

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE



93RD SUMMARY

JANUARY 21, 2009

JOHN MURAMOTO, CHS / CLIN. GENETIC MB SCI.
J. MICHAEL CECKA, PH.D
ELAINE F. REED, PH.D

DNA Sample	
#579	#580
#581	#582
#583	#584

DNA #579 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	0207	2402	212/212	116/116	70/82
B*	4601	5201	211/212	121/122	73/84
Cw*	0102	1202	174/174	119/119	76/82
DRB1*	0803	1502	216/216	147/149	82/88
DRB3*					
DRB4*					
DRB5*	0102		69/69	48/49	7/7
DQA1*	0103		30/30	27/27	2/2
DQB1*	0601		87/87	70/70	29/30
DPB1*	0201	0501	62/62	61/61	36/36
DPA1*	0103	0202	3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 2715, 2435.
B*: 040101. Not excluded: 4602/10/15, 5207.
Cw*: Not excluded: 1217/18.
DRB1*: 1501/20, 1514. Not excluded: 0814/23/27, 1519/20.
DRB5*: 0108N. Not excluded:

DNA #580 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	0101	0201	212/212	114/114	71/84
B*	5201	5701	211/212	135/135	81/84
Cw*	0303	0701	174/174	94/94	55/82
DRB1*	0101	1406	218/218	151/151	80/88
DRB3*	0101		71/71	50/50	8/8
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0101	0503	60/60	31/31	0/4
DQB1*	0301	0501	174/174	130/130	50/60
DPB1*	0401	0402	64/64	64/64	36/36
DPA1*	0103		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 0111, 0209.
B*: 5206. Not excluded: 5202, 5715/18.
Cw*: Not excluded: 0311/20/50, 0716/18.
DRB1*: Not excluded: 0107/19/20, 1402.
DQA1*: Not excluded: 0104/5/7, 0507.
DQB1*: Not excluded: 0319.
DPB1*: Not excluded: 0602.

DNA #581 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	6601	6803	208/210	115/115	70/84
B*	3501	4102	208/210	123/123	64/84
Cw*	0702	1703	172/172	93/94	41/82
DRB1*	0407	1302	215/216	156/157	86/88
DRB3*	0301		70/70	49/50	8/8
DRB4*		0103	70/70	52/52	8/8
DRB5*					
DQA1*	0102	0301	60/60	39/39	1/3
DQB1*	0302	0609	172/174	136/138	55/60
DPB1*	0401	0402	60/60	60/60	36/36
DPA1*	0103		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.
In a previous sample containing Cw*1703 (#569, Sept 2008), consensus was 92%. With this sample, Cw*1703 consensus was 100%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 26XX.	Not excluded: 6605/8, 6801.
B*: 03XX, 08XX.	Not excluded: 3542.
Cw*: 0701.	Not excluded: 0750, 1701.
DRB1*: 0302.	Not excluded: 1367/73.
DQB1*:	Not excluded: 0618.
DPB1*:	Not excluded: 0602, 2301, 5101.

DNA #582 CAUC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	7401	206/206	110/111	51/84
B*	4801	4901	206/206	132/132	78/84
Cw*	0701	0803	170/170	101/101	64/82
DRB1*	0802	1101	212/212	147/148	86/88
DRB3*	0202		69/69	48/49	8/8
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0401	0505	58/58	29/29	0/4
DQB1*	0319	0402	170/170	117/128	50/60
DPB1*	0402	1701	64/64	63/63	35/36
DPA1*	0103	0201	6/6	6/6	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 7402.	Not excluded: 0290, 7402.
B*:	Not excluded: 4809.
Cw*:	Not excluded: 0706/18, 0814.
DRB1*: 0824.	Not excluded: 0804/24, 1161.
DQB1*: 0301.	Not excluded: 0301.
DQB1*:	Not excluded: 0602.

DNA #583 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	2301	204/204	100/108	57/84
B*	1401	1501	203/204	134/136	78/84
Cw*	0304	0802	168/168	113/113	68/82
DRB1*	0401	1301	210/210	139/139	84/88
DRB3*	0202		67/67	46/47	8/8
DRB4*		0103	67/67	49/49	8/8
DRB5*					
DQA1*	0301	0303	56/56	28/28	0/4
DQB1*	0302	0303	168/168	124/124	60/60
DPB1*	0201	1701	62/62	61/61	36/36
DPA1*	0201		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 90%, except at A*2317 (85%).
 In a previous sample containing A*2301 (#577, Nov 2008), 32% of labs could not exclude A*2317. With this sample, 40% could not exclude A*2317. 15% of labs testing high resolution reported the allele, A*2317 using one commercial companys' SSP tray. The DNA Exchange is graded based on the consensus allele, A*2301; however, A*2317 may be the actual allele present. The polymorphism occurs in exon 5, position 920 (A-C). A*2317 was last modified in the IMGT database in January 2008.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 2317.	Not excluded: 2307/17/19.
B*: 1402.	Not excluded: 1407, 1526/60/95.
Cw*:	Not excluded: 0324/28, 0804.
DRB1*:	Not excluded: 0413/72.
DQB1*:	Not excluded: 0318/20.

DNA #584 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0301	2301	204/204	99/99	55/82
B*	5301	5703	202/204	135/137	81/82
Cw*	0602	0718	165/166	85/91	53/80
DRB1*	0901	1303	209/210	147/147	86/86
DRB3*	0202		66/66	44/45	7/7
DRB4*		0101	64/66	48/48	7/7
DRB5*					
DQA1*	0201	0303	58/58	37/37	2/4
DQB1*	0202		83/83	61/61	26/29
DPB1*	1701		32/32	32/32	18/18
DPA1*	0201		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%, except at Cw*0718 (86%).
 The detection of Cw*0718 has not improved. DNA #534 was 87% (Sept 2007) and DNA #551 was 89% (Mar 2008). The initial detection of Cw*0718 was in DNA #454 53% (July 2005).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 2317/19.
B*: 5701.	Not excluded: 5310.
Cw*: 0701/06.	Not excluded: 0701.
DRB1*: BLANK.	Not excluded: 0904/1312/33.
DQB1*:	Not excluded: 0201/4/6.

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #579

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	08	15	501	BLANK	01	BLANK	06	BLANK					02	24	46	52	01	12
16	080302	150201	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	020102	0501			0207	24020101	460101	520101	010201	120202
61																		
80	08	15	5	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52	01	12
124	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501			0207/15	24	4601/15	5201/7	0102	1202
131	08	15	5	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52	01	12
134	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501			0207	2402	4601	5201	0102	1202
138	0803	1502					0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
139	08	1501/20	501	BLANK									02	24	46	52		
142	08	15	501	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52		
144	0803	1502					0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
145																		
147	0803	1502/26	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501			0207	2402	4601	5201	0102	1202
148	0803	1502	50102	BLANK					0201	0501			0207	2402	4601	5201	0102	1202
151	080302	150201	5	BLANK									0207	2402	4601	520101	010201	120202
152	08	15											02	24	46	52		
153	08	15	5	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52	01	12
155																		
156	0803	1502					0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
158	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501			0207	2402	4601	5201	0102	1202
160																		
162	080302	150201					0601g	BLANK					0207g	2402g	460101	520101g	0102g	1202g
163	0803	1502/19	5	BLANK									02	24	46	52		
164	08	15											02	24	46	52		
166	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501			02	24	46	52	01	12
167	080302	150201											0207	240201	460101	520101	010201	120202
168	08	15											02	24	46	52		
170	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK					02	24	46	52	01	12
171	0803	1502	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK					02	24	46	52	01	12
173	0803/14	1502/19			0103	BLANK	0601	BLANK					02	24	46	52		
174	08	15											02	24	46	52		
175	0803	1502					0601	BLANK					0207	2402	4601/2	5201	01	12
176	08	15											02	24	46	52		
179	080302	150201	NT	NT	0103	BLANK	0601	BLANK					02	24	4601/15	5201/7	0102	1202
180																		
185	080302	150201					060101	BLANK					0207/15	24	460101	5201/7	0102	1202
186																		
187	0803	1502					0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
188													0207	2402	4601	5201	01	12
189	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
190	08	15	5	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52	01	12
192	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
193	08	15											02	24	46	52		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501			0207	2402	4601	5201	0102	1202
197	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501			0207	2402	4601	5201	0102	1202
199	08	15	5	BLANK			06	BLANK										
201	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK					02	24	46	52	01	12
202																		
203	0803	1502	5	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52	01	12
204	0803	1502											0207	2402	4601	5201	0102	1202
205	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0103/10	0202/4	0207	2402	4601	5201	0102	1202
206	08	15											02	24	46	52		
207																		
208	08	15											02	24	46	52		
209	080302	15	50102	BLANK									02	24	46	52		
210																		
211	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501			0207	2402	4601/15	5201/7	0102	1202
212	080302	150201	501	BLANK			060101	BLANK	020102	0501			0207	24020101	460101	520101	010201	120202
213													02	24	4601	5201		
214													02	24	46	52		
215	NT	NT	NT	NT														
216	08	15	5	BLANK			0601	BLANK					02	24	46	52	01	12
217	08	15																
218	0803	1502											0207	2402	4601	5201	0102	1202
219																		
220	0803/33	15																
221																		
222	08	15	501	BLANK			06	BLANK					02	24	46	52		
230	0803	1502	50108N	BLANK	01	BLANK	0601	BLANK					0207	2402	4601	5201	0102	1202
239	0803	15	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK					02	24	46	52		

