

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE



94TH SUMMARY

MARCH 18, 2009

JOHN MURAMOTO, CHS / CLIN. GENETIC MB SCI.

J. MICHAEL CECKA, PH.D

ELAINE F. REED, PH.D

DNA Sample	
#585	#586
#587	#588
#589	#590

DNA #585 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	0201	0206	242/242	144/145	103/114
B*	3547	5201	239/240	166/167	107/112
Cw*	0303	0401	210/210	130/130	68/110
DRB1*	0404	0407	236/236	162/169	94/106
DRB3*					
DRB4*	0103		77/77	56/56	9/11
DRB5*					
DQA1*	0301	0401	72/72	34/34	5/12
DQB1*	0302	0402	197/198	159/159	65/70
DPB1*	0402		36/36	36/36	20/20
DPA1*	0103		4/4	3/3	0/1

Agreement for this sample was greater than 95%.

This is the first B*3547 sent in the DNA Exchange. Consensus for B*3547 was 99%. This allele was assigned in November 2003 and last updated in January 2004. The ethnic origin of the reference sample is also from a Hispanic (IMGT database). 8% (7/83) of labs reporting high resolution could not exclude B*3519.

This sample contains two distinct DRB1* alleles. Consensus was DRB1*0404 (95%) and DRB1*0407 (97%).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 0202.	Not excluded: 0285.
B*: 3519, 44XX.	Not excluded: 3519.
Cw*:	Not excluded: 0320/49, 0404/9/30/35.
DRB1*: 0403, 0408.	Not excluded: 0403/08.

DNA #586 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	3002	3101	240/240	151/151	107/114
B*	1801	4002	240/240	144/144	92/114
Cw*	0202	1203	208/208	144/144	101/110
DRB1*	1102	1104	234/236	166/169	77/106
DRB3*	0202		77/77	27/27	7/9
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0505		35/35	27/27	0/6
DQB1*	0301		97/97	68/68	28/34
DPB1*	0402	1401	70/70	70/70	40/40
DPA1*	0103	0201	8/8	7/7	1/2

Agreement for this sample was greater than 95%.

This sample contains a DQB1*NEW. The expected association is DRB1*1102 - DQB1*0319. 50% (17/34) of SBT labs indicated a heterozygous peak [T and C (Y)] at position 647 in exon 3. This changes the amino acid from isoleucine to threonine. This new allele has not been described in the IMGT database.

This sample contains two distinct DRB1* alleles. Consensus was DRB1*1102 (98%) and DRB1*1104 (99%).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 3114.
B*:	Not excluded: 1817, 40011/56.
DRB1*: 12XX, 13XX, 1118.	Not excluded: 1103/1118.
DQA1*:	Not excluded: 0509.
DQB1*:	Not excluded: 0319.

DNA #587 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	3101	3303	238/238	148/148	106/114
B*	4403	4801	238/238	153/153	109/114
Cw*	0303	0706	203/207	108/122	63/110
DRB1*	0407	0701	234/234	177/179	103/106
DRB3*					
DRB4*	0103		76/76	55/55	9/11
DRB5*					
DQA1*	0201	0301	70/70	49/49	5/12
DQB1*	0202	0302	196/196	155/155	70/70
DPB1*	0301	1301	68/68	65/65	36/38
DPA1*	0103	0202	8/8	7/7	0/2

Agreement for this sample was greater than 95%, except at Cw*0706. In previous samples containing Cw*0706, consensus was 92% for #571 (9/2008) and 83% for #478 (3/2006). With this sample, consensus was 78%. 3 labs reported Cw*0701 and 4 labs did not detect the allele.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 3114, 3312/15.
 B*: Not excluded: 4454, 4809.
 Cw*: BLANK, 0701, 0718. Not excluded: 0320/50, 0718.
 DRB1*: 0403, 0404. Not excluded: 0715.

DNA #588 CAUC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	3001	228/228	141/141	101/114
B*	5001		114/114	64/64	57/57
Cw*	0602		100/100	71/71	51/55
DRB1*	0102	0701	226/226	175/177	102/104
DRB3*					
DRB4*	0101		73/73	33/53	9/11
DRB5*					
DQA1*	0101	0201	64/64	46/46	6/12
DQB1*	0202	0501	188/188	154/154	70/70
DPB1*	0101	0401	68/68	68/68	42/42
DPA1*	0201	0202	8/8	8/8	1/2

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 0276/90, 3016/24.
 B*: 40XX, 45XX. Not excluded: 5004.
 Cw*: Not excluded: 0618.
 DRB1*: 0104. Not excluded: 0715.

DNA #589 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	2317	224/224	118/128	59/112
B*	4201	8101	224/224	135/136	90/112
Cw*	0804	1701	192/192	125/125	76/106
DRB1*	0302	0804	214/220	171/174	100/104
DRB3*	0101		70/70	51/51	10/11
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0401		32/32	14/14	0/9
DQB1*	0402		89/90	74/74	34/34
DPB1*	0101	0602	60/60	60/60	38/38
DPA1*	0202	0301	8/8	7/7	1/2

Agreement for this sample was greater than 95%, except at A*2317 (86%).

In the previous shipment, sample #583, A*2301 was the consensus. A*2317 was detected by one company's SSP tray but in that sample there was no SBT data to confirm A*2317.

This donor is unrelated to #583. With this sample, SBT of exon 5 confirms A*2317. 66% (43/65) of labs reporting high resolution could not exclude A*2317. 21 labs initially reported A*2301. Of those, 15 labs reported that they excluded the A*2317 ambiguity by using frequency data or because the polymorphism is outside of the antigen recognition site. 2 reported that A*2317 was possible using an updated analysis database. 4 labs reported that A*2317 was not included in the product they were using.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 2317.	Not excluded: 2307/17.
B*:	Not excluded: 4202, 8102.
C*:	Not excluded: 0813, 1702.

DNA #590 PAC ISL

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201		114/114	64/64	50/56
B*	3501	4601	228/228	127/128	82/112
Cw*	0303	0801	192/192	135/135	88/106
DRB1*	0901	1201	224/224	140/140	81/104
DRB3*	0101		72/72	50/51	9/11
DRB4*		0103	72/72	51/51	9/11
DRB5*					
DQA1*	0302		33/33	20/20	1/7
DQB1*	0303		91/91	69/69	33/33
DPB1*	0201	0501	59/62	58/61	35/38
DPA1*	0103	0202	8/8	7/8	0/2

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded:
B*: 5305.	Not excluded: 3542, 4613/15.
Cw*:	Not excluded: 0320, 0808.
DRB1*:	Not excluded: 1206/10.
DQB1*:	Not excluded: 0320..

