602	0102	07
4709	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													2402	6803	3543	3906	0102	0702
5365	04	14	3	4	0301	05	03	03					24	68	35	39	01	07
5720	0403	1406	30101	40103			0301	0302	0402	BLANK			2402	6803	3543	3906	0102	0702
5982	040301	1406					030101	030201	0402	BLANK			240201	680301	3543	390602	010201	070201
6051	0403	1406	301	401			0301	0302	0402	BLANK			24	6803	3543	3906	01	07
6313	04	1406					03	03					24	68	35	39	01	07
9221	04	14	3	4			03	03					24	68	35	39	01	07

DNA #595

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	03	11	301	302	04	05	03	04					02	30	18	35	07	16
16	030201	110401	30101	302	04	0505/9	0301/19	0402	010101	1401			020101	300101	1801/17	3501/42	0701/18	160101
61																		
80	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
124	0302	1104	30101	30202	04	0505/9	0301/19	0402	0101	1401			02	3001/24	1801/17	35	07	1601
131	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
134																		
138	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
139	03	11	301	302									02	30	18	35		
142	03	11	301	302			0301	04					02	30	18	35		
144																		
147	0302	1104	30101	30202	0401	0505	0301/19	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
148	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501/42	0701	1601
151	030201	110401	3	3			0301	0402					020101	300101	1801	3501	0701	1601
152	08	11											02	30	BLANK	35		
153	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
155	0302	1104	30101	30202	0401	0505	0301	0402										
156	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
158	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
160																		
162	030201	110401					030101g	0402					0201g	3001g	180101g	3501g	0701g	160101
163							0301	0402					0201	3001			07	16
164	03	11											02	30	18	35		
166																		
167	030201	110401					030101	0402					020101	300101	180101	350101	070101	160101
168	03	11											02	30	18	35		
170	0302	1104	30101	30202			0301	0402					02	30	18	35	07	16
171	0302	1104	30101	30202			0301	0402					02	30	18	35	07	16
173					04	05	03	0402					02	30	18	35		
174	0302/3	11											02	30	18	35		
175	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801/20	3501	07	16
176																		
179	03	11	3	3	04	05	03	0402					02	30	18	35	07	1601
180																		
185	030201	110401					0301/19	0402					02	30	18	35	07	160101
186																		
187	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801/7	3501/20	0701/6	1601
188	0302	1104							0101	1401								
189	0302	1104	30101	30202	04	0505/9	0301/19	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
190	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
192	0302	1104	30101	30202			0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
193	0302/3	11											02	30	18	35		
194	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
195	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT	NT	NT
197	0302	1104	301	302	0401	0505	0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801g	3501	0701g	1601
199	03	11	3	3			03	04										
201	0302	1104	30101	30202			0301	0402					02	30	18	35	07	16
203	0302	1104	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
204	0302	1104											0201	3001	1801	3501	0701	1601
205	0302	1104	301	302	0401	0505	0301	0402	0101	1401	0201	BLANK	0201	3001	1801	3501	0701	1601
206	03	11											02	30	18	35		
207	NT	NT					NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	03	11											02	30	18	35		
209	0302	1104	30101	30202	04	05	03	04					02	30	18	35	07	16
210													02	30	18	35	07	160101
211	0302	1104	301	302	04	0505/9	0301	0402	0101	1401	0201	BLANK	0201	3001	18	35	07	1601
212	030201	110401	3010102	3020201			0301/19	0402	010101	1401			0201	300101	180101	350101	070101	160101
213																		