DNA #579

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus			
278	0803	1502	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			0207	24	46	5201/7	01	1202		
291	08	15	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			02	24	4601/2	52	01	1202/18		
401	0803	1502					0601	BLANK	0201	0501								
452	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
519	0803	1502/19					0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
615	0803	1502	501	BLANK	01	BLANK	0601	BLANK	0201	0501								
616	08	15																
635	08	15	5	BLANK			06	BLANK			02	24	46	52	01	12		
642																		
702	0803	1502	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
714	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
726	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
732	080302	150201	50102	BLANK			0601	BLANK			0207	240201	460101	520101	010201	120202		
743	08	15	5	BLANK			0601	BLANK			02	24	46	52	01	12		
805	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
1018	0803	1502	5	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
1113	0803	15	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	46	52	0102	1202		
1189	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
1212	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
1251																		
1498	080302	150201	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			02	24	46	52	01	12		
1647	08	15	5	BLANK			06	BLANK			02	24	46	52	01	12		
1686	0803	1502	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0103	0202	0207	2402	4601	5201	0102	1202
1905	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
2004																		
2013	0803	1502	5	BLANK			0601	BLANK			02	24	46	52	01	12		
2015											0207	2402	4601	5201	0102	1202		
2019	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
2063	0803	1502/26	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
2347																		
2411	08	15									02	24	46	52				
2518	08	15	501	BLANK			06	BLANK			02	24	46	52	01	12		
2549	0803	1502	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
3248																		
3261	0803	1502	5	BLANK			0601	BLANK			0207	2402	4601/10	5201	0102	1202		
3264																		
3324	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
3325	08	15	5	BLANK			06	BLANK			02	24	46	52				
3410	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
3438																		
3522	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
3548	080302	1514	50102	BLANK			0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
3582	0803	1502	501	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	02	24	4601/15	5201/7	0102	1202		
3600	08	15	5	BLANK			06	BLANK			02	24	46	52	01	12		
3614	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402/35	4601	5201	0102	1202		
3625	0803	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
3807	0803	1502	5	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	02	0501	0103	0202	0207	2402	4601	5201	01	1202
3849	0803	1502/19	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			02	24	46	52	01	1202/17		
4237																		
4281																		
4336	0803	1502					0601	BLANK			0207	2402	4601	5201	0102	1202		
4420	0803	1502									0207	2402	4601	5201	0102	1202		
4545	0803	1502	50102	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
4551	0803	1502	NT	NT			06	BLANK	NT	NT	02	24	46	52	01	12		
4582	080302	1502	501	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			0207	2402	4601	520101	0102	1202		
4585	08	15					06	BLANK			02	24	46	52	01	12		
4613																		
4623																		
4653	080302	150201					0601	BLANK			0207	240201	460101	520101	0102	1202		
4709																		
5204											0207	2402	4601	5201	0102	1202		
5365	08	15	5	BLANK	0103	BLANK	0601	BLANK			0207	24	46	52	01	12		
5720	0803	1502	50102	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	0207	2402	4601	5201	0102	1202		
5982	080302	1502/19					060101	BLANK	020102	0501	0207	240201	040101	520101	010201	120202		
6051	0803	1502	501	BLANK			0601	BLANK	0201	0501	02	24	46	52	01	1202/17		
6313	08	15					0601	BLANK			02	24	46	52	01	12		
9221	08	15	5	BLANK			06	BLANK			02	24	46	52	01	12		

DNA #580

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
	01	14	301	BLANK	01	05	03	05	040101	0402	01	02	52	57	03	07		
7	01	14	301	BLANK	01	05	03	05	040101	0402								
16	010101	1406	30101	BLANK	01	0503/7	0301/19	0501	040101	0402			010101	020101	520102	570101	0303/20	0701/18
61																		
80	01	14	3	BLANK			03	05					01	02	52	5701	03	07
124	0101	1406	30101	BLANK	01	0503/7	0301/19	0501	0401	0402			01	02	5201	5701	0303/20	07
131	01	14	3	BLANK			03	05					01	02	52	57	03	07
134	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402			0101	0201	5201	5701	0303	0701
138	0101	1406					0301	0501					0101	0201	5201	5701	0303	0701
139	01	14	301	BLANK									01	02	5201/2	57		
142	01	14	301	BLANK			0301	05					01	02	52	57		
144	0101	1406					0301	0501					0101	0201	5201	5701	0303	0701/6
145																		
147	0101/19	1406	30101	BLANK	0101	0503	0301	0501	0401	0402			0101	0201	5201	5701	0303	0701
148	0101	1406	30101	BLANK					0401	0402			0101	0201	5201	5701	0303	0701
151	0101	1406	3	BLANK									0101/11	0201	520102	570101	0303/20	0701
152	01	14											01	02	52	57		
153	01	14	3	BLANK			03	05					01	02	52	57	03	07
155																		
156	0101	1406					0301	0501					0101	0201	5201	5701	0303	0701
158	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402			0101	0201	5201	5701	0303	0701
160																		
162	010101	1406					030101	050101					010101g	0201g	520102	570101	030301g	0701g
163	0101/7	1406	3	BLANK									01	02	52	57		
164	01	14											01	02	52	57		
166	0101	1406	30101	BLANK	0101	0503	0301	0501	0401	0402			01	02	52	57	03	07
167	010101	1406											010101	020101	520102	570101	030301	070101
168	01	14											01	02	52	57		
170	0101	1406	30101	BLANK			0301	050101					01	02	78	57	03	07
171	0101	1406	30101	BLANK	0101	0503	0301	0501					01	02	52	57	03	07
173	0101/7	1406			01	05	03	0501					01	02	52	57		
174	01	14											01	02	5201	57		
175	0101	1406					0301	0501					0101	0201	5201	5701	03	07
176	01	14											01	02	52	57		
179	0101/20	1402/6	3	BLANK	01	05	03	050101					01	02	520102	5701	03	07
180																		
185	010101	1406					0301/19	050101					01	02	520102	570101	03	07
186																		
187	0101/7	1406					0301	0501					0101	0201	5201	5701	03	07
188													0101	0201	5201	5701	03	07
189	0101	1406	30101	BLANK	01	0503/7	0301	0501					0101	0201	5201	5701	0303	0701
190	01	14	3	BLANK			03	05					01	02	52	57	03	07
192	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501					0101	0201	5201	5701	0303	0701
193	01	14											01	02	5201	57		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402			0101	0201	5201	5701	0303	0701
197	0101	1406	301	BLANK	0101	0503	0301	0501	0401	0402g			0101	0201	5201	5701	0303g	0701g
199	01	14	3	BLANK			03	05										
201	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501					01	02	52	57	03	07
202																		
203	0101	1406	3	BLANK			03	05					01	02	52	57	03	07
204	0101	1406											0101	0201	5201	5701	0303	0701
205	0101	1406	301	BLANK	0101	0503	0301	0501	0401	0402	0103/10	BLANK	0101	0201	5201	5701	0303	0701
206	01	14											01	02	52	57		
207																		
208	01	14											01	02	52	57		
209	0101	14	30101	BLANK									01	02	52	57		
210																		
211	0101	1406	301	BLANK	01	0503/7	0301	0501	0401	04			0101	0201	5201	5701	03	07
212	010101	1406	3010102	BLANK			0301/19	050101	040101	0402			01010101	020101	520102	570101	0303/20	07
213													0101	0201	5206	5701		
214													01	02	520102	570101		
215	01	14	3	BLANK														
216	01	14	3	BLANK			03	05					01	02	52	57	03	07
217	01	14																
218	0101	1406											0101	0201	5201	5701	0303	0701
219																		
220	0101/19	1406																
221																		
222	01	14	301	BLANK			03	05					01	02	52	57		
230	0101	1406	30101	BLANK	01	05	0301	0501					0101	0201	5201	5701	0303	0701
239	01	1406	30101	BLANK	0101	0503	03	0501					01	02	52	5701/15		