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #585

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	04	401	BLANK	03	04	03	04				02	02	35	52	03	04
16	0404	040701	40103	BLANK	03	04	0302/5	0402/3	0402	BLANK		020101	020601	3547	520102	030301	040101/30
61																	
80	04	04	4	BLANK			03	04				02	02	35	52	03	04
124	0404	0407	401	BLANK	03	04	0302	0402	0402	BLANK		02	0206	3547	5201	0303/20	04
131	04	04	4	BLANK			03	04				02	02	35	52	03	04
134	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303	0401/30
138	0404	0407					0302	0402				0201	0206	35	5201	0303	0401
139	04	04	401	BLANK								02	02	35	52		
142	04	04	401	BLANK								02	02	35	52		
144	0403/4	0407/8					0302	0402				0201	0206	3547	5201	0303	0401/30
147	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303	0401
148	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402/3	0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303	0401
151	0404	040701	4	BLANK			0302/5	0402/3				020101	020601	3547	5201	030302	040102
152	04	04										02	02	35	52		
153	04	04	4	BLANK			03	04				02	02	35	52	03	04
155												0201	0206	3547	5201	0303	0401
156	0404	0407					0302	0402				0201	0206	3519	5201	0303	0401/30
158	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303	0401
160	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402				0201	0206	3547	5201	0303	0401
162	0404	040701					030201	0402				0201g	020601	3547	520102	030301g	040101g
163	0404	0407	4	BLANK								02	02	35	52		
164	04	04										02	02	35	52		
166	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK		02	02	35	52	03	04
167	0404	040701										020101	020601	3547	520102	030301	040101
168	04	04										02	02	35	52		
170	04	04	40103	BLANK			0302	0402				02	02	35	5201	03	04
171	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402				02	02	35	52	03	04
173	0403/4	0407/8			03	04	0302	0402				02	02	35	52		
174																	
175	0404	0407					0302	0402				0201	0206	3547	5201	03	04
176																	
179	0403	0407	401	BLANK	03	04	0302	0402				02	0206	3547	5201	0303/20	04
180																	
185	0404	040701					030201	0402				02	02	3547	520102	03	04
186	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303	0401
187	0404	0407					0302	0402				0201	0206	3547	5201	03	04
188									0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	03	04
189	0404	0407	4	BLANK	03	04	0302	0402				0201	0206	3547	5201	0303	0401
190	04	04	4	BLANK			03	04				02	02	35	52	03	04
192	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402				0201	0206	3547	5201	0303	0401
193	04	0407/8										02	02	35	5201		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT		
195	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK		0201/85	0206	3547	5201	0303	0401
197	0404	0407	401	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402g	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303g	0401g
199	04	04	4	BLANK			BLANK	04									
201	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402				0201	0206	3547	5201	0303	0401
203	0404	0407	4	BLANK			03	04				02	02	35	52	03	04
204	0404	0407										0201	0206	3547	5201	0303	0401
205	0404	0407	401	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK	0103/10	0201	0206	3547	5201	0303	0401
206	04	04										02	02	35	52		
207	0404	0407					0302	0402	0402	BLANK		0201	0206	3547	5201	0303/20	0401
208	04	04										02	02	35	52		
209	0404	0407	40103	BLANK			03	04				02	02	35	52	03	04
210												02	020601	3547	520102	0303/20	04
211	0404	0407	401	BLANK	03	04	0302	0402/3	0402	BLANK	01	0201	0206	3547	5201	03	04
212	0404	040701	401	BLANK								020101	020601	3547	520102	0303/20	04
213	0403/4	0407/8										0201	0206	3547	5201	0303/20	0401
214												02	02	3547	520102	03	04
215	NT	NT	NT	NT													
216	04	04					0302	0402				02	02	3547	5201	03	04
217																	
218	0404	0407										0201	0206	3547	5201	0303	0401
219	0403	0408					03	04				02	02	35	52		
220	04	04	401	BLANK								02	02	3519/47	52	03	04
221	04	04										020101	020601	3547	520102		
222	04	04	401	BLANK			03	04				02	02	35	44		
223	0404	040701			03	04	030201	0402	0402	BLANK		020101	020601	3547	520101	030301	04
224																	
225	04	15					03	0401/2				02	02	3519/47	52	03	04
230	0403	0408	40103	BLANK	0301	04	0302	0402				0201	0206	35	5201	0303	0401

DNA #585

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	04	0407	401	BLANK	0301	0401	0302	04					02	02	35	52		
278	0404	0407	40103	BLANK	03	04	0302	0402					0201	0206	3547	5201	03	04
291	04	04	401	BLANK	0301	0401	0302	0402					02	02	3519/47	5201	03	04
401													0201	0206	3547	5201	0303/49	0401/4
452	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
519	0404	0407					0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303/20	0401/30
615	040301	0408	401	BLANK	03	04	0302	0402	0402	BLANK								
616	04	04																
635	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52	03	04
702	0404	0407	40103	BLANK	03	04	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
714	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
726	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
732	0404	040701	4010301	BLANK			0302/5	0402/3					020101	020601	3547	520102	03031	04
743	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52	03	04
805	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303/20	04
1018	0404	0407	4	BLANK	0301	0401	0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
1113	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			0201/85	0206	3547	5201	0303/50	0401/35
1189	04	04	401	BLANK			0302	0402					02	02	35	5201	03	04
1212	04	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			02	02	3547	5201	0303	0401
1251	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK			0201/85	0206	3547	5201	0303	0401
1498	0404	0407	40103	BLANK	030101	0401	0302	0402					02	02	3519/47	52	03	04
1647	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52	03	04
1686	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK	0103	BLANK	0201	0206	3547	5201	0303	0401
1905	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
2004	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
2013	0404	0407	4	BLANK			0302	0402					02	02	3519/47	52	03	04
2015													0201	0206	3547	5201	0303	0401
2019	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
2063	0403/4	0407/8	401	BLANK	03	04	0302/5	0402/3										
2347	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52	03	04
2411	04	04											02	02	35	52		
2518	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
2549	0404	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401/30
3248																		
3261	0403/4	0407/8	4	BLANK			0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
3264	0404	0407	40103	BLANK	03	04	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
3324	0404	0407	401	BLANK	0301	04	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
3325	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52		
3410	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
3438	0404	0407					0302	0402					0201	0206	NT	NT	0303	0401
3522	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
3548	0404/70	0407	40103	BLANK			0302	0402					0202	0206	3547	5201	0303	0401
3582	0404	0407	401	BLANK	NT	NT	0302	0402	0402	BLANK			02	02	3547	5201	0303/20	04
3600	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52	03	04
3614	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401/4
3625	0404	0407	4	BLANK	03	04	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303/20	04
3807	04	04	4	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK	0103	BLANK	02	0206	3547	5201	0303	0401
3849	0404	0407	401	BLANK	03	04	0302	0402					0201	020601	3519/47	5201	0303	0401
4237	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
4281																		
4336	0404	0407					0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303/20	0401/9
4420	0404	0407											0201	0206	3519/47	5201	0303	0401
4545	0404	0407	401	BLANK	03	04	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303/20	0401
4551	0404/23	0407	NT	NT			03	04	NT	NT			02	02	35	52	03	04
4582	0404	0407	401	BLANK	03	04	0302	0402					0201	0206	3547	5201	0303	0401
4585	04	04					03	04					02	02	35	52	03	04
4613																		
4623																		
4653	0404	040701					0302	0402					02	020601	3547	520102	03	04
4709	0404/23	0407	40103	BLANK	0301	0401	0302	0402	0402	BLANK			0201	0206/85	3547	5201	0303	0401
5204													02	02	35	52	03	04
5365	0404/70	0407	40103	BLANK	03	04	0302	0402					0201	0206	3547	52	03	04
5720	0404	0407	40103	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			0201	0206	3547	5201	0303	0401
5982	0404	040701					030201	0402/3	0402	BLANK			020101	020601	3547	520102	030301	040101
6051	0404/23	0407	401	BLANK			0302	0402	0402	BLANK			02	0206	3547	5201	0303	04
6313	04	04					03	0402					02	02	3519/47	5201	03	04
9221	04	04	4	BLANK			03	04					02	02	35	52	03	04

DNA #586

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
7	110201	110401	302	BLANK	0505/9	BLANK	0301/13	BLANK	0402	1401			300201	310102	180101/17	400201	020202	120301
16																		
61																		
80	11	11	3	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40	02	12
124	1102/3	1104/18	30202	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK	0402	1401			3002	31	1801/17	4002/56	0202	1203
131	11	11	3	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40	02	12
134	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401			3002	3101	1801	4002	0202	1203
138	1102/3	1104/18					0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
139	11	11	302	BLANK									30	31	18	40		
142	11	11	302	BLANK									30	31	18	40		
144	1102	1104					0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
147	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401			3002	3101	1801	4002	0202	1203
148	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401			3002	3101	1801	4002	0202	1203
151	110201	110401	3	BLANK			0301	BLANK					300201	310102	180101	400201	020202	120301
152	12	13											30	31	18	40		
153	11	11	3	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40	02	12
155													3002	3101	1801	4002	0202	1203
156	1102	1104					0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
158	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401			3002	3101	1801	4002	0202	1203
160	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
162	110201	110401					030101g	BLANK					3002g	310102g	180101g	400201g	020202	12030101
163	1102/3	1104/18	3	BLANK									30	31	18	40		
164	11	11											30	31	18	40		
166	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401			30	31	18	40	02	12
167	110201	110401											300201	310102	180101	400201	020202	120301
168	11	11											30	31	18	40		
170	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK					30	31	18	40	02	12
171	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK					30	31	18	40	02	12
173	1102/3	1104/18			05	BLANK	03	BLANK					30	31	18	40		
174																		
175	1102	1104					0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	02	12
176																		
179	1102/3	1104/18	3	BLANK	05	BLANK	03	BLANK					3002	3101/14	18	40	0202	1203
180																		
185	11	11					030101/19	BLANK					3002	31	18	40	020202	1203
186	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401			3002	3101	1801	4002	0202	1203
187	1102	1104					0301	BLANK					3002	3101	1801/17	4002	0202	1203
188									0402	1401			3002	3101	1801/17	4002	0202	1203
189	1102	1104	30202	BLANK	0505/9	BLANK	0301/19	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
190	11	11	3	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40	02	12
192	1102/3	1104/18	30202	BLANK			0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
193	1102	11											30	31	18	40		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401			3002	3101/14	1801	4002	0202	1203
197	1102	1104	302	BLANK	0505	BLANK	NT	NT	0402g	1401			3002	3101	1801g	4002	0202	1203
199	11	11	3	BLANK			03	BLANK										
201	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203
203	1102	1104	3	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40	02	12
204	1102	1104											3002	3101	1801	4002	0202	1203
205	1102	1104	302	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	0103/10	0201	3002	3101	1801	4002	0202	1203
206	11	11											30	31	18	40		
207	1102	1104					0301	BLANK	0402	1401			3002	3101	1801	4002	0202	1203
208	11	11											30	31	18	40		
209	1102/3	1104/18	30202	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40	02	12
210													3002	3101/14	18	4002/56	020202	120301
211	1102	1104	302	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	01	0201	3002	3101	1801/17	4002/56	0202	1203
212	11	11	3020201	BLANK									300201	310102	1801/17	400201	020202	1203
213	1102/3	1104/18											3002	3101	1801/17	4002	0202	1203
214													3002	31	18	40	020202	1203
215	11	11	3	BLANK														
216	1102	11					03	BLANK					30	31	18	40	02	12
217																		
218	1103	1118											3002	3101	1801	4002	0202	1203
219	1102	1104					03	BLANK					30	31	18	40		
220	11	11	3	BLANK									30	31	18	40	02	12
221	110201	110401											300201	310102	180101/17	400201		
222	11	11	301	BLANK			03	BLANK					30	31	18	40		
223	1102/3	1104/18			05	BLANK	030101	BLANK	0402	1401			300201	310102	1801/17	400201	020202	12
224																		
225	11	11					03	BLANK					30	31	18	4002/4	02	1203
230	1102	1104	30202	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK					3002	3101	1801	4002	0202	1203