214													02	30	18	35	07	160101
215	NT	NT	NT	NT														
216	0302	11	3	302			03	04					02	30	18	35	07	16
218	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
219																		
220	0302	1104/60											02	30	18	35	07	16
221																		
222	03	11	BLANK	302			03	04					02	30	18	35		
223	0302	1104			0401	0505	03	0402	010101	1401								
224	03	11	BLANK	302			03	04					02	30	18	35		
225	0302/3	1101	30101	BLANK			0301	0401/2					0201/4	3001/6	1801/8	3501/4	0701	1601
230	0302	1104	30101	30202	04	05	0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601

DNA #595

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	0302	1104	30101	30202	04	0505/9	0301/19	0402					0201	30	18	35	07	1601
291	0302	11	301	BLANK	0401	05	03	0402					02	30	18	35	07	16
401	0302	1104					0301/19	0402	0101	1401								
452	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
519	0302	1104					0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801/17	3501/42	07	1601
615	0302	1104	30101	30202	04	05	0301/19	0402	0101	1401								
616	03	11																
635	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
702	0302	1104	30101	30202	04	05	0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
714	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
726	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
732	030201	110401	30101	3020201			0301/19	0402					020101	300101	1801/17	3501/42	07	160101
743	03	11	3	3			03	04					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0302	1104					03	0402					0201	3001	18	35	07	1601
1018	0302	1104	3	3	0401	0505	0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
1113	03	11	NT	NT	04	05	03	0402	0101	1401			02	30	18	35	07	16
1189	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	030201	1104	30101	302	0401	0505	0301	0402					02	30	18	35	07	16
1647	03	11	3	3			03	04	0101	1401			02	30	18	35	07	16
1686	0302	1104	30101	30202	0401	0505	0301	0402	0101	1401	0201	BLANK	0201	3001	1801	3501/20	0701	1601
1905	0302	1104	30101	302			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
2004																		
2013	0302	1104	3	3			0301	0402					02	30	18	35	07	16
2015																		
2019	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
2063	0302	1104	301	302	04	0505/9	03	0402										
2347	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
2411	03	11											02	30	18	35		
2518	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
2549	0302	1104	30101	302	0401	0505	03	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
3248																		
3261	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
3264	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
3324	0302	1104	301	302	04	05	0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501/42	07	1601
3325	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35		
3410	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
3438	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
3522	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801	3501	07	1601
3548	0302	1104	30101	30202			0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
3582	03	11	3	3	04	05	NT	NT	NT	NT			02	30	1820	35	NT	NT
3600	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16
3614	0302	1104					030101	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
3625	0302	1104	301	302	04	05	0301	0402	0101	1401			0201/90	3001/16	1801/17	3501/42	0701	1601
3807	0302	1104	3	3	0401	0505	03	0402	0101	1401	02	BLANK	02	30	1801	35	0701	1601
3849	0302	1104	301	302	04	0505/9	0301	0402					02	30	18	35	07	16
4237																		
4281																		
4336	0302	1104					0301	0402					0201	3001	1801/17	3501/42	07	1601
4420	0302	1104											0201	3001	1801	3501/48	0701	1203
4545	0302	1104	301	302	04	05	0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501/42	07	1601