DNA #580

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus						
278	0101	1406	30101	BLANK	01	0503/7	0301/19	0501		01	02	5201	5701	0303	07
291	01	1406	301	BLANK	0101	05	03	0501		01	02	5201	57	03	07
401	0101/7	1406					0301/19	0501	0401	0402					
452	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
519	0101/7	1406					0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303/20 07
615	0101	1406	30101	BLANK	01	05	0301/19	0501	0401	0402					
616	01	14													
635	01	14	3	BLANK			03	05			01	02	52	57	03 07
642															
702	0101	1406	30101	BLANK	01	05	0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
714	0101	1406					0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
726	0101	1406					0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
732	010101	1406	30101	BLANK			0301/19	0501			010101	020101	520102	570101	030301 07
743	01	14	3	BLANK			03	05			01	02	52	57	03 07
805	0101	1406					03	0501			0101	0201	5201	5701	0303/20 07
1018	0101	1406	3	BLANK	0101	0503	0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
1113	0101	1406	30101	BLANK			0301/19	0501	0401	0402	0101	0201	52	5701/18	0303/50 07
1189	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
1212	0101	1406	30101	BLANK			0301/19	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
1251															
1498	010101	1406	30101	BLANK	0101	0503	0301/19	0501			01	02	52	57	03 07
1647	01	14	3	BLANK			03	05			01	02	52	57	03 07
1686	0101	1406	30101	BLANK	0101	0503	0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
1905	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
2004															
2013	0101	1406	301	BLANK			0301	0501			01	02	52	57	03 07
2015											0101	0201	5201	5701	0303 0701
2019	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
2063	0101/19	1406	301	BLANK	01	0503/7	0301/19	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
2347															
2411	01	14									01	02	52	57	
2518	01	14	301	BLANK			03	05			01	02	52	57	03 07
2549	0101	1406	30101	BLANK	0101	0503	03	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
3248															
3261	0101	1406	3	BLANK			0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303/11 0701/18
3264															
3324	0101	1406	301	BLANK	0101/7	05	0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 07
3325	01	14	3	BLANK			0301	05			01	02	52	57	
3410	0101	1406					0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
3438															
3522	0101	1406					0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701/18
3548	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
3582	0101	1406	301	BLANK			0301/19	0501	0401	0402	01	02	5201	5701	03 07
3600	01	14	3	BLANK			03	05			01	02	52	57	03 07
3614	0101	1406					0301	0501			0101	0201	5201	5701	0303 0701
3625	0101	1406	301	BLANK	0101	05	0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
3807	0101	1406	3	BLANK	01	05	03	0501	0401	0402	0101	02	5201	5701	03 07
3849	0101	1406	301	BLANK	01	0503/7	0301	0501			01	02	52	5701	03 07
4237															
4281															
4336	0101	1406					0301	0501			0101	0201	5201	5701	03 07
4420	0101	1406									0101	0201	5201	5701	0303 07
4545	0101	1406	301	BLANK	01	05	0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303/20 07
4551	0101	1406	NT	NT			03	05	NT	NT	01	02	52	57	03 07
4582	0101	1406	30101	BLANK	01	0503/7	0301	050101			0101	0201	5201	5701	0303 0701
4585	01	14					03	0501			01	02	52	57	03 07
4613															
4623															
4653	010101	1406					0301	0501			010101	020101	520102	570101	03 070101
4709															
5204											0101	0201	5201	5701	0303 0701
5365	01	14	3	BLANK	01	05	03	0501			01	0201	52	5701	03 07
5720	0101	1406	30101	BLANK			0301	0501	0401	0402	0101	0201	5201	5701	0303 0701
5982	0101/7	1406					030101	050101	040101	0402	010101	020101	520102	570101	030301 070101
6051	0101	1406	301	BLANK			0301	0501	0401	0402	01	02	5201	5701/15	0303 07
6313	01	14					03	050101			01	02	52	57	03 07
9221	01	14	3	BLANK			03	05			01	02	52	57	03 07

DNA #581

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
7	04	13	303	401	01	03	03	06	66	68	35	41	07	17		
16	040701	130201	30301	40103	0102	03	0302	0609/18	040101	0402	6601	6803	350101/42	4102	0702/50	1703
61																
80	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
124	0407	1302	30301	401	0102	03	0302	0609	0401	0402	6601/8	6803	35	4102	0702/50	17
131	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
134	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
138	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
139	04	13	303	401							66	68	35	4102		
142	04	13	303	401			0302	06			66	68	35	41		
144	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501/42	4102	0702/50	1703
145																
147	0407	1302	30301	40103	0102	0301	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
148	0407	1302	30301	40103					0401	0402	6601	6803	3501/42	4102	07	17
151	0407	1302	3	4							6601	680301	3501/42	4102	0702	1703
152	04	13									66	68	35	41		
153	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
155																
156	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702/50	1703
158	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
160																
162	040701	130201					030201	0609			6601	680301	3501g	4102	070201g	1703
163	0407	1302	3	4							66	68	35	41		
164	04	13									26	68	35	41		
166	0407	1302	30301	40103	0102	0301	0302	0609	0401	0402	66	68	35	41	07	17
167	040701	130201									6601	680301	350101	4102	070201	1703
168	04	13									66	68	35	41		
170	0407	1302	30301	40103			0302	0609			66	68	35	4102	07	17
171	0407	1302	30301	40103	0102	0301	0302	0609			66	68	35	41	07	17
173	0407	1302/67			0102	03	0302	0609			66	68	35	41		
174	0407	13									66	68	35	4102		
175	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	07	17
176	04	13									66	68	35	41		
179	040701	130201	3	401	0102	03	0302	0609/18			6601/5	68	35	4102	0702/50	17
180																
185	040701	130201					030201	0609			66	68	35	4102	07	17
186																
187	0407	1302					0407	1302			6601/5	68	3501/42	4102	0702/50	17
188											66	68	3501	4102	07	17
189	0407	1302	30301	401	0102	03	0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
190	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
192	0407	1302	30301	40103			0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
193	0407	13									66	68	35	4102		
194	NT	NT	NT	NT							NT	NT	NT	NT		
195	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
197	0407	1302	30301	401	0102	0301	0302	0609	0401	0402g	6601	6803	3501	4102	0702	1703
199	04	13	3	4			03	06								
201	0407	1302	30301	40103			0302	0609			66	68	35	41	07	17
202																
203	0407	1302	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
204	0407	1302									6601	6803	3501	4102	0702	1703
205	0407	1302	30301	401	0102	0301	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702/50	1703
206	04	13									66	68	35	41		
207																
208	04	13									66	68	35	41		
209	0407	1302	30301	40103							66	68	35	41		
210																
211	0407	1302	30301	401	0102	03	0302	0609	0401	04	6601/5	68	35	4102	0702/50	17
212	040701	130201	3030101	401			030201	0609/18	040101	0402	6601	680301	350101	4102	0702/50	17
213											6601	6803	35	4102		
214											66	68	35	4102		
215	NT	NT	NT	NT												
216	04	13	3	401			0302	06			66	68	35	41	07	17
217	04	13														
218	0407	1302									6601	6803	3501	4102	0702	1703
219																
220	0407	1302/73														
221																
222	04	13	302	401			03	06			66	68	35	41		
230	0407	1302	30301	40103	01	03	0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
239	0407	1302/73	30301	40103	0102	0301	0302	0609/22			66	68	35	41		