DNA #586

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus						
239	1102	11	302	BLANK	0505	BLANK	03	BLANK		30	31	18	40		
278	1102	1104	30202	BLANK	0505/9	BLANK	0301/19	BLANK		3002	31	18	40	02	1203
291	11	11	302	BLANK	0505/9	BLANK	03	BLANK		30	31	18	40	02	12
401										3002	3101	1801/17	4002	0202	1203
452	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
519	1102	1104					0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801/17	4002	0202
615	1171	1104	3020201	BLANK	05	BLANK	0301/19	BLANK	0402	1401					
616	11	11													
635	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02
702	1102	1104	30202	BLANK	05	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
714	1102	1104					0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
726	1102	1104					0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
732	110201	110401	3020201	BLANK			0301/14	BLANK			300201	310102	1801/17	400201	020202
743	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02
805	1102	1104					03	BLANK			3002	3101	1801/17	4002	0202
1018	1102	1104	3	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
1113	1102	1104/60	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	31	1801	40	0202
1189	11	11	302	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02
1212	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
1251	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	02
1498	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301/19	BLANK			30	31	18	40	02
1647	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02
1686	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	0103	0201	3002	3101	1801
1905	1102	1104	302	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
2004	1102	1104	30202	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
2013	1102	1104	302	BLANK			0301	BLANK			30	31	18	4002	02
2015											3002	3101	1801	4002	0202
2019	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
2063	1102	1104/60	302	BLANK	0505/9	BLANK	03	BLANK							
2347	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02
2411	11	11									30	31	18	40	
2518	1102	1104					0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
2549	1102	1104	302	BLANK	0505	BLANK	03	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
3248															
3261	1102	1104	3	BLANK			0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
3264	1102	1104	302	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
3324	1102	1104	302	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002	0202
3325	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	
3410	1102	1104					0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
3438	1102	1104					0301/19	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
3522	1102/3	1104/18					0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
3548	1102	1104	302	BLANK			0301/19	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
3582	1102/3	1104/18	302	BLANK	NT	NT	0301/19	BLANK	0402	1401	3002	31	1801/17	4002/56	0202
3600	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02
3614	1102	1104					030101g	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
3625	1102/3	1104/18	3	BLANK	05	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	18	4002/11	02
3807	11	11	3	BLANK	0505	BLANK	03	BLANK	0402	1401	0103	0201	3002	3101	1801
3849	1102	1104	302	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK			3002	310102	1801/17	4002	0202
4237	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK			3002	3101	1801	4002	0202
4281															
4336	1102	1104					0301	BLANK			3002	3101	18	4002/3	0202
4420	1102	1104									3002	3101	1801	4002	0202/10
4545	1102	1104	302	BLANK	05	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801/17	4002	0202
4551	1102	1104	NT	NT			03	BLANK	NT	NT	30	31	18	40	02
4582	1102	1104	302	BLANK	0505/9	BLANK	0301	BLANK			3002	310102	1801	4002	0202
4585	11	11					03	BLANK			30	31	18	40	02
4613															
4623															
4653	11	11					0301	BLANK			30	310102	18	400201	02
4709	1102	1104	302	BLANK	0505	BLANK	0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801	4002/82	0202
5204											30	31	18	40	02
5365	1102	1104/60	302	BLANK	05	BLANK	0301	BLANK			30	31	18	40	02
5720	1102	1104	30202	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	1801/17	4002	0202
5982	11	11					030101	BLANK	0402	1401	300201	310102	1801/17	400201	020202
6051	1102	1104	302	BLANK			0301	BLANK	0402	1401	3002	3101	18	4002	02
6313	11	11					03	BLANK			30	31	18	40	02
9221	11	11	3	BLANK			03	BLANK			30	31	18	40	02

DNA #587

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	07	401	BLANK	02	03	02	03					31	33	44	48	03	07
16	040701	070101	40103	BLANK	0201	03	0202	0302	030101	1301			310102	330301	440302	480101	030301/20	0706
61																		
80	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
124	0407	0701	401	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301			31	3303/15	4403	4801/9	0303/20	07
131	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
134	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
138	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0718
139	04	07	401	BLANK									31	33	44	48		
142	04	07	401	BLANK									31	33	44	48		
144	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	07
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	03	07
151	040701	0701	4	BLANK			0202	030201					310102	330301	440302	480101	030301	0706
152	04	07											31	33	44	48		
153	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
155													3101	3303	4403	4801	0303	0706
156	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
158	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
160	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
162	040701	070101					0202	030201					310102g	330301	440302	4801g	030301g	07
163	0407	0701	4	BLANK									31	33	44	48		
164	04	07											31	33	44	48		
166	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301			31	33	44	48	03	07
167	040701	0701											310102	330301	440302	480101	030301	0706
168	04	07											31	33	44	48		
170	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					31	33	44	48	03	07
171	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302					31	33	44	48	03	07
173	0407	0701			0201	03	02	0302					31	33	44	48		
174																		
175	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	03	07
176																		
179	0407	070101	401	BLANK	02	03	0202	0302					3101/14	3303/15	4403	4801/9	03	07
180																		
185	040701	070101					0202	030201					310102/14	330301	4403	48	03	07
186	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
187	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	BLANK
188									0301	1301			3101	3303	4403	4801	03	07
189	0407	0701	4	BLANK	0201	03	0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
190	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
192	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
193	0407	07											31	33	4403	48		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
197	0407	0701	401	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301g	1301g			3101	3303	4403	4801	0303g	07
199	04	07	4	BLANK			02	03										
201	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
203	0407	0701	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
204	0407	0701											3101	3303	4403	4801	0303	07
205	0407	0701	401	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301	0103/10	0202/4	3101	3303	4403	4801	0303	0706
206	04	07											31	33	44	48		
207	0407	0701					0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	BLANK
208	04	07											31	33	44	48		
209	0407	0701	40103	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
210													3101/14	330301	440302	4801/9	0303/20	07
211	0407	0701	401	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301	01	0202	3101	3303	4403	4801/9	03	07
212	040701	070101	401	BLANK									310102	330301	440302	480101	0303/20	07
213	0407	0701											3101	3303	4403	4801	0303/20	BLANK
214													31	33	440302	48	NT	NT
215	NT	NT	NT	NT														
216	0407	07					0202	0302					31	33	44	48	03	07
217																		
218	0407	0701											3101	3303	4403	4801	0303	0706
219	0407	0701					02	03					31	33	44	48		
220	0407	07	401	BLANK									31	33	44	48	03	07
221	040701	0701											310102	330301	440302	480101		
222	04	07	401	BLANK			02	03					31	33	44	48		
223	040701	07			0201	03	0202	030201	030101	1301			310102	330301	440302	480101	030301	07
224																		
225	04	07					02	03					31	33	44	48	0303/5	07
230	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0701/18