4551	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
4582	0302	1104	301	302	04	0505/9	0301	0402					0201	3001	1801	3501	0701	1601
4585	03	11					03	0402					02	30	18	35	07	1601
4613													0201	3001	1801	3501	0701	1601
4623																		
4653	030201	110401					0301	0402					020101	300101	18	3501	070101	160101
4709	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													0201	3001	1801	3501	0701	1601
5365	03	11	3	3	04	05	03	04					0201	30	18	35	07	16
5720	0302	1104	30101	30202			0301	0402	0101	1401			0201	3001	1801	3501	0701	1601
5982	030201	110401					030101	0402	010101	1401			020101	300101	1801/17	3501/42	070101	160101
6051	0302	1104	301	302			0301	0402	0101	1401			02	30	18	35	07	16
6313	03	11					03	0402					02	30	18	35	07	16
9221	03	11	3	3			03	04					02	30	18	35	07	16

DNA #596

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	07	14	302	401	01	02	02	05					24	34	13	14	06	08
16	070101	1401/54	302	40103	01	0201	0202	0503	040101	BLANK			240201	3402	130201	140201	060201	0802
61																		
80	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
124	0701	1401/54	30202	401	01	0201	0202	0503	0401	BLANK			24	3402	1302	1402	0602	0802
131	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
134																		
138	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
139	07	14	302	401									24	34	1302/8	1402		
142	07	14	302	401			02	05					24	34	13	1402		
144																		
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	0701	1454	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
151	0701	1401/54	3	4			0202	0503					2402/86	3402	130201	140201	0602	0802
152	07	14											24	11	13	14		
153	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
155	0701	1454	30202	40103	0105	0201	0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
156	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
158	0701	1401/54	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
160																		
162	070101	1454					0202	050301					2402g	3402	130201	140201	060201g	0802
163							0202	0503					2402	3402			06	08
164	07	14											24	34	13	14		
166																		
167	0701	1401/54					0202	050301					240201	3402	130201	140201	060201	0802
168	07	14											24	34	13	14		
170	0701	1454	30202	40103			0202	050301					24	34	13	14	06	08
171	0701	1454	30202	40103			0202	0503					24	34	13	14	06	08
173					01	0201	02	0503					24	34	13	14		
174	07	14											24	3402/4	1302/8	1402		
175	0701	1401/54					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
176																		
179	0701/9	14	3	401	01	0201	0202	0503					24	3402	1302	1402	0602/11	08
180																		
185	070101	1401/54					0202	050301					24	3402	130201	140201	0602	0802
186																		
187	0701	1401/54					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
188	0701	1454							0401	BLANK								
189	0701	1454	30202	401	01	0201	0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
190	07	14	3	4			02	05					24	BLANK	13	14	06	08
192	0701	1454	30202	40103			0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
193	07	14											24	3402/4	1302/8	1402		
194	07	14	3	4									24	34	13	14		
195	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
197	0701	1454	302	401	0105	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
199	07	14	3	4			02	05										
201	0701	1454	30202	40103			0202	0503					24	34	13	14	06	08
203	0701	1401	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
204	0701	1454											2402	3402	1302	1402	0602	0802
205	0701	1454	302	401	0105	0201	0202	0503	0401	BLANK	0103/10	BLANK	2402	3402	1302	1402	0602	0802
206	07	14											24	34	13	14		
207	NT	NT					NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	07	14											24	34	13	14		
209	0701	1454	30202	40103	01	02	02	05					24	34	13	14	06	08
210													24	3402	130201	140201	0602	0802