DNA #581

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
278	0407	1302/73	30301	40103	0102	03	0302	0609	6601	6803	35	4102	07	1703		
291	0407	13	30301	401	0102	0301	0302	0609/18	66	68	35	4102	07	17		
401	0407	1302					0302	0609	0401	0402						
452	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
519	0407	1302					0302	0609	0401	0402	6601/5	68	3501/42	4102	0702/50	17
615	0407	1302	30301	401	01	03	0302	0609	0401	0402						
616	04	13														
635	04	13	3	4			03	06			66	68	03	08	07	17
642																
702	0407	1302	30301	40103	0102	03	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	17
714	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
726	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
732	040701	130201	30301	40103			0302	0609			6601	680301	3501/42	4102	0702/50	17
743	04	13	3	4			03	06			NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501/42	4102	0702/50	17
1018	0407	1302	3	4	0102	0301	0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
1113	0407	1302/73	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	35	41	07	1703
1189	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
1212	0407	1302	30301	40103			0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
1251																
1498	0407	1302	30301	40103	0102	030101	0302	0609			66	68	35	41	07	17
1647	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
1686	0407	1302	30301	40103	0102	0301	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
1905	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
2004																
2013	0407	1302	303	401			0302	0609			66	68	35	41	07	17
2015											66	68	3501	4102	0702	1703
2019	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
2063	0407	1302/73	30301	401	0102	03	0302	0609/18								
2347																
2411	04	13									66	68	35	41		
2518	04	13	303	401			03	06			66	68	35	41	07	17
2549	0407	1302	30301	40103	0102	0301	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702/50	1703
3248																
3261	0407	1302	3	4			0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702/50	1703
3264																
3324	0407	1302	303	401	0102/6	03	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501/42	4102	0702/50	17
3325	04	13	3	4			0302	06			66	68	35	41		
3410	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
3438																
3522	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0701	1701/3
3548	0407	0302	30301	40103			0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
3582	0407	1302	30301	401			0302	0609	0401	0402	6601/8	6803	35	4102	07	17
3600	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17
3614	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
3625	0407	1302	30301	401	0102	03	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501/42	4102	0702	17
3807	0407	1302	3	4	0102	0301	0302	0609	NT	NT	6601	6803	35	4102	07	1703
3849	0407	1302	303	401	0102	03	0302	0609			6601/5	68	35	4102	07	17
4237																
4281																
4336	0407	1302					0302	0609			6601	6803	3501/42	4102	0702/50	17
4420	0407	1302									6601	6801/3	3501	4102	0702	1701/3
4545	0407	1302	30301	401	0102	03	0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501/42	4102	0702/50	17
4551	0407	1302	NT	NT			03	06	NT	NT	66	68	35	41	07	17
4582	0407	1302	30301	401	0102	03	0302	0609			6601	6803	3501	4102	0702	1703
4585	04	13					03	06			66	68	35	4102	07	17
4613																
4623																
4653	040701	130201					0302	0609			6601	680301	35	4102	07	17
4709																
5204											6601	6803	3501	4102	0702	1703
5365	0407	13	3	4	0102	03	0302	06			66	68	35	41	07	17
5720	0407	1302	30301	40103			0302	0609	0401	0402	6601	6803	3501	4102	0702	1703
5982	040701	1302/67					030201	0609	040101	0402	6601/5	6801/3	3501/42	4102	070201	1703
6051	0407	1302	30301	401			0302	0609/18	0401	0402	66	68	35	4102	07	17
6313	0407	13					0302	0609/18			26	68	35	4102	07	17
9221	04	13	3	4			03	06			66	68	35	41	07	17

DNA #582

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	08	11	302	BLANK	04	05	03	04					02	74	48	49	07	08
16	080201	110102	30202	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402	0402	1701			020101	7401/2	480101	490101	0701/18	0803
61																		
80	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
124	0802	1101	30202	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402	0402	1701			02	7401/2	4801/9	4901	07	0803
131	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
134	0802	1101	30202	BLANK			0301/19	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
138	0802	1101					0319	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
139	08	11	302	BLANK									02	74	48	4901		
142	08	11	302	BLANK			0301	04					02	74	48	49		
144	0802	1101					0319	0402					02	7401	4801/9	4901	0701/6	0803
145																		
147	0802	1101	30202	BLANK	0401	0505	0301/19	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
148	0802	1101	302	BLANK					0402	1701			0201	7401/2	4801	4901	0701	0803
151	0802	1101/61	3	BLANK									0201	7401/11	480101	4901	0701	0803
152	08	11											02	74	48	49		
153	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
155																		
156	0802	1101					0319	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
158	0802	1101	30202	BLANK			0301	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
160																		
162	080201	110102					03	0402					0201g	7401g	4801g	4901	0701g	0803
163	0802	1101	3	BLANK									02	74	48	49		
164	08	11											02	74	48	49		
166	0802	1101	30202	BLANK	0401	0505	0301/19	0402	0402	1701			02	74	48	49	07	08
167	080201	110102											020101	7401	480101	4901	070101	0803
168	08	11											02	74	48	49		
170	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402					02	74	48	4901	07	08
171	0802	1101	30202	BLANK	0401	0505	0301/19	0402					02	74	48	49	07	08
173	0802	1101			04	05	03	0402					02	74	48	49		
174	0802	11											02	74	48	4901		
175	0802	1101					0319	0402					0201	7401	4801	4901	07	08
176	08	11											02	74	48	49		
179	0802/24	11	3	BLANK	04	05	03	0402					02	74	4801/9	4901	07	0803
180																		
185	080201	110102					0301/19	0402					02	7401/2	4801/9	4901	07	0803
186																		
187	0802	1101					0319	0402					0201/90	74	4801	4901	07	0803
188													02	74	4801	4901	07	08
189	0802	1101	30202	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
190	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
192	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
193	0802	11											02	74	48	4901		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0802	1101	30202	BLANK			0301	0402	0402	1701			0201	7401	4801/9	4901	0701	0803
197	0802	1101	302	BLANK	0401	0505	0319	0402	0402g	1701			0201	7401g	4801	4901	0701g	0803
199	08	11	3	BLANK			03	04										
201	0802	1101	30202	BLANK			0301	0402					02	74	48	49	07	08
202																		
203	0824	1101	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
204	0802	1101											0201	7401	4801	4901	0701	0803
205	0802	1101	302	BLANK	0401	0505	0319	0402	0402	1701	0103/10	0201	0201	7401	4801	4901	0701	0803
206	08	11											02	74	48	49		
207																		
208	08	11											02	74	48	49		
209	0802	1101	30202	BLANK									02	74	48	49		
210																		
211	0802	1101	302	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402	0402	1701			0201/90	74	4801/9	4901	07	0803
212	080201	110102	3020201	BLANK			0301/19	0402	0402	1701			020101	7401/2	480101	4901	07	0803
213													0201	74	4801	4901		
214													02	74	48	490101		
215	NT	NT	NT	NT														
216	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	4901	07	08
217	08	11																
218	0802	1101											0201	7401	4801	4901	0701	0803
219																		
220	0802	11																
221																		
222	08	11	301	BLANK			03	04					02	74	48	49		
230	0802	1101	30202	BLANK	04	05	0301	0402					0201/31	7401	4801	4901	0701	0803
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		