DNA #587

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	0407	07	401	BLANK	0201	0301	0202	0302					31	33	44	48		
278	0407	0701	40103	BLANK	0201	03	0202	0302					31	33	4403	4801/9	03	0701/6
291	0407	07	401	BLANK	0201	0301	0202	0302					31	33	44	48	03	07
401													3101	3303	4403	4801	03	07
452	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
519	0407	0701					0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303/20	07
615	040701	070101	401	BLANK	02	03	0202	030201	03	13								
616	04	07																
635	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
702	0407	0701	40103	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0701
714	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
726	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
732	040701	070101	4010301	BLANK			0202	0302					310102	330301	440302	480101	030301	07
743	04	07	4	BLANK			02	03					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
1018	0407	0701	4	BLANK	0201	0301	0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
1113	0407	0701/15	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			31	33	4403/61	48	0303/50	0706
1189	04	07	401	BLANK			0202	0302					31	33	44	48	03	07
1212	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	48	0303	0706/18
1251	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301			3101	3303/12	4403	48	0303	0706
1498	0407	070101	40103	BLANK	0201	030101	0202	0302					31	33	44	48	03	07
1647	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
1686	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301	0103	0202	3101	3303	4403	4801	0303	0706
1905	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
2004	0407	0701	40103	BLANK	0201	030101	0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
2013	0407	0701	4	BLANK			0202	0302					31	33	44	48	03	07
2015													3101	3303	4403	4801	0303	0706
2019	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
2063	0407	0701/15	401	BLANK	0201	03	0202	0302										
2347	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
2411	04	07											31	33	44	48		
2518	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
2549	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302	NT	NT			3101	3303	4403	4801	0303	0706
3248																		
3261	0407	0701	4	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
3264	0407	0701	40103	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
3324	0407	0701	401	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	07
3325	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48		
3410	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
3438	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	BLANK
3522	0403	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0701
3548	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
3582	0407	0701	401	BLANK	NT	NT	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303/20	07
3600	04	07	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07
3614	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
3625	0407	0701	4	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303	0706
3807	0407	0701	4	BLANK	0201	0301	0202	0302	03	1301	0103	0202	3101	3303	4403	48	0303	0706
3849	0407	0701	401	BLANK	0201	03	0202	0302					310102	330301	440302	4801	03	07
4237	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
4281																		
4336	0407	0701					0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303/20	07
4420	0407	0701											3101	3303	4403	4801	0303	0701
4545	0407	0701	40103	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301			3101	3303	4403	4801	0303/20	07
4551	0407	0701	NT	NT			02	03	NT	NT			31	33	44	48	03	07
4582	0407	0701	401	BLANK	0201	03	0202	0302					310102	3303	4403	4801	0303	0706
4585	0407	07					02	03					31	33	44	48	03	07
4613																		
4623																		
4653	040701	07					0202	0302					310102	330301	440302	480101	03	0706
4709	0407	0701	40103	BLANK	0201	0301	0202	0302	0301	1301			3101	3303/11	4403	4801/9	0303	0706
5204													31	33	44	48	03	07
5365	0407	0701/15	40103	BLANK	0201	03	0202	0302	0301	1301			31	33	44	48	03	07
5720	0407	0701	40103	BLANK			0202	0302					3101	3303	4403	4801	0303	0706
5982	040701	070101					0202	030201	030101	1301			310102	330301	440302	480101	030301	0706
6051	0407	0701	401	BLANK			02	0302	0301	1301			3101	33	4403/54	4801	0303	07
6313	0404	07					0202	03					31	33	44	48	03	07
9221	0407	0701	4	BLANK			02	03					31	33	44	48	03	07

DNA #588

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
7													020101	300101	5001	BLANK	060201	BLANK
16	010201	070101	40101	BLANK	01	0201	0202	0501	010101	040101			02	30	50	BLANK	06	BLANK
61													02	30	50	BLANK	06	BLANK
80	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
124	0102	0701	40101	BLANK	01	0201	0202	0501	0101	0401			02	3001/24	5001	BLANK	0602	BLANK
131	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
134	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
138	0102	0701	401	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
139	0102	07	401	BLANK									02	30	5001	BLANK		
142	0102	07	401	BLANK									02	30	5001	BLANK		
144	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
147	0102	0701	40101	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
148	0102	0701	401	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
151	010201	0701	4	BLANK			0202	050101					020101	300101	5001	BLANK	0602	BLANK
152	01	07											02	30	50	BLANK		
153	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
155													0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
156	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
158	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
160	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
162	010201	070101					0202	050101					0201g	3001g	5001	BLANK	060201g	BLANK
163	0102	0701	4	BLANK									NT	NT	NT	NT		
164	01	07											02	30	50	BLANK		
166	0102	0701	40101	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401			02	30	50	BLANK	06	BLANK
167	010201	0701											020101	300101	5001	BLANK	060201	BLANK
168	01	07											02	30	50	BLANK		
170	0102	0701	40101	BLANK			0202	050101					02	30	5001	BLANK	06	BLANK
171	0102	0701	40101	BLANK	0101	0201	0202	0501					02	30	50	BLANK	06	BLANK
173	0102	0701			01	0201	02	0501					02	30	50	BLANK		
174																		
175	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	06	BLANK
176																		
179	010201	070101	401	BLANK	01	0201	0202	0501					02	30	5001	BLANK	0602	BLANK
180																		
185	010201	070101					0202	050101					02	30	5001	BLANK	0602	BLANK
186	0102	0707	40101	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
187	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
188									0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
189	0102	0701	4	BLANK	01	0201	0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
190	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	15	06	BLANK
192	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
193	0102	07											02	30	5001	BLANK		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
197	0102	0701	401	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
199	01	07	4	BLANK			02	05										
201	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
203	0102	0701	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
204	0102	0701											0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
205	0102	0701	401	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401	0201	0202/4	0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
206	01	07											02	30	50	BLANK		
207	0102	0701					0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
208	01	07											02	30	50	BLANK		
209	0102	0701	4010101	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
210													02	3001/24	5001	BLANK	0602	BLANK
211	0102	0701	401	BLANK	01	0201	0202	0501	0101	0401	0201/3	0202	0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
212	010201	070101	401	BLANK									020101	300101	5001	BLANK	0602	BLANK
213	0102	0701											0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
214													02	30	5001	BLANK	0602	BLANK
215	NT	NT	NT	NT														
216	0102	07					0202	0501					02	30	5001	BLANK	06	BLANK
217																		
218	0102	0701											0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
219	0102	0701					02	05					02	30	50	BLANK		
220	0102	07	401	BLANK									02	30	50	40	06	BLANK
221	010201	0701											020101	300101	5001	BLANK		
222	01	07	401	BLANK			02	05					02	30	50	45		
223	010201	07			01	0201	0202	050101	010101	040101			02	300101	5001	BLANK	06	BLANK
224																		
225	01	07					02	05					02	30	50	BLANK	0602	BLANK
230	0102	0701	40101	BLANK	01	0201	0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK

DNA #588

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	0102	0701	40101	BLANK	01	0201	0202	0501					02	3001/24	5001	BLANK	06	BLANK
291	0102	07	401	BLANK	0101	0201	0202	0501					02	30	5001	BLANK	06	BLANK
401													0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
452	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
519	0102	0701					0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
615	010201	070101	401	BLANK	01	02	0202	050101	010101	040101								
616	01	07																
635	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
702	0102	0701	40101	BLANK	01	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
714	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
726	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
732	010201	070101	4010101	BLANK			0202	0501					020101	300101	5001	BLANK	060201	BLANK
743	01	07	4	BLANK			02	05					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0102	0701					0202	0501					02	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
1018	0102	0701	4	BLANK	0101	0201	0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
1113	0102	0701/15	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			02	3001	5001	BLANK	0602/18	BLANK
1189	0102	07	401	BLANK			0202	0501					02	30	5001	BLANK	06	BLANK
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	010201	070101	401010101	BLANK	0101	0201	0202	0501					02	30	5001/4	BLANK	06	BLANK
1647	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
1686	0102	0701	40101	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401	0201	0202	0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
1905	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
2004	0102	0701	401010101	BLANK	0101	0201	0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
2013	0102	0701	401	BLANK			0202	0501					02	30	5001	BLANK	06	BLANK
2015													0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
2019	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
2063	0102	0701/15	401	BLANK	01	0201	0202	0501										
2347	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
2411	01	07											02	30	50	BLANK		
2518	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
2549	0102	0701	40101	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3248																		
3261	0102	0701	4	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3264	0102	0701	40101	BLANK	01	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3324	0102	0701	401	BLANK	0101/7	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3325	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK		
3410	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3438	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3522	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3548	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3582	0102	0701	401	BLANK	NT	NT	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3600	01	07	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK
3614	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3625	0102	0701	4	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401			0201/90	3001/16	5001	BLANK	06	BLANK
3807	0104	0701	4	BLANK	0101	0201	0202	0501	0101	0401	0201	0202	0201/76	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
3849	0102	0701	401	BLANK	01	0201	0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	060201	BLANK
4237	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
4281																		
4336	0102	0701					0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
4420	0102	0701											0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
4545	0102	0701	40101	BLANK	01	0201	0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
4551	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
4582	0102	0701	401	BLANK	01	0201	0202	0501					0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
4585	0102	07					0202	0501					02	30	50	BLANK	06	BLANK
4613																		
4623																		
4653	010201	07					0202	0501					02	300101	5001	40	06	BLANK
4709	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													02	30	50	BLANK	06	BLANK
5365	0102	0701/15	40101	BLANK	01	0201	0202	0501					0201	30	50	BLANK	06	BLANK
5720	0102	0701	40101	BLANK			0202	0501	0101	0401			0201	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
5982	010201	070101					0202	050101	010101	040101			020101	300101	5001	BLANK	0602	BLANK
6051	0102	0701	401	BLANK			02	0501	0101	0401			02	3001	5001	BLANK	0602	BLANK
6313	0102	07					0202	050101					02	30	5001	BLANK	06	BLANK
9221	0102	0701	4	BLANK			02	05					02	30	50	BLANK	06	BLANK

DNA #589

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	010101	0602			NT	NT	NT	NT	NT	NT
16	030201	080401	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					020101	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/3
61																		
80	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
124	0302	0804	30101	BLANK	0401/4	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			02	23	4201	81	0804	17
131	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
134	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2317	4201	8101	0804	1701
138	0302	0804					0402	BLANK					0201	2317	4201	8101	0804	1701
139	0302	08	301	BLANK									02	23	4201/2	81		
142	0302	08	301	BLANK									02	23	4201/2	81		
144	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	08	17
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/2
151	030201	080401	3	BLANK			0402	BLANK					020101	2301/17	4201	8101	0804	1701
152	07	09											02	23	42	81		
153	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
155													0201	2317	4201	8101	0804	1701
156	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701
158	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2301	4201	8101	0804	1701
160	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
162	030201	080401					0402	BLANK					0201g	2301/17	4201	8101g	0804	1701g
163	0302	0804	3	BLANK									02	23	42	81		
164	03	08											02	23	42	81		
166	0302	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			02	23	42	81	08	17
167	030201	080401											020101	2317	4201	8101	0804	1701
168	03	08											02	23	42	81		
170	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK					02	23	42	81	0804	17
171	0302	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					02	23	42	81	08	17
173	0302/3	0802/4			04	BLANK	0402	BLANK					02	23	42	81		
174													02	23	42	81		
175	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301	4201	8101/2	08	17
176																		
179	0302/3	0802/4	3	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					02	23	4201	81	0804	17
180																		
185	030201	080401					0402	BLANK					02	2301/7	4201	81	0804	17
186	0302	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2317	4201	8101	0804	1701
187	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101/2	0804	17
188									0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/2
189	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701
190	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
192	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK					0201	2317	4201	8101	0804	1701
193	0302	0804											02	23	42	81		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
197	0302	0804	301	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101g	0804	1701g
199	03	08	3	BLANK			04	BLANK										
201	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
203	0302	0804	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
204	0302	0804											0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
205	0302	0804	301	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602	0202/4	0301	0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
206	03	08											02	23	42	81		
207	NT	NT					NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	03	08											02	23	42	81		
209	0302	0804	30101	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
210													02	23	4201	81	0804	17
211	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0602	0202	03	0201	2301/17	4201/2	81	0804	17
212	030201	080401	3010102	BLANK									020101	2301/17	420101	8101	0804	17
213	0302	0804											0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701
214													02	23	4201	81	0804	17
215	NT	NT	NT	NT														
216	0302	0804					0402	BLANK					02	23	42	8101	0804	17
217																		
218	0302	0804											0201	2317	4201	8101	0804	1701
219	0302	0804					04	03					02	23	42	81		
220	0302	0804	301	BLANK									02	23	42	8101/2	08	17
221	030201	080401											020101	2301/17	4201	8101/2		
222	03	08	301	BLANK			04	03					02	23	42	81		
223	030201	080401			04	BLANK	0402	BLANK	010101	0602			02	2301/17	4201	8101/2	0804/13	17
224																		
225	03	0804/6					0401/2	BLANK					02	23	42	8101/2	08	17
230	0302	0804	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					0201	2301/17	4201	81	0804	1701

DNA #589

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	0302	0804	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					02	23	4201	8101	0804	1701
291	0302	0804	301	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					02	23	42	81	08	17
401													0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/2
452	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2317	4201	8101	0804	1701
519	0302	0804					0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	17
615	030201	080401	3010102	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	010101	0602								
616	03	08																
635	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
702	0302	0804	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2301	4201	81	0804	17
714	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
726	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8103	0804	1701
732	030201	080401	30101	BLANK			0402	BLANK					020101	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/2
743	03	08	3	BLANK			0402	BLANK					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0302	0804					0402	BLANK					02	2301/17	4201	8101/2	0804	17
1018	0302	0804	3	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					0201	2301	4201	8101	0804	1701
1113	0302	0804	NT	NT			0402	BLANK	0101	0602			02	23	42	81	08	17
1189	0302/3	0802/4	301	BLANK			0402	BLANK					02	23	42	81	08	17
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	030201	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					02	23	42	81	08	17
1647	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
1686	0302	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602	0202	0301	0201	2317	4201	8101	0804	1701
1905	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2317	4201	8101	0804	1701
2004	0302	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					0201	2317	4201	8101	0804	1701
2013	0302	0804	301	BLANK			0402	BLANK					02	23	42	81	08	17
2015													0201	2317	4201	8101	0804	1701
2019	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2317	4201	8101	0804	1701
2063	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK										
2347	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
2411	03	08											02	23	42	81		
2518	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
2549	0302	0804	30101	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
3248																		
3261	0302	0804	3	BLANK			0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	0804	1701/2
3264	0302	0804	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2317	4201	8101/2	0804	1701
3324	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	17
3325	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81		
3410	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	81	0804	1701
3438	0302	BLANK					0402	BLANK					0201	2301	4201	8101/2	0804	1701/2
3522	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
3548	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK					0201	2301	4201	8101	0804	1701
3582	0302	08	301	BLANK	04	BLANK	NT	NT	NT	NT			02	23	4201/2	81	NT	NT
3600	03	08	3	BLANK			04	BLANK					02	23	42	81	08	17
3614	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	42	81	0804	1701
3625	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	17
3807	0302	0804	3	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0101	0602	0202	0301	0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
3849	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/2
4237	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK					0201	2317	4201	8101	0804	1701
4281																		
4336	0302	0804					0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101/2	0804/13	17
4420	0302	0804											0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/3
4545	0302	0804	301	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	17
4551	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101	0804	1701
4582	0302	0804	301	BLANK	0401/4	BLANK	0402	BLANK					0201	2301/17	4201	8101/3	0804	1701
4585	03	08					04	BLANK					02	23	42	81	08	17
4613																		
4623																		
4653	030201	080401					0402	BLANK					02	23	4201	81	0804	17
4709	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													02	23	42	81	08	17
5365	0302	0804	30101	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					0201	23	42	81	08	17
5720	0302	0804	30101	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			0201	2301/17	4201	8101/2	0804	1701
5982	030201	080401					0402	BLANK	010101	0602			020101	2301/17	4201	8101/2	0804	1701/2
6051	0302	0804	301	BLANK			0402	BLANK	0101	0602			02	23	4201/2	81	0804	17
6313	03	08					0402	BLANK					02	23	42	81	08	17
9221	0302	0804	3	BLANK			03	BLANK					02	23	42	81	08	17