211	0701	1454	302	401	01	0201	0202	0503	0401	BLANK	01	BLANK	2402	3402	1302	1402	0602	0802
212	070101	1454	3020201	401030101			0202	050301	040101	BLANK			240201	3402	130201	140201	060201	0802
213																		
214													24	3402	130201	140201	0602	0802
215	NT	NT	NT	NT														
216	07	14	3	401			02	05					24	34	13	14	06	08
218	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
219																		
220	07	14											24	34	13	14	06	08
221																		
222	07	14	302	401			02	05					24	34	13	14		
223	07	14			0107	0201	0202	0503	040101	BLANK					13	14		
224	07	14	302	401			02	05					24	34	13	14		
225	0701	1401	30101	4			0201/4	0501/5					2402/8	3401/2	1302	1402	NT	NT
230	0701	1401	30202	40103	01	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802

DNA #596

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT				
278	0701/14	1401/54	30202	40103	01	0201	0202	0503					24	3402	1302	1402/9	06	0802
291	07	14	302	401	0104	0201	0202	0503					24	3402/4	13	14	06	08
401	0701	1401/54					0202	0503	0401	BLANK								
452	0701	1454	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
519	0701	1401/54					0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
615	0701	1454	30202	401	01	02	0202	0503	0401	BLANK								
616	07	14																
635	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
702	0701	1454	30202	40103	01	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
714	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
726	0701	1401					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
732	070101	1454	3020201	4010301			0202	0503					240201	3402	130201	140201	060201	0802
743	07	14	3	4			02	05					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
1018	0701	1401/54	3	4	0105	0201	0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
1113	07	14	NT	NT	01	0201	0202	0503	0401	BLANK			24	34	13	14	06	08
1189	0701	1454	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402/09	0602	0802
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	070101	1401/54	302	40103	0105	0201	0202	0503					24	34	13	14	06	08
1647	07	14	3	4			02	05	0401	BLANK			24	34	13	14	06	08
1686	0701	1454	30202	40103	0105	0201	0202	0503	0401	BLANK	0103	BLANK	2402	3402	1302	1402	0602	0802
1905	0701	1454	302	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
2004																		
2013	0701	1454	3	401			0202	0503					24	34	13	14	06	08
2015																		
2019	0701	1454	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
2063	07	1454/75	302	401	01	0201	0202	0503										
2347	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
2411	07	14											24	34	13	14		
2518	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
2549	0701	1454	302	40103	0105	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
3248																		
3261	0701	1407/54					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
3264	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
3324	0701	1401/54	302	401	0104/5	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
3325	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14		
3410	0701	1454					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
3438	0701	1401					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
3522	0701	1401					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
3548	0701	1454	30202	40103			0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
3582	07	14	3	4	01	0201	NT	NT	NT	NT			24	34	1302/8	1402	NT	NT
3600	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08
3614	0701	1401/54					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
3625	0701	1401/54	302	401	0104/5	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1401	06	0802
3807	0701	1401	3	4	0105	0201	0202	0503	0401	BLANK	01	BLANK	24	3402	1302	1402	06	0802
3849	0701	1401/54	302	401	01	0201	0202	0503					24	34	13	1402	06	08