DNA #582

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0802	1101/61	30202	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402					02	7401	48	4901	07	0803/14
291	0802/4	11	302	BLANK	0401	05	03	0402					02	74	48	4901	07	08
401	0802	1101					0301/19	0402	0402	1701								
452	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
519	0802	1101					0319	0402	0402	1701			0201	7401/2	4801	4901	07	0803
615	0802	1101	30202	BLANK	04	05	0301/19	0402	0402	1701								
616	08	11																
635	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
642																		
702	0802	1101	30202	BLANK	04	05	0319	0402	0402	1701			0201	7402	4801	4901	0701	0803
714	0802	1101					0319	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
726	0802	1101					0319	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
732	080201	110102	30202	BLANK			0301/19	0402					020101	7401/2	480101	490101	07	0803
743	08	11	3	BLANK			03	04					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0802	1101					0319	0402					02	7401/2	4801	4901	07	0803
1018	0802	1101	3	BLANK	0401	0505	0319	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
1113	0802	11	302	BLANK			0301/19	0402	0402	1701			0201	7401	48	4901	07	0803
1189	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	0802	1101	30202	BLANK	0401	0505/08	0301/19	0402					02	74	48	4901	07	08
1647	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
1686	0802	1101	30202	BLANK	0401	0505	0319	0402	0402	1701	0103	0201	0201	7401	4801	4901	0701	0803
1905	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
2004																		
2013	0802	1101	302	BLANK			03	0402					02	74	48	49	07	08
2015													0201	7401/2	4801	4901	0701	0803
2019	0802	1101	30202	BLANK			0301	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
2063	0802	11	302	BLANK	04	0505/9	03	0402										
2347																		
2411	08	11											02	74	48	49		
2518	08	11	302	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
2549	0802	1101	302	BLANK	0401	0505	0319	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
3248																		
3261	0802	1101	3	BLANK			0319	0402					0201	7401/2	4801	4901	0701	0803
3264																		
3324	0802	1101	302	BLANK	04	05	0319	0402	0402	1701			0201	7401/2	4801	4901	07	0803
3325	08	11	3	BLANK			0301	04					02	74	48	49		
3410	0802	1101					0319	0402					0201	74	4801	4901	0701	0803
3438																		
3522	0802	1101					0301	0402					0201	7401	4801	4901	0701/18	0803
3548	0802	1101	30201	BLANK			0301	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
3582	0802	1101	302	BLANK			0301/19	0402	0402	1701			02	7401/2	4801/9	4901	07	0803
3600	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08
3614	0802	1101					0301	0402					0201	7401	4801	4901	0701	0803
3625	0802	1101	302	BLANK	04	05	0301/19	0402	0402	1701			0201	7401/2	4801	4901	0701	0803
3807	0802	1101	3	BLANK	0401	0505	03	0402	04	1701	0103	0201	0201	7401	48	4901	07	0803
3849	0802	1101	302	BLANK	04	0505/9	0319	0402					02	74	48	4901	07	08
4237																		
4281																		
4336	0802	1101					0319	0402					0201	7401/2	4801	4901	07	0803
4420	0802	1101											0201	7401	4801	4901	07	0803
4545	0802	1101	302	BLANK	04	05	0319	0402	0402	1701			0201	7401/2	4801	4901	07	0803
4551	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402	0402	1701			0201	7401	4801	4901	0701	0803
4582	0802	1101	30202	BLANK	04	0505/9	0319	0402					0201	7401	48	4901	0701	0803
4585	08	11					03	0402					02	74	48	4901	07	08
4613																		
4623																		
4653	080201	110102					0301	0402					020101	7401	480101	490101	070101	0803
4709																		
5204													0201	7401	4801	4901	0701	0803
5365	0802	11	3	BLANK	04	05	03	0402					0201	74	48	49	07	08
5720	0802	1101	30202	BLANK			0319	0402	0402	1701			0201	7401/2	4801	4901	0701	0803
5982	080201	110102					0319	0402	0402	1701			020101	7401/2	480101	4901	070101	0803
6051	0802	1101	302	BLANK			0319	0402	0402	1701			02	74	48	4901	07	08
6313	08	11					03	0402					02	74	48	4901	07	08
9221	08	11	3	BLANK			03	04					02	74	48	49	07	08

DNA #583

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
7	04	13	302	401	03	03	03	03	02	23	14	15	03	08
16	040101	130101	30202	40103	03	03	0302	0303/20	020102	1701			0304/28	0802/4
61														
80	04	13	3	4			03	03	02	23	14	15	03	08
124	0401	1301	30202	401	NT	NT	0302	0303	0201	1701			0304	0802
131	04	13	3	4			03	03	02	23	14	15	03	08
134	0401	1301	302	40103			0302	0303	0201	1701			0304	0802
138	0401	1301					0302	0303					0304	0802
139	04	13	302	401										
142	04	13	302	401			03	03						
144	0401	1301					0302	0303					0304	0802
145														
147	0401	1301	30202	40103	0301	0303	0302	0303	0201	1701			0304	0802
148	0401	1301	302	40103					0201	1701			0304	0802
151	040101	1301	3	4									0304	0802
152	04	13												
153	04	13	3	4			03	03					03	08
155														
156	0401	1301					0302	0303					0304	0802
158	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701			0304	0802
160														
162	040101	130101					030201	030302					0304	0802
163	0401	1301	3	4										
164	04	13												
166	0401	1301	30202	40103	0301	0303	0302	0303	0201	1701			03	08
167	040101	130101											030401	0802
168	04	13												
170	0401	1301	30202	40103			0302	0303					03	08
171	0401	1301	30202	40103	0301	0303	0302	0303					03	08
173	04	13			03	03	0302	0303/15						
174	04	13												
175	0401	1301					0302	0303					03	08
176	04	13												
179	0401/13	13	3	401	03	03	03	03					0304/28	0802/4
180														
185	040101	130101					030201	030302					0304	0802
186														
187	0401	1301					0302	0303					0304/28	0802/4
188													03	08
189	0401	1301	30202	401	03	03	0302	0303					0304	0802
190	04	13	3	4			03	03					03	08
192	0401	1301	30202	40103			0302	0303					0304	0802
193	04	13												
194	NT	NT	NT	NT										
195	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT				
197	0401	1301	302	401	0301	0303	0302	0303	0201	1701			0304	0802
199	04	13	3	4			03	03						
201	0401	1301	30202	40103			0302	0303					03	08
202														
203	0401	1301	3	4			03	03					03	08
204	0401	1301											0304	0802
205	0401	1301	302	401	0301	0303	0302	0303	0201	1701	0201	BLANK	0304	0802
206	04	13												
207														
208	04	13												
209	0401	1301	30202	40103										
210														
211	0401	1301	302	401	0301	03	0302	0303	0201	1701			0304/28	0802/4
212	040101	130101	3020201	401			030201	030302	020102	1701			030401	0802
213														
214														
215	NT	NT	NT	NT										
216	04	13	3	401			03	03					03	08
217	04	13												
218	0401	1301											0304	0802
219														
220	04	1301												
221														
222	04	13	301	401			03	03						
230	0401	1301	30202	40103	03	03	0302	0303					0304/24	0802
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT						