DNA #590

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	09 12	301 401	03 BLANK	03 BLANK	020102	0501	02 BLANK	35 46	03 08
16	090102	120101/10	30101 40103	0302/3	BLANK	0303/20	020101 BLANK	350101/42 460101	030301/20 080101
61									
80	09 12	3 4			03 BLANK		02 BLANK	35 46	03 08
124	0901 12	30101 401	0302/3	BLANK	0303	BLANK	02 BLANK	35 4601/15	0303/20 0801
131	09 12	3 4			03 BLANK		02 BLANK	35 46	03 08
134	0901 1201	30101 40103			0303	BLANK	0201 BLANK	3501/14 4601/13	0303 0801
138	0901 1201				0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
139	09 12	301 401					02 BLANK	35 46	
142	09 12	301 401					02 BLANK	35 46	
144	0901 12				0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
147	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT
148	0901 12	30101 40103			0303	BLANK	0201 BLANK	35 46	0303 0801
151	090102 120101	3 4			030302	BLANK	020101 BLANK	3501/11 4601/9	030301 080101
152	09 12						02 BLANK	35 46	
153	09 12	3 4			03	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
155							0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
156	0901 1201				0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
158	0901 1201	30101 40101			0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
160	0901 1201	30101 40103			0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
162	090102 120101				030302	BLANK	0201g BLANK	3501g 460101	030301g 080101
163	09 12	3 4					02 BLANK	35 46	
164	09 12						02 BLANK	35 46	
166	0901 1201	30101 40103	03	BLANK	0303	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
167	090102 1201/10						020101 BLANK	350101 460101	030301 080101
168	09 12						02 BLANK	35 46	
170	0901 1201	30101 40103			0303/20	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
171	0901 1201	30101 40103	0302	BLANK	0303	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
173	0901 12		03	BLANK	0303/15	BLANK	02 BLANK	35 46	
174									
175	0901 12				0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	03 08
176									
179	090102 12	3 401	03	BLANK	03	BLANK	02 BLANK	35 46	0303/20 080101
180									
185	090102 12				030302	BLANK	02 BLANK	35 46	030301/20 080101
186	0901 1201	30101 40103	0302	BLANK	0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
187	0901 1201				0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601/13	0303/20 0801
188							0201 BLANK	3501/42 4601	03 08
189	0901 1201	30101 4 4	0302/3	BLANK	0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
190	09 12	3 4			03	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
192	0901 1201	30101 40103			0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
193	09 12						02 BLANK	35 46	
194	09 12	3 4					02 BLANK	35 46	
195	NT NT	NT NT			NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT
197	0901 1201g	301 401	0302	BLANK	0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303g 0801
199	09 12	3 4			03	BLANK			
201	0901 1201	30101 40103			0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
203	0901 1201	3 4			03	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
204	0901 1201						0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
205	0901 1201	301 401	0302	BLANK	0303	BLANK	0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
206	09 12						02 BLANK	35 46	
207	NT NT				NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT
208	09 12						02 BLANK	35 46	
209	0901 120101	30101 40103			03	BLANK	02 BLANK	35 46	NT NT
210							02 BLANK	35 460101	0303/20 080101
211	0901 1201	301 401	0302/3	BLANK	0303	BLANK	0201 BLANK	35 4601/15N	0303/20 0801
212	090102 12	3010102 401					020101 BLANK	350101 460101	0303/20 080101
213	0901 1201						0201 BLANK	3501/11 4601/9	0303/20 0801
214							02 BLANK	35 46	03 080101
215	NT NT	NT NT							
216	09 12				0303	BLANK	02 BLANK	35 46	03 08
217									
218	0901 1201						0201 BLANK	3501 4601	0303 0801
219	0901 1201				03	BLANK	02 BLANK	35 46	
220	0901 1201	301 401					02 BLANK	35 46	03 08
221	090102 120101						020101 BLANK	350101 460101	
222	09 12	302 401			03	BLANK	02 BLANK	35 46	
223	090102 12		03	BLANK	030302	BLANK	020102 BLANK	35 46	030301 080101
224									
225	09 12				0303/6	BLANK	02 BLANK	35 BLANK	0303/5 08
230	0901 1201	30101 40103	03	BLANK	0303	BLANK	0201/31 BLANK	35 4601	0303 0801

DNA #590

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
278	0901	12	30101	40103	0302/3	BLANK	0303/20	BLANK					02	BLANK	3501/57	4601/15	03	0801
291	09	12	301	401	0302	BLANK	03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
401													0201	BLANK	3501/42	4601	0303	0801
452	0901	1201	30101	40103			0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
519	0901	12					0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501/42	4601	0303/20	0801
615	090102	12	3010102	401	03	BLANK	030302	BLANK	020102	0501								
616	09	12																
635	09	12	3	4			03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
702	0901	1201	30101	40103	03	BLANK	0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
714	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
726	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
732	090102	1201/10	30101	4010302			0303	BLANK					020101	BLANK	3501/42	460101	030301	080101
743	09	12	3	4			03	BLANK					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501/42	4601	0303/20	0801
1018	0901	1201	3	4	0302	BLANK	0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
1113	09	12	NT	NT			0303	BLANK	0201	0501			02	BLANK	35	46	03	08
1189	09	12	301	401			0303	BLANK	0201	0501			02	BLANK	35	46	03	08
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	0901	12	30101	40103	0302	BLANK	0303/20	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
1647	09	12	3	4			03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
1686	0901	1201	30101	40103	0302	BLANK	0303	BLANK	0201	0501	0103	0202	0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
1905	0901	1201	30101	40103			0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
2004	0901	1201	30101	40103	0302	BLANK	0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
2013	0901	1201	301	401			0303	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
2015													0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
2019	0901	1201	30101	40103			0303	BLANK	1802	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
2063	0901	1201	301	401	0302/3	BLANK	0303	BLANK										
2347	09	12	3	4			03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
2411	09	12											02	BLANK	35	46		
2518	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
2549	0901	1201	30101	40103	0302	BLANK	0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3248																		
3261	0901	1201	3	4			0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3264	0901	1201	30101	40103	0302/3	BLANK	0303	BLANK	0402	2201			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3324	0901	1201	301	401	03	BLANK	0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501/42	4601	0303	0801
3325	09	12	3	4			03	BLANK					02	BLANK	35	46		
3410	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3438	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3522	0901	1201					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3548	0901/6	1201	30101	40101			0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3582	09	12	301	401	03	BLANK	NT	NT	NT	NT			02	BLANK	35	46	NT	NT
3600	09	12	3	4			03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
3614	0901	120101g					0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
3625	0901	12	3	4	03	BLANK	0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501/42	4601	0303/20	0801
3807	0901	1201	3	4	0302	BLANK	03	BLANK	02	0501	0103	0202	0201	BLANK	5305	4601/5	0303	0801
3849	0901	12	301	401	0302/3	BLANK	0303	BLANK					0201	BLANK	3501/42	4601	0303	0801
4237	0901	1201	30101	40103			0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
4281																		
4336	0901	12					0303	BLANK					0201	BLANK	3501/42	4601	0303/20	0801
4420	0901	1201											0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
4545	0901	12	301	401	03	BLANK	0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501/42	4601	0303/20	0801
4551	0901	1201	30101	40103			0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
4582	0901	1201	301	401	0302/3	BLANK	0303	BLANK					0201	BLANK	3501	4601/10	0303	0801
4585	09	12					03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
4613																		
4623																		
4653	090102	12					0303	BLANK					02	BLANK	35	460101	03	080101
4709	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													02	BLANK	35	46	03	08
5365	0901	1201	30101	40103	03	BLANK	0303/20	BLANK					0201	BLANK	35	46	03	08
5720	0901	1201g	30101	40103			0303	BLANK	0201	0501			0201	BLANK	3501	4601	0303	0801
5982	090102	12					030302	BLANK	020102	0501			020101	BLANK	3501/42	460101	030301	080101
6051	09	1201/6	301	401			0303	BLANK	0201	0501			02	BLANK	3501	46	0303	0801/8
6313	09	12					03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08
9221	0901	1201	3	4			03	BLANK					02	BLANK	35	46	03	08