4237																		
4281																		
4336	0701	1401/54					0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802
4420	0701	1401											2402	3402	1302	1402	0602	0802
4545	0701	1401/54	302	40103	01	0201	0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
4551	0701	1454	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			24	34	1302	1402	0602	0802
4582	0701	1454	302	401	01	0201	0202	0503					2402	3402	1302	1402	0602	0802/12
4585	07	14					0202	0503					24	34	13	14	0602	08
4613													2402	3402	1302	1402	0602	0802
4623																		
4653	070101	1401/54					0202	0503					240201	3402	130201	140201	060201	0802
4709	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													2402	3402	1302	1402	0602	0802
5365	07	14	3	4	01	0201	02	05					24	34	13	14	06	08
5720	0701	1454	30202	40103			0202	0503	0401	BLANK			2402	3402	1302	1402	0602	0802
5982	0701	14					0202	050301	040101	BLANK			240201	3402	130201	140201	060201	0802
6051	0701	1401/54	302	401			02	0503	0401	BLANK			24	3402/4	1302/8	1402	06	08
6313	07	14					0202	050301					24	34	13	14	06	08
9221	07	14	3	4			02	05					24	34	13	14	06	08

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL			RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL
16	SBT/RSSOP-OL	RSSOP-OL/SSP-IVGN	RSSOP-OL	RSSOP-OL	SBT/RSSOP-OL		SBT/RSSOP-OL	SBT/RSSOP-OL	SBT/RSSOP-OL
61									
80	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
124	SBT	SBT	SSO-LUM	SBT/SSO	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-IVGN	RSSO-OL							
134									
138	SBT-ATRA/SSP-GV/SSOP-OL			SBT-ATRA/SSP-GV/SSOP-OL			SBT-ATRA/SSP-GV/SSOP-OL	SBT-ATRA/SSP-GV/SSOP-OL	SBT-ATRA/SSP-GV/SSOP-OL
139	SSO-LUM	SSO-LUM					SSO-LUM	SSO-LUM	
142									
144									
147	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSP-OLRP	SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP-DYNL	SSO-OL/SSP-OLRP	SSP-OLRP-DYNL
148	SBT-ATRA	SSP-IVGN		SBT-ATRA	SBT-ATRA		SBT-ATRA	SBT-ATRA	SBT-ATRA
151	SBT-IVGN/SSP-IVGN	SBT-IVGN/SSP-IVGN		SBT-IVGN/SSP-IVGN			SBT-IVGN/SSP-IVGN	SBT-IVGN/SSP-IVGN	SBT-IVGN/SSP-IVGN
152									
153	SSO-DYNL/SSP-GV	SSO-DYNL/SSP-GV		SSO-DYNL/SSP-GV			SSO-DYNL/SSP-GV	SSO-DYNL/SSP-GV	SSO-DYNL/SSP-GV
155									
156	SBT-ATRA/SSP-IVGN-GV			SBT-ATRA/SSP-IVGN-GV			SBT-ATRA/SSP-IVGN-GV	SBT-ATRA/SSP-IVGN-GV	SBT-ATRA/SSP-IVGN-GV
158	SSO-LUM	SSP-IVGN		SSP-OL	SSP-OLRP		SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
160									
162	SBT-BIOSWM/SSP			SBT-BIOSWM/SSP			SBT-BIOSWM/SSP	SBT-BIOSWM/SSP	SBT-BIOSWM/SSP
163				SBT-ATRA			SBT-ATRA		SSP-GV
164	LiPATypingTest						LiPATypingTest	LiPATypingTest	
166									
167	SBT-OL/SSP/SSO			SBT-OL/SSP			SBT-OL/SSP/SSO	SBT-OL/SSP/SSO	SBT-OL/SSP
168	SSOP-DYNL			SSP-DYNL			SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	
170	SSOP-LUM/SSP-DYNL	SSP-DYNL		SSP-DYNL			SSOP-LUM	SSOP-LUM	SSOP-LUM
171	SSP-DYNL-OL	SSO-ELPHA/SSP-OL		SSO-ELPHA/SSP-OL			SSO-ELPHA/SSP-OL	SSO-ELPHA/SSP-OL	SSO-ELPHA/SSP-OL
173			SSOP-DYNL	SSOP-DYNL			SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	
174	RSSOP-OL						RSSOP-OL	RSSOP-OL	
175	SBT-IVGN/SSO-DYNL			SSO-DYNL/SSP-IVGN			SSO-DYNL/SSP-IVGN	SSO-DYNL/SSP-IVGN	SSO-DYNL/SSP-IVGN
176									
179	SBT	SSP	SBT	SSOP			SBT	SBT	SBT
180									
185	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
186									
187	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
188	SSO-OL/SBT				SSO-OL/SBT				
189	SSO-OL/SSP	SSO-OL/SSP	SSO-OL	SSO-OL/SSP			SBT-ATRA/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSP-IVGN
190	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
192	SBT/SSP	SSP		SBT/SSP			SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
193	SSO-OL						SSO-OL	SSO-OL	
194									
195	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP	SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP
197	SBT-ATRA/RSSO-OL	RSSO-OL	SSP-IVGN/RSSO-OL	SBT-ATRA/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ATRA/RSSO-OL		SBT-ATRA/RSSO-OL	SBT-ATRA/RSSO-OL	SBT-ATRA/RSSO-OL
199									
201	SSP-IVGN-OLRP	SSP-IVGN		SSP-OLRP			RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL
203	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
204	SBT-BIOSWM						SBT-BIOSWM	SBT-BIOSWM	SBT-BIOSWM
205	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN	RSSO-OL	SSO-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL	SBT-IVGN/SSP-IVGN	SSP-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ABT/RSSO-OL/SSP-IVGN
206	SSO-OL			SSO-OL			SSO-OL	SSO-OL	
207	SSO-OL/SSP-GV			SSO-OL/SSP-GV	SBT-ATRA		SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV
208	SSP-IVGN						SSP-IVGN	SSP-IVGN	
209	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP			SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP
210							SBT	SBT	SBT
211	SSO-LUM/SSP-OLRP	SSO-LUM/SSP	SSO-LUM	SSO-LUM/SSP-OLRP	SSO-LUM/SSP	SSP	SSO-LUM/SSP	SSO-LUM/SSP	SSO-LUM/SSP
212	SBT	SBT		SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
213									
214									
215	SSP-BIOTST	SSP-BIOTST							
216	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL-IVGN-DYNL	SSP-OL-IVGN-DYNL	SSP-OL-DYNL
218	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
219									
220	SSP-IVGN						SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
221									
222	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SBT	SSP-IVGN	SBT		SSP-IVGN	SSP-IVGN	
223	SSO-OL			SSO-OL			SSO-OL	SSO-OL	
224	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	
225	SSPInviABDRDQ.02645952	SSPInviABDRDQ.02645952		SSPInviABDRDQ.02645952			SSPInviABDRDQ.02645952	SSPInviABDRDQ.02645952	SSOPINVIITROGENCwHR005
230	SSO-TEP	SSP-QGN					SSO-TEP	SSP-QGN	

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-QGN	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	
278	SSP/RSSOP	SSP/RSSOP	RSSOP	SSP/RSSOP			SSP/RSSOP	SSP/RSSOP	SSP/RSSOP
291	RSSOP-INLPA		RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA			RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA
401	SBT-CELERA			SBT		SBT-CELERA			
452	SBT-ATRA/SSO-OL/SSP-QGN-IVGN	SSP-QGN		SBT-ATRA/SSO-OL/SSP-QGN-IVGN	SSP-QGN-IVGN		SBT-ATRA/SSO-OL/SSP-QGN-IVGN	SBT-ATRA/SSO-OL/SSP-QGN-IVGN	SBT-ATRA/SSO-OL/SSP-QGN-IVGN
519	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SSP-IVGN		SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
615	SBT	SBT	SSP	SBT	SBT				
616	SSP								
635	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
702	SBT/SSO	SSP	SSO	SBT/SSO	SBT		SBT/SSO	SBT/SSO	SBT/SSO
714	SSP-IVGN			SSP-OL			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
726	RSSO-OL/SSP-GV-OL-IVGN			RSSO-OL/SSP-GV-OL-IVGN			RSSO-OL/SSP-GV-OL-IVGN	RSSO-OL/SSP-GV-OL-IVGN	RSSO-OL/SSP-GV-OL-IVGN
732	SSO/SSP/SSP	SBT		SBT			SBT	SBT	SBT
743	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
805	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-IVGN			SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-IVGN			SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-IVGN
1018	SBT-ATRA/SSP-OL	SSP-OL	SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSP-OL			SBT-ATRA/SSP-OL-IVGN	SBT-ATRA/SSP-OL-IVGN	SBT-ATRA/SSP-OL-IVGN
1113	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SSP-GV	SSO-LUM	SBT-ATRA/SSO-LUM	SBT-ATRA/SSP-GV		SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV
1189	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
1212	SSO-OL	SSP-IVGN		SSO-OL/SSP-OL			SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN	SSO-OL/SSP-IVGN
1251	RSSO/SSP	SSP-IVGN	SSP	RSSO/SSP	SSP		RSSO/SSP	RSSO/SSP	RSSO/SSP
1498	SSO	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN			SSP	SSP	SSP
1647	SSO-TEP	SSO-TEP		SSO-TEP	SSP-IVGN		SSO-TEP	SSO-TEP	SSO-TEP