DNA #583

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
278	0401	1301	30202	40103	03	03	0302	0303/20	02	23	1401	1501	0304	0802
291	04	13	302	401	0301	0303	0302/18	03	02	23	1401	15	03	08
401	0401	1301					0302	0303	0201	1701				
452	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701				
519	0401	1301					0302	0303	0201	1701				
615	0401	1301	30202	401	03	03	0302	0303	0201	1701				
616	04	13												
635	04	13	3	4			03	03			02	23	39	15
642														
702	0401	1301	30202	40103	0301	03	0302	0303	0201	1701				
714	0401	1301					0302	0303			0201	2301	1401	1501
726	0401	1301					0302	0303			0201	2301	1401	1501
732	040101	130101	30202	40103			0302	0303			020101	2301/17	1401	150101
743	04	13	3	4			03	03			NT	NT	NT	NT
805	0401	1301					0302	0303			0201	2301/17	1401	1501
1018	0401	1301	3	4	0301	0303	0302	0303			0201	2301	1401	1501
1113	04	13	NT	NT			03	03	0201	1701				
1189	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701				
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT			NT	NT	NT	NT
1251														
1498	040101	1301	302	40103	030101	0303	0302	0303/20			02	23	14	15
1647	04	13	3	4			03	03			02	23	14	15
1686	0401	1301	30202	40103	0301	0303	0302	0303	0201	1701	0201	2317	1401	1501
1905	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701		2301/17	1401	1501
2004														
2013	0401	1301	302	401			0302	0303/20			02	23	14	1501
2015											0201	2317	1401	1501
2019	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701				
2063	0401/72	13	302	401	0301	03	0302	0303/20			0201	2317	1401	1501
2347														
2411	04	13									02	23	14	15
2518	04	13	302	401			03	03			02	23	14	15
2549	0401	1301	302	40103	0301	0303	0302	0303	0201	1701	0201	2301/17	1401	1501
3248														
3261	0401	1301	3	4			0302	0303			0201	2301/17	1401	1501
3264														
3324	0401	1301	302	401	03	03	0302	0303	0201	1701	0201	2301/17	1401	1501
3325	04	13	3	4			0302	0303			02	23	14	15
3410	0401	1301					0302	0303			0201	2301	1401	1501
3438														
3522	0401	1301					0302	0303			0201	2301	1401	1501
3548	0401	1301	30202	40103			0302	0303			0201	2301	1402	1501
3582	0401	1301	302	401			0302	0303	0201	1701	02	23	1402	15
3600	04	13	3	4			03	03			02	23	14	15
3614	0401	1301					0302	0303			0201/53	2301	1401	1501
3625	0401	1301	302	401	03	03	0302	0303	0201	1701	0201	2301/17	1401	1501
3807	0401	1301	3	4	0301	0303	03	03	02	1701	0201	2301	1401	150160
3849	0401	1301	302	401	03	03	0302	0303			02	23	1401	15
4237														
4281														
4336	0401	1301					0302	0303			0201	2301/17	1401	1501
4420	0401	1301									0201	2301	1401	1501
4545	0401	1301	302	401	0301	03	0302	0303	0201	1701	0201	2301/17	1401	1501
4551	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701	0201	2301	1401	1501
4582	0401	1301	30202	401	0301	03	0302	0303			0201/43N	2301	1401	1501
4585	04	13					03	03			02	23	1401	15
4613														
4623														
4653	040101	130101					0302	0303			020101	23	1401	150101
4709														
5204											0201	2301	1401	1501
5365	04	13	3	4	0301	03	0302	03			0201	23	1401	15
5720	0401	1301	30202	40103			0302	0303	0201	1701	0201	2301/17	1401	1501
5982	040101	130101					030201	030302	020102	1701	020101	2301/17	1401	150101
6051	0401	1301	302	401			0302	0303	0201	1701	02	23	1401	1501
6313	04	13					03	03			02	23	1401	15
9221	04	13	3	4			03	03			02	23	14	15

DNA #584

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
7	09	13	302	401	02	03	02	BLANK	03	23	53	57	06	07
16	090102	130301	30202	40101	0201	03	0202/03	BLANK	1701	BLANK				
61														
80	09	13	3	4			02	BLANK					06	07
124	0901	1303	30202	401	0201	03	0202	BLANK	1701	BLANK			0602	07
131	09	13	3	BLANK			02	BLANK					06	07
134	0901	1303	302	40101			0201/2	BLANK	1701	BLANK			0602	0718
138	0901	1303					0202	BLANK					0602	0718
139	09	13	302	401										
142	09	13	302	401			02	BLANK						
144	0901	1303					0202	BLANK						
145														
147	0901	1303	30202	40101	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK			0602	0718
148	0901	1303	302	40101					1701	BLANK			0602	0718
151	0901	1303	3	4									060201	0718
152	09	13												
153	09	13	3	4			02	BLANK					06	07
155														
156	0901	1303					0202	BLANK					0602	1718
158	BLANK	1303	30202	BLANK			0202	BLANK	1701	BLANK			0602	0718
160														
162	090102	130301					02	BLANK						
163	0901	1303	3	4										
164	09	13												
166	0901	1303	30202	40101	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK				
167	090102	130301												
168	09	13												
170	0901/04	1303	30202	4010101			0202	BLANK					06	07
171	0901	1303	30202	40101	0201	0303	0202	BLANK					06	07
173	0901	1303			0201	03	0201/2	BLANK						
174	09	1303/33												
175	0901	1303					0202	BLANK						
176	09	13												
179	090102	130302	3	401	0201	03	0202/4	BLANK					06	07
180														
185	090102	130301					0202	BLANK					0602	07
186														
187	0901	1303					0202	BLANK					06	07
188													06	07
189	0901	1303	30202	401	0201	03	0202	BLANK					0602	0706
190	09	13	3	4			02	BLANK					06	07
192	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK					0602	0718
193	09	1303/33												
194	09	13	3	4										
195	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT
197	0901	1303	302	401	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK			0602	0718
199	09	13	3	4			02	BLANK						
201	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK					06	07
202														
203	0901	1303	3	4			02	BLANK					06	07
204	0901	1303											0602	0718
205	0901	1303	302	401	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK	0201	BLANK	0602	0718
206	09	13												
207														
208	09	13												
209	0901	1303	30202	4010101										
210														
211	0901	1303	302	401	0201	03	0202	BLANK	1701	BLANK			0602/11	07
212	090102	130301	3020201	401			0202	BLANK	1701	BLANK			0602	07
213														
214														
215	NT	NT	NT	NT										
216	09	13	3	401			0201/2	BLANK					06	07
217	09	13												
218	0901	1303											0602	0718
219														
220	0901	1303												
221														
222	09	13	301	401			02	BLANK						
230	0901	1303	30202	40101	02	03	0202	BLANK					0602	0701/18
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT

DNA #584

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0901	1303	30202	40101	0201	03	0202/05	BLANK			03	23	5301/10	5703	06	07
291	0901/5	1303	302	401	0201	0303	0202	BLANK			03	23	5301/10	5703	06	07
401	0901	1303					0202	BLANK	1701	BLANK						
452	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5701	0602	0718
519	0901	1303					0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/17	5301	5703	0602/11	07
615	0901	1303	30202	401	02	03	0202	BLANK	1701	BLANK						
616	09	13														
635	09	13	3	4			02	BLANK			03	23	53	57	06	07
642																
702	0901	1303	30202	40101	0201	03	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5703	0602	0701
714	0901	1303					0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0701
726	0901	1303					0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0718
732	NT	NT	NT	NT			NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
743	09	13	3	4			02	BLANK			NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0901	1303					0202	BLANK			03	23	5301	5703	0602	07
1018	0901	1303	3	4	0201	0303	0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0718
1113	09	13	NT	NT			02	BLANK	1701	BLANK	03	23	53	57	06	07
1189	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/19	5301	5703	0602	0718
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																
1498	090102	1303	302	4010101	0201	0303	0201/2	BLANK			03	23	53	57	06	07
1647	09	13	3	4			02	BLANK			03	23	53	57	06	07
1686	0901	1303	30202	40101	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5703	0602	0718
1905	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5703	0602	0718
2004																
2013	0901	1303	302	401			02	BLANK			03	23	53	57	06	07
2015											0301	2301	5301	5703	0602	0701/18
2019	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5703	0602	0718
2063	0901	1303	302	401	0201	03	0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0718
2347																
2411	09	13									03	23	53	57		
2518	09	13	302	401			02	BLANK			03	23	53	57	06	07
2549	0901	1303	302	40101	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/17	5301	5703	0602	0718
3248																
3261	0901	1303	3	4			0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0701/6
3264																
3324	0901	1303	302	401	0201	03	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/17	5301	5703	0602/11	07
3325	09	13	3	4			02	BLANK			03	23	53	57		
3410	0901	1303					0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0718
3438																
3522	0901	1303					0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0701/18
3548	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0718
3582	0901	1303	302	401			0202	BLANK	1701	BLANK	03	23	5301	5703	06	07
3600	09	13	3	4			02	BLANK			03	23	53	57	06	07
3614	0901	1303					0202	BLANK			0301	2301	5301	5703	0602	0718
3625	0901	1303	NT	NT	0201	03	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/17	5301	5703	0602	0718
3807	0901	1303	3	4	0201	0303	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5703	06	0718
3849	0901	1303	302	401	0201	03	0202	BLANK			03	23	5301/10	5703	06	07
4237																
4281																
4336	0901	1303					0202	BLANK			0301	2301/17	5301	5703	06	07
4420	0901	1303/12									0301	2301	5301/10	5703	0602	07
4545	0901	1303	302	401	0201	03	0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/17	5301	5703	0602	07
4551	0901	1303	30202	40101			0202/5	BLANK	1701	BLANK	0301	2301	5301	5703	0602	0718
4582	0901	1303	30202	401	0201	03	0202	BLANK			0301	2301	5301/10	5703	0602	0718
4585	09	13					02	BLANK			03	23	53	5703	06	07
4613																
4623																
4653	090102	130301					0202	BLANK			030101	23	530101	570301	060201	0718
4709																
5204											0301	2301	5301	5703	0602	0718
5365	09	13	3	4	0201	03	0202	BLANK			03	23	53	5703	06	07
5720	0901	1303	30202	40101			0202	BLANK	1701	BLANK	0301	2301/17	5301	5703	0602	0718
5982	090102	130301					0202	BLANK	1701	BLANK	030101	2301/17	530101	570301	060201	0718
6051	0901	1303	302	401			02	BLANK	1701	BLANK	03	23	5301/10	5703	06	07
6313	09	1303					02	BLANK			03	23	53	5703	06	07
9221	09	13	3	4			02	BLANK			03	23	53	57	06	07