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL			RSSO-OL	RSSO-OL	RSSO-OL
16	RSSOP-OL/SBT	RSSOP-OL/SSP-IVGN	RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL/SBT		RSSOP-OL/SBT	RSSOP-OL/SBT	RSSOP-OL/SBT/SSP-IVGN
61									
80	OneLambda	SSP2LLot-006					OneLambdaSSP	SSP1LLot-006	SSP1-17Lot002
124	SBT	SBT	SSO-LUM	SSO/SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-INV/RSSOP	SSP-INV/RSSOP		SSP-INV/RSSOP			SSP-INV/RSSOP	SSP-INV/RSSOP	SSP-INV/RSSOP
134	SBT-ATRIA/SSP-GV	SSP-GV		SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV		SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV
138	SBT-ATRIA/SSP-GV/SSOP-OL			SBT-ATRIA/SSP-GV/SSOP-OL			SBT-ATRIA/SSP-GV/SSOP-OL	SBT-ATRIA/SSP-GV/SSOP-OL	SBT-ATRIA/SSP-GV/SSOP-OL
139	SSOP-TEP	SSOP-TEP					SSOP-TEP	SSOP-TEP	
142	SSOP-TEP	SSOP-TEP					SSOP-TEP	SSOP-TEP	
144	SBT-PRTRNS			SBT-PRTRNS			SBT-PRTRNS	SBT-PRTRNS	SBT-PRTRNS
147	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRUP	SSP-OL	SSO-OL/SSP-OLRP	SSP-OLRP		SSO-OL/SSP-DYNL	SSO-OL/SSP-OLRP	SSO-OL/SSP-OLRP
148	SBT-ATRIA			RSSO-IVGN	SBT-ATRIA		SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
151	SSP-IVGN/SBT-IVGN	SSP-IVGN/SBT-IVGN		SSP-IVGN/SBT-IVGN			SSP-IVGN/SBT-IVGN	SSP-IVGN/SBT-IVGN	SSP-IVGN/SBT-IVGN
152	SSP-OL						SSP-OL	SSP-OL	
153	SSO-DYNL/SSP-GV	SSO-DYNL/SSP-GV		SSO-DYNL/SSP-GV			SSO-DYNL/SSP-GV	SSO-DYNL/SSP-GV	SSO-DYNL/SSP-GV
155							SBT	SBT	SBT
156	SBT-ATRIA/SSO-Dynal/SSP-GV			SBT-ATRIA/SSO-Dynal/SSP-GV			SBT-ATRIA/SSO-Dynal/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSO-Dynal/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSO-Dynal/SSP-GV
158	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-OL	SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
160	SSP-DYNL/SSO-OL/SBT-ATRIA	SSP-DYNL/SBT-ATRIA		SSP-DYNL/SBT-ATRIA			SBT-ATRIA/SSP-OLRP	SBT-ATRIA/SSP-OLRP	SBT-ATRIA/SSP-OLRP
162	SSP/SBT-BIOSWM			SSP/SBT-BIOSWM			SSP/SBT-BIOSWM	SSP/SBT-BIOSWM	SSP/SBT-BIOSWM
163	SBT-ATRIA	SSP-GV					SSP-GV	SSP-GV	
164	LiPATypingTest						LiPATypingTest	LiPATypingTest	
166	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV		SSO-BIOTEST/SSP-GV	SSO-BIOTEST/SSP-GV	SSO-ELPHA/SSP-GV
167	SSP/SSO/SBT-OL						SSP/SSO/SBT-OL	SSP/SSO/SBT-OL	SSP/SSO/SBT-OL
168									
170									
171	SSP-DYNL-OL						SSOP-LUM	SSOP-LUM	SSOP-LUM
173	SSO-DYNL		SSO-DYNL	SSO-DYNL			SSO-BIOTEST/SSP-OL	SSO-BIOTEST/SSP-OL	SSO-BIOTEST/SSP-OL
174							SSO-DYNL	SSO-DYNL	
175	SSO-DYNL/SBT-IVGN			SSO-DYNL/SBT-IVGN			SSO-DYNL/SBT-IVGN	SSO-DYNL/SBT-IVGN	SSO-DYNL
176									
179	SBT	SSP	SBT	SSO			SBT	SBT	SBT
180									
185	SBTExon2			SBTExon2and3			SBTExons2&3	SBTExons2&3	SBTExons2&3
186	SSO-LUM/SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-OLRP	SSO-LUM/SSP-OLRP	SSP-OLRP/SSP-IVGN		SSP-OLRP/SBT-ATRIA/SSO-LUM	SSP-OLRP/SBT-ATRIA/SSO-LUM	SSP-OLRP/SBT-ATRIA/SSO-LUM
187	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
188					SSO-TEP/SBT/SSP-GV		SSO-TEP/SBT-ATRIA	SSO-TEP/SBT-ATRIA	SSO-TEP/SBT-ATRIA
189	RSSO-OL/SSP-PF	SSP	RSSP-OL	RSSP-OL			SBT/RSSO-OL/SSP	SBT/RSSO-OL/SSP	SBT/RSSO-OL/SSP
190	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
192	SBT/SSP	SSP		SBT/SSP			SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
193	SSO-OL						SSO-OL	SSO-OL	
194									
195	SSO-OL/SSP-OLRUP	SSP-OLRUP		SSO-OL/SSP-OLRUP	SSP-OLRUP		SSO-OL/SSP-OLRUP	SSO-OL/SSP-OLRUP	SSO-OL/SSP-OLRUP
197	SBT-ATRIA/RSSO-OL	RSSO-OL	SSP-IVGN/RSSO-OL	SBT-ATRIA/RSSO-OL/SSP-IVGN	SBT-ATRIA/RSSO-OL		SBT-ATRIA/RSSO-OL	SBT-ATRIA/RSSO-OL	SBT-ATRIA/RSSO-OL
199									
201	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-OLRP			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
203	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
204	SBT-BIOSWM						SBT-BIOSWM	SBT-BIOSWM	SBT-BIOSWM
205	RSSOP-OL/SBT-ABT/SSP-IVGN	RSSOP-OL	SSP-IVGN	RSSOP-OL/SBT-ABT/SSP-IVGN	SSP-IVGN/SBT-ABT	SSP-IVGN/SBT-ABT	RSSOP-OL/SBT-ABT/SSP-IVGN	RSSOP-OL/SBT-ABT/SSP-IVGN	RSSOP-OL/SBT-ABT/SSP-IVGN
206	SSO-OL						SSO-OL	SSO-OL	
207	SSO/SSP			SSO	SBT		SBT	SBT/SSP	SBT/SSP
208							SSP-IVGN	SSP-IVGN	
209	SSP-OLRP-OL	SSP-OLRP-OL		SSP-OL			SSP-OLRP-OL/SSO-OL	SSP-OLRP-OL/SSO-OL	SSO-OL
210							SBT	SBT	SBT
211	RSSOP-OL/SSP-OLRUP	RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL/SSP-OLRUP	RSSOP-OL/SBT	SSP	RSSOP-OL/SBT	RSSOP-OL/SBT	RSSOP-OL/SBT
212	SBT	SBT					SBT	SBT	SBT
213	SBT-ABT						SBT-ABT	SBT-ABT	SBT-ABT
214									
215	SSP-BIOTEST	SSP-BIOTEST							
216	SSO-OL			SSO-OL			SSO-OL	SSO-OL/SSP-OL	SSO-OL
217									
218	SBT						SBT	SBT	SBT
219	SSP-IVGN			SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	
220	SSP-IVGN	SSP-IVGN					SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
221	SBT-ATRIA						SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	
222	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	
223	SBT-ABT-QGN		SBT	SBT-ABT-QGN	SBT-ABT-QGN		SBT-ABT-QGN	SBT-ABT-QGN	SBT-ABT-QGN
224									
225	IDEM			IDEM			SSP-INVNT	SSOP-INVNT	SSOP-INVNT
230	SSP-QGN	SSP-QGN	SSO-TEP	SSP-QGN	SSO-TEP		SSO-TEP	SSP-QGN	SSP-QGN