1686	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP
1905	SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN		SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN		SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL
2004									
2013	SSOP-LUM/SSP-DYNL	SSOP-LUM		SSOP-LUM			SSOP-LUM	SSOP-LUM	SSOP-LUM
2015									
2019	SSP-OLRP/SSO-INGNTCS	SSP-OLRP		SSP-OLRP/SSO-INGNTCS	SSP-OLRP/SSO-INGNTCS		SSP-OLRP/SSO-INGNTCS	SSP-OLRP/SSO-INGNTCS	SSP-OLRP/SSO-INGNTCS
2063	SSO/SSP	SSO	SSO	SSO					
2347	SSO-LUM	SSO-LUM		SSO-LUM			SSO-LUM	SSO-LUM	SSO-LUM
2411	SSO						SSO	SSO	
2518	SBT-ATRA/SSOP-OL			SBT-ATRA/SSOP-OL			SBT-ATRA/SSOP-OL	SBT-ATRA/SSOP-OL	SBT-ATRA/SSOP-OL
2549	SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SBT-ATRA		SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSO-BIOTST/SSP-IVGN	SBT-ATRA/SSP-IVGN
3248									
3261	SBT-QGN			SBT-QGN			SBT-QGN/SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN	SBT-QGN/SSP-IVGN
3264	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SSP-GV		SBT-ATRA/SSO-LUM	SBT-ATRIA		SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SBT-ATRA/SSO-LUM/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV
3324	SSP/SSP-ATRIA	SSP/SSP-ATRIA	SSP/SSP-ATRIA	SSP/SSP-ATRIA	SSP/SSP-ATRIA		SSP/SSP-ATRIA	SSP/SSP-ATRIA	SSP/SSP-ATRIA
3325	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	
3410	SBT-ATRA/SSP-GV			SBT-ATRA/SSP-GV			SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV	SBT-ATRA/SSP-GV
3438	SBT-PRTRNS			SBT-PRTRNS			SBT-ABT-PRTRNS	SBT-ABT-PRTRNS	SBT-ABT-PRTRNS
3522	SBT-ATRIA			SSO-INGNTCS			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
3548	SSP-OL/IVGN	SSP-OL/IVGN		SSP-OL/IVGN			SSP-OL/IVGN	SSP-OL/IVGN	SSP-OL/IVGN
3582	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM	SSO-LUM	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM		SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM	SBT/SSO-LUM
3600	SSP-PF	SSP-PF		SSP-PF			SSP-PF	SSP-PF	SSP-PF
3614	SSO-OL			SSP-OL			SSO-OL/SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
3625	SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP		SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
3807	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
3849	SSOP	SSOP	SSOP-LUM	SBT-ABT/SSOP			SSOP	SBT-ATRA/SSOP	SSOP
4237									
4281									
4336	SBT-ATRA/SSCP			SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
4420	WAK-FLOW						WAK-FLOW	WAK-FLOW	WAK-FLOW
4545	SBT	SSOP/SSP	SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSP		SBT-CELERA/SSOP-OL	SBT/SSOP/SSP-IVGN	SBT/SSOP
4551	SSOP-BIONBIS/SSO-OL	SSP-BIONBIS		SSO-OL/SSP-BIONBIS	SSP-IVGN		SBT-PRTRNS/SSP-IVGN/SSO-OL	SBT-PRTRNS/SSP-IVGN/SSO-OL	SBT-PRTRNS/SSP-IVGN/SSO-OL
4582	SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL			SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL	SSP-IVGN/SSO-OL
4585	SSO-DYNL-IVGN			SSO-DYNL-IVGN			SSO-IVGN/SSP	SSO-IVGN/SSP	SSO-IVGN/SSP
4613							SBT-ATRA/SSP-OLRP	SBT-ATRA/SSP-OLRP	SBT-ATRA/SSP-OLRP
4623									
4653	SBT/SSP			SSP			SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
4709	SSO-OL	SSP-OL	SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OL	SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP
5204							SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN
5365	SSO-OL/SSP-OL	SSO-OL/SSP-OL	SSO-OL	SSO-OL/SSP-OL			SSP-OL/SSO-IVGN	SSO-OL/SSP-OL	SSO-OL/SSP-OL
5720	SBT/SSO/SSP	SSO-OL/SSP-GV		SSO-TEP/SSP-ATRIA	SBT-ATRIA-PF		SBT/SSO/SSP	SBT/SSO/SSP	SBT/SSO/SSP
5982	SBT			SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
6051	SSOP-OL	SSOP-OL		SSOP-OL	SSOP-OL		SSOP-OL	SSOP-OL	SSOP-OL
6313	SSOP-INGNTCS			SSOP-INGNTCS			SSOP-INGNTCS	SSOP-INGNTCS	SSOP-INGNTCS
9221	SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN		SSP-OL-IVGN			SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN	SSP-OL-IVGN