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	rSSOOneLambda	rSSOOneLambda	rSSOOneLambda	rSSOOneLambda			rSSOOneLambda	rSSOOneLambda	rSSOOneLambda
16	RSSOP-OL,SBT-Inhouse	RSSOP-OL/SSP-IVGN	RSSOP-OL	LRSSOP-OL	RSSOP-OL,SBT-Inhouse		RSSOP-OL,SBT-Inhouse	RSSOP-OL,SBT-Inhouse	RSSOP-OL,SBT-Inhouse
61									
80	OneLambdaSSP	SSP2Lot006					OneLambdaSSP	SSP1LLot006	SSP1-17Lot002
124	SBT	SBT	SSOP	SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
134	SBT-ATRIA/SSP-GV	SSP		SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV		SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV
138	SBT,SSP,SSOP;Atri,GV,OL			SBT,SSP,SSOP;Atri,GV,OL			SBT,SSP,SSOP;Atri,GV,OL	SBT,SSP,SSOP;Atri,GV,OL	SBT,SSP,SSOP;Atri,GV,OL
139	SSOP-TEPNEL	SSOP-TEPNEL					SSOP-TEPNEL	SSOP-TEPNEL	
142									
144	SSOP-LMNx/SBT-PRTRN			SSOP-LMNx/SBT-PRTRN			SSOP-LMNx/SBT-PRTRN	SSOP-LMNx/SBT-PRTRN	SSOP-LMNx/SBT-PRTRN
145									
147	SSOP-OL	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSP	SSOP-OL	SSOP-OLRP		SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP
148	SBT-ATRIA	SSP-INVTGN			SBT-ATRIA		SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
151	SSOP-IVGN/SBT/SSP	SSOP-IVGN/SBT/SSP					SSOP-IVGN/SBT/SSP	SSOP-IVGN/SBT/SSP	SSOP-IVGN/SBT/SSP
152	SSPOL						SSPOL	SSPOL	
153	SSOP-IVGN/SSP-GV	SSOP-IVGN/SSP-GV		SSOP-IVGN/SSP-GV			SSOP-IVGN/SSP-GV	SSOP-IVGN/SSP-GV	SSOP-IVGN/SSP-GV
155									
156	AbbottSBT/GVSSP			AbbottSBT/GVSSP/DynalSSO			AbbottSBT/GVSSP	AbbottSBT/GVSSP	AbbottSBT/GVSSP
158	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
160									
162	BiosewoomSSP/SBT			BiosewoomSSP/SBT			BiosewoomSSP/SBT	BiosewoomSSP/SBT	BiosewoomSSP/SBT
163	SBT-Atria	SSPGenovisionlow					SSPGenovisionlow	SSPGenovisionlow	
164	LiPATypingtest						LiPATypingtest	LiPATypingtest	
166	SSP-GV	SSP	SSP	SSP	SSP-IVGN		SSOP-BIOTST/SSP-GV	SSOP	SSOP
167	SSP/SSOP/SBT-OL						SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL
168									
170	LUMNXSSOP/DynalSSP	DynalSSP		DynalSSP			LumnxSSOP	LumnxSSOP	LumnxSSOP
171	SSPDynala/oOneLambda	SSPOL	SSPDynal	SSPDyna/OL			SSOBiotest	SSPOL	
173	SBT-ATRIA		SSOP-DYNL	SSOP-DYNL			SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	
174	RSSOP-OL						RSSOP-OL	RSSOP-OL	
175									
176	SSOP-CapitalBio						SSOP-CapitalBio	SSOP-CapitalBio	
179	SBT	SSP	SBT	SSP			SBT	SBT	SBT
180									
185	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
186									
187	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
188							SSOP/SBT	SSOP/SBT	SSOP/SBT
189	Luminex(OLI);SSP-local	SSP-local	Luminex(OLI)	Lumnx(OLI)&SBT(Atria)			Lumnx(OLI)&SBT(Atria)	Lumnx(OLI)&SBT(Atria)	Lumnx(OLI)&SBT(Atria)
190	OLERUPSSP	OLERUPSSP		OLERUPSSP			OLERUPSSP	OLERUPSSP	OLERUPSSP
192	SBT;SSP	SSP		SBT;SSP			SBT;SSP	SBT;SSP	SBT;SSP
193	SSOP-OL						SSOP-OL	SSOP-OL	
194									
195									
197	SBT/Atria;rSSO/OneLambda	rSSO/OL	SSP/InvIT;rSSO/OL	SBT/Atria;rSSO/OLSSP/Invit	SBT/Atria;rSSO/OL		SBT/Atria;rSSO/OL	SBT/Atria;rSSO/OL	SBT/Atria;rSSO/OL
199									
201	PCR-SSPINVITROGEN	SSPINVITROGEN		SSPPROTRANS			SSPOLERUP	SSPOLERUP	SSPOLERUP
202									
203	SSP(OL)	SSP(OL)		SSP(OL)			SSP(OL)	SSP(OL)	SSP(OL)
204	SBT,Bioswm						SBT,Bioswm	SBT,Bioswm	SBT,Bioswm
205	RSSOP/SBT-ATRIA	RSSOP	SSP	RSSOP-OL/SBT	SSP-IVGN	SSP-IVGN	RSSOP/SSP/SBT	RSSOP/SSP/SBT	RSSOP/SSP/SBT
206	SSO,One-Lambda						SSO,One-Lambda	SSO,One-Lambda	
207									
208	SSP-IVGN						SSP-IVGN	SSP-IVGN	
209	SSP-OLRP-OL	SSP-OLRP-OL					SSP-OLRP-OL	SSP-OLRP-OL	
210									
211	Lumnx/SSP/Olerup	Luminx/OI	Luminx/OL	LuminxOL/SSP/Olerup	Luminx/OL		Luminx/OL	Luminx/OL	Luminx/OL
212	SBT	SBT		SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
213							ABBOTTSEQUENCING	ABBOTTSEQUENCING	
214									
215	BiotestSSP	BiotestSSP							
216	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
217	SSPHISTOTYPEDR								
218	SBT(INHOUSE)						SBT(INHOUSE)	SBT(INHOUSE)	SBT(INHOUSE)
219									
220	SSPUniTray								
221									
222	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen		SSP-Invitrogen			SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	
230	TepnellifecodesSSO	QiagenSSP					tepnellifecodesSSO	QiagenSSP	
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-IVGN	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
278	SSP,RSSOP	SSP,RSSOP	RSSOP	SSP,RSSOP			SSP,RSSOP	SSP,RSSOP	SSP,RSSOP
291	RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL			RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL
401	SBT			SBT	SBT				
452	SSO/SSP/SBT	SSP		SSO/SSP/SBT	SSP/SBT		SSO/SSP/SBT	SSO/SSP/SBT	SSO/SSP/SBT
519	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SSP-IVGN		SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
615	SBT	SBT	SSP	SBT	SBT				
616	SSOP/SSP								
635	OneLambdaSSP	OneLambdaSSP		OneLambdaSSP			OneLambdaSSP	OneLambdaSSP	OneLambdaSSP
642									
702	SSOP/SBT	SSP	SSOP	SSOP/SBT	SSOP/SBT		SSOP/SBT	SSOP/SBT	SSOP/SBT
714	SSPInvitrogen			SSPInvitrogen			SSPInvitrogen	SSPInvitrogen	SSPInvitrogen
726	RSSO/SSP-OLPf-Gv			RSSO/SSP-OLPf-Gv			RSSO/SSP-OLPf-Gv	RSSO/SSP-OLPf-Gv	RSSO/SSP-OLPf-Gv
732	SSP/SSOP/SBT	SBT		SBT			SBT	SBT	SBT
743	SSP	SSP		SSP			SSP	SSP	SSP
805	SSOP/SSP/SBT			SSOP/SSP/SBT			SSOP/SSP/SBT	SSOP/SSP/SBT	SSOP/SSP/SBT
1018	SBT/SSP	SSP	SSP	SBT/SSP			SBT-ATR/SSP-OL-IVGN	SBT-ATR/SSP-OL-IVGN	SBT-ATR/SSP-OL-IVGN
1113	SSOP/SSP	SSP		SSOP/SSP	SSP		SSOP-IVGN/SSP-GV	SSOP-IVGN/SSP-GV	SSOP/SSP
1189	SSPINVITROGEN	SSPINVITROGEN		SSPINVITROGEN	SSPINVITROGEN		SSPINVITROGEN	SSPINVITROGEN	SSPINVITROGEN
1212	RSSOP/SSP	SSP		RSSOP/SSP			RSSOP/SSP	RSSOP/SSP	RSSOP/SSP
1251									
1498	InhouseSSO	InvitrogenSSP	InvitrogenSSP	InvitrogenSSP			InhouseSSP	InhouseSSP	InhouseSSP
1647	SSOTepnel	SSOTepnel		SSOTepnel			SSOTepnel	SSOTepnel	SSOTepnel
1686	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP	SSP
1905	SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT		SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT		SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT
2004									
2013	SSOP/SSP	SSOP		SSOP			SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP
2015							sbt/sso/sspAbbott,Biot,Gv	sbt/sso/sspAbbott,Biot,Gv	sbt/sso/sspAbbott,Biot,Gv
2019	SSOINNO/SSPOLERUP	SSPOLERUP		SSOINNOG/SSPOLERUP	SSPOLERUP		SSOINNOG/SSPOLERUP	SSOINNOG/SSPOLERUP	SSOINNOG/SSPOLERUP
2063	SSO/SSP-OL	SSO-LabType	SSO-LabType	SSO-LabType			SSOINNOG/SSPOLERUP	SSOINNOG/SSPOLERUP	SSOINNOG/SSPOLERUP
2347									
2411	SSOP						SSOP	SSOP	SSOP
2518	OneLambdaSSOP	OneLambdaSSOP		OneLambdaSSOP			OneLambdaSSOP	OneLambdaSSOP	OneLambdaSSOP
2549	SBT-Atria,SSO-Biot/SSP-Pf	SSP-Pel-Freez	SSP-Pel-Freez	SSO-Biotest,SSP-Pel-Freez	SBT-Atria		SBT-Atria,SSO-Biot/SSP-Pf	SBT-Atria,SSO-Biot/SSP-Pf	SBT-Atria/SSP-PF
3248									
3261	SSP-Invitrog/SBT-Qiagen	SSP-Invitrogen		SSP-Invitrogen,SBT-Qiagen			SSP-Invitrog/SBT-Qiagen	SSP-Invitrogen	SSP-Invitro/SBT-Qiagen
3264									
3324	SSP/SBT-ATRIA	SSP/SBT-ATRIA	SSP/SBT-ATRIA	SSP/SBT-ATRIA	SSP/SBT-ATRIA		SSP/SBT-ATRIA	SSP/SBT-ATRIA	SSP/SBT-ATRIA
3325	InvitrogenSSP	InvitrogenSSP		InvitrogenSSP			InvitrogenSSP	InvitrogenSSP	
3410	SBT,AbbottDiagnostics			SBT,Abbott/RSSOP-Invit			SBT,Abbott	SBTAbbott	SBT,AbboSSP,Gv
3438									
3522	SBT-ATRIA			SSOP-INGNTCS			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
3548	OneLambdaSSP	OneLambdaSSP		OneLambdaSSP			OL/InvitSSP	OL/InvitSSP	OL/InvitSSP
3582	SBT	SBT		SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
3600	PelfreezSSP	PelfreezSSP		PelfreezSSP			PelfreezSSP	PelfreezSSP	PelfreezSSP
3614	InhouseSBT			OLSSP			OLSSOandSSP	OLSSOandSSP	OLSSOandSSP
3625	SBT	SSP	SSP	SSP	SBT		SBT	SBT	SBT
3807	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN
3849	SSOP/SBT	SSOP	SSOP	SSOP/SBT			SSOP	SSOP	SSOP
4237									
4281									
4336	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
4420	WAK-FLOW						WAK-FLOW	WAK-FLOW	WAK-FLOW
4545									
4551	SBTATRIA/SSPOLER/SSOOL			SSPOLER/SSOLIPA/SSOOL	SBTATRIA/SSPInvitrogen		SBTATRIA/SSPInvit/SSOInno-OL	SBTATRIA/SSPInvit/SSOInno-OL	SBTATRIA/SSPInvit/SSOInno-OL
4582	RFLP,SSP,RSSO-in-h-Invitr-OL	RFLP,rSSO(in-hou&OL)	rSSO(oneLambda)	RFLP,rSSO(in-hou&OL)			SSP&rSSO(Invitr&OL)	SSP&rSSO(Invitr&OL)	SSP&rSSO(Invitr&OL)
4585	SSOP/SSP			SSOP/SSP			SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP
4613									
4623									
4653	PCR-SSP/SBT			PCR-SSP-			PCR-SSP/SBT	PCR-SSP/SBT	PCR-SSP/SBT
4709									
5204									
5365	OLSSP,OLSSO	OLSSP,OLSSO	OneLambdaSSO	OLSSP,OLSSO			SSPInvitro	SSPInvitro	SSPInvitr
5720	Biot-OL/SSO/Atria-PrTrSBT/PF-SSP	OL-SSO,Atria-SBT,GV-SSP		SSO/SSP/SBT	AtriaSBT,PFSSP		OL-IVGNSSP,OLSSO	OL-IVGNSSP,OLSSO	OL-IVGNSSP,OLSSO
5982	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA		SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT
6051	RSSOP-OL	RSSOP-OL		RSSOP-OL	RSSOP-OL		SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
6313	SSOPINNOGENETICS			SSOPINNOGENETICS			RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL
9221	SSP-IVGN	SSP-IVGN		SSP-IVGN			SSP-IVGN	SSP-IVGN	SSP-IVGN