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-QGN	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	
278	SSP/RSSOP	SSP/RSSOP	RSSOP	SSP/RSSOP			SSP/RSSOP	SSP/RSSOP	SSP/RSSOP
291	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA			RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA
401							SBT	SBT-CELERA	SBT
452	RSSO/SSP(Qia,Inv)/SBT(Atria)	SSP		RSSO/SSP(Qia,Inv)/SBT(Atria)	RSSO/SSP(Qia,Inv)/SBT(Atria)		RSSO/SSP(Qia,Inv)/SBT(Atria)	RSSO/SSP(Qia,Inv)/SBT(Atria)	RSSO/SSP(Qia,Inv)/SBT(Atria)
519	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA		SBT-ATRIA	SSP-IVGN		SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
615	SBT	SBT	SBT	SBT	SBT				
616	SSO								
635	OneLambdaSSP	OneLambdaSSP		OneLambdaSSP			OneLambdaSSP	OneLambdaSSP	OneLambdaSSP
702	SSO/SSP/ST	SSO/SSP/ST	SSO/SSP/ST	SSO/SSP/ST	SSO/SSP/ST		SSO/SSP/ST	SSO/SSP/ST	SSO/SSP/ST
714	SBT-QGN			SBT-QGN			SBT-QGN	SBT-QGN	SBT-QGN
726	RSSO-OL,SSP(INV-GV)			RSSO-OL,SSP(INV-GV)			RSSO-OL,SSP(INV-GV)	RSSO-OL,SSP(INV-GV)	RSSO-OL,SSP(INV-GV)
732	SSO/SSP/ST	SBT		SBT			SBT	SBT	SBT
743	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
805	SSO-LUM/SSP-IVGN/ST-ATRIA			SSO-LUM/SSP-IVGN/ST-ATRIA			SSO-LUM/SSP-IVGN/ST-ATRIA	SSO-LUM/SSP-IVGN/ST-ATRIA	SSO-LUM/SSP-IVGN/ST-ATRIA
1018	SBT-ATRIA/SSP-OL	SSP-OL	SSP-IVGN	SBT-ATRIA/SSP-OL			SBT-ATRIA/SSP-OL	SBT-ATRIA/SSP-OL	SBT-ATRIA/SSP-OL
1113	SSO-LUM/SSP-GV-IVGN			SSO-LUM/SSP-GV-IVGN	SSP-IVGN		SSO-LUM/SSP-GV	SSO-LUM/SSP-GV	SSP-GV
1189	SSOInnogenetics	SSOInnogenetics		SSOInnogenetics	SSPLifeTechnologies		SSOInnogenetics	SSOInnogenetics	SSOInnogenetics
1212									
1251	SSO/SSP/ST	SSP	SSP	SSO/SSP	SSP-IVGN		SSO/SSP	SSO/SSP	SSO/SSP
1498	SSO	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN					
1647	SSOTepnel	SSOTepnel		SSOTepnel			SSOTepnel	SSOTepnel	SSOTepnel
1686									
1905									
2004	SSPOLRUP/SSPINVGN	SSPOLRUP/SSPINVGN	SSPOLERUP	SSPOLRUP/SSPINVGN			SSPOLRUP/SSPINVGN	SSPOLRUP/SSPINVGN	SSPOLRUP/SSPINVGN
2013	SSOP-LUM/SSP-DYNL	SSOP-LUM		SSOP-LUM			SSOP-LUM	SSOP-LUM	SSOP-LUM
2015							sbtabbott/spggn/ssobiostat	sbtabbott/spggn/ssobiostat	sbtabbott/spggn/ssobiostat
2019	SSOInnog/SSPOlerup	SSPOlerup		SSPOlerup			SSOInnog/SSPOlerup	SSOInnog/SSPOlerup	SSOInnog/SSPOlerup
2063	SSO/SSP	SSO	SSO	SSO					
2347	SSO-LUM	SSO-LUM		SSO-LUM			SSO-LUM	SSO-LUM	SSO-LUM
2411									
2518	SBT-Atria,SSP-OL			SBT-Atria,SSP-OL			SBT-Atria,SSP-OL	SBT-Atria,SSP-OL	SBT-Atria,SSP-OL
2549	SBT-Atria/SSO-Biot/SSP-PF	SSP-Pel-Freez	SSP-Pel-Freez	SSO-Biotest,SSP-Pel-Freez	SBT-Atria		SBT-Atria/SSO-Biot/SSP-PF	SBT-Atria/SSO-Biot/SSP-PF	SBT-Atria,SSP-Pel-Freez
3248									
3261	SSP-Invitrogen,SBT-Qiagen	SSP-Invitrogen		SSP-Invitrogen,SBT-Qiagen			SSP-Invitrogen,SBT-Qiagen	SSP-Invitrogen,SBT-Qiagen	SSP-Invitrogen,SBT-Qiagen
3264	SSO-OL/SSP-IVGN/ST-ATRIA	SSP-IVGN	SSO-LUM	SSO-OL/SSP-IVGN/ST-ATRIA	SBT-ATRIA		SSO-LUM/SSP-GV/ST-ATRIA	SSO-LUM/SSP-GV/ST-ATRIA	SSP-GV/ST-ATRIA
3324	SSO-TEP/ST-ATRIA	SSO-TEP/ST-ATRIA	SSO-TEP/ST-ATRIA	SSO-TEP/ST-ATRIA	SSO-TEP/ST-ATRIA		SSO-TEP/ST-ATRIA	SSO-TEP/ST-ATRIA	SSO-TEP/ST-ATRIA
3325	Invitrogen	Invitrogen		Invitrogen			Invitrogen	Invitrogen	
3410	SBT,Abbott/SSP,GV			SBT,Abbott/SSP,GV;SSOP,Dynal			SBT,Abbott/SSP,GV;SSOP,Dynal	SBT,Abbott/SSP,GV;SSOP,Dynal	SBT,Abbott/SSP,GV;SSOP,Dynal
3438	sbt-protrans			sbt-protrans			sbt-abbott	sbt-abbott	sbt-abbott
3522	SBTINVITROGEN			SSOINNOGENETICS			SBTINVITROGEN	SBTINVITROGEN	SBTINVITROGEN
3548	ONELAMBDASSP	ONELAMBDASSP		ONELAMBDASSP			INVITROGENSSP	INVITROGENSSP	INVITROGENSSP
3582	SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP		SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT
3600	SSP:PF,OL	SSP:PF,OL		SSP:PF,OL			SSP:PF,OL	SSP:PF,OL	SSP:PF,OL
3614	SBT			OLSSP			OLSSOSSP	OLSSOSSP	OLSSOSSP
3625	SSP/ST	SSP/ST	SSP/ST	SSP/ST	SSP/ST		SSP/ST	SSP/ST	SSP/ST
3807	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen
3849	SSOP/ST	SSOP	SSOP-LUM	SSOP/ST			SSOP/ST	SSOP/ST	SSOP/ST
4237	SBT-PROTRANS	SSP-OLRP		SSP-OLRP			SSOP/ST	SSOP/ST	SSP-OLRUP
4281							RSSOP-OL/ST-ATRIA/ssp-olrp	RSSOP-OL/ST-ATRIA	
4336	SBT,Atria/SSCP			SBT,Atria/SSCP			SBT,AtriaGenetics	SBT,AtriaGenetics	SBT,AtriaGenetics
4420	WAK-FLOW						WAK-FLOW	WAK-FLOW	WAK-FLOW
4545	SSOP/ST	SSOP/ST	SSOP	SBT	SBT		SBT-ATRIA/SSOP-OL	SBT-ATRIA/SSOP-OL	SBT-ATRIA/SSOP-OL/SSP-IVGN
4551	SBTATRIA/SSP-OLRUP	SSPOLERUP		SSP-OLERP/SSOLIPA-OL	SBTATRIA/SSPInvitrogen		SBTATRIA/SSP-OL	SBTATRIA/SSP-OL/SSPInv	SBTATRIA/SSPInv/SSO-OL
4582	SSPInvit/rSSOOL	RSSO-OL	rSSOOneLambda	SSPInvitro/rSSO-OL			SSPInvit/rSSOOL	SSPInvit/rSSOOL	SSPInvit/rSSOOL
4585	SSO-DYNL			SSO-DYNL			SSO-DYNL	SSO-DYNL	SSO-DYNL
4613									
4623									
4653	PCR-SSP/ST			PCR-SSP			SSP/ST	SSP/ST	SSP/ST
4709	PCR-SSOOL	PCR-SSPOneLambda	PCR-SSPOlerup	SSPOneLambda	PCR-SSPOlerup		PCR-SSPOlerup	PCR-SSPOlerup	PCR-SSPOlerup
5204							Invitr-OLSSP	Invitr-OLSSP	Invitr-OLSSP
5365	OLSSO,OLSSP	OLSSO,OLSSP	OneLambdaSSO	OLSSO,OLSSP			OLSSO,OL-InvnSSP	OLSSO,OLSSP	
5720	Biotest,OL,AtriaSBT,ProtSBT	OL,GVSSP		Biot,ol,AtriaSBT	AtriaSBT,PF		Dynl,OLSSO,SSPGv,SSPPI,AtraSBT,ProtSBT	Dynl,OLSSO,SSPGv,SSPPI,AtraSBT,ProtSBT	Dynl,OLSSO,SSPGv,SSPPI,AtraSBT,ProtSBT
5982	SBT			SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
6051	SSO-OL	SSO-OL-LABTYPE		SSO-OL-LABTYPE	SSO-OL-LABTYPE		SSO-OL-LABTYPE	SSO-OL-LABTYPE	SSO-OL-LABTYPE
6313	SSOP-INNOGS			SSOP-INNOGS			SSOP-INNOGS	SSOP-INNOGS	SSOP-INNOGS
9221							SS-OL-IVGN	SS-OL-IVGN	SS-OL-IVGN