

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE



92ND SUMMARY

NOVEMBER 19, 2008

JOHN MURAMOTO, CHS / CLIN. GENETIC MB SCI.

J. MICHAEL CECKA, PH.D

ELAINE F. REED, PH.D

DNA Sample

#573	#574
#575	#576
#577	#578

DNA #573 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	0206	2601	221/222	131/131	89/100
B*	3801	4002	220/222	137/137	89/98
Cw*	0304	1203	192/192	134/134	95/100
DRB1*	0407	1401	226/228	157/159	65/92
DRB3*	0201		70/70	54/54	9/9
DRB4*		40103	70/70	55/55	9/9
DRB5*					
DQA1*	0104	0301	60/60	27/27	1/2
DQB1*	0302	0503	182/184	148/150	58/58
DPB1*	030101g	0402g	62/62	60/60	32/32
DPA1*	0103		2/2	1/1	

Agreement for this sample was greater than 95%.

At DPB1*, an ambiguity exists between DPB1*0301 + DPB1*0502 and DPB1*0402 + DPB1*0602. The sequences are identical over exon 2. This sample was graded as DPB1*030101g and DPB1*0402g as described in (Common and Well-Documented HLA Alleles. P. Cano, et al Human Immunology 2007;68: 392-417).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 34XX.	Not excluded: 0291/99/9237.
B*: 21XX, 46XX.	Not excluded: 3805/9, 4056.
Cw*: 01XX, 04XX.	Not excluded: 0335.
DRB1*: 0403.	Not excluded: 1454.
DQB1*: 0311.	Not excluded:
DPB1*:	Not excluded: 0502, 0602.

DNA 574 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS Allele level
	#1	#2	low	high	
A*	0201	2601	220/220	121/121	83/100
B*	3501	5601	219/220	128/128	76/98
Cw*	0102	0401	193/194	107/116	69/100
DRB1*	0102	1101	227/228	158/160	84/92
DRB3*	0202		70/70	54/55	9/9
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0101	0102	60/60	37/37	2/4
DQB1*	0501	0602	183/184	144/145	58/58
DPB1*	0101	1701	62/62	62/62	32/32
DPA1*	0201		2/2	2/2	

Agreement for this sample was greater than 95%.

At B*3501, 25% of labs could not exclude B*3542. The polymorphism occurs in exon 1 position 25 (C-G) and position 72 (C-T).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 2606/10.	Not excluded: 2610/25.
B*: 40XX.	Not excluded: 3542, 5619.
Cw*: 03XX, 0408.	Not excluded: 0117, 0404/30.
DRB1*: 1102.	Not excluded: 0101, 1106.
DQB1*: BLANK.	Not excluded: 0319, 0611/20/33.

DNA #575 HISP

	ALLELE	ALLELE	AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0101	2301	216/216	115/115	62/100
B*	4403	5801	213/216	127/130	90/98
Cw*	0401		94/95	53/53	28/50
DRB1*	0701	1302	223/224	157/158	87/92
DRB3*	0301		68/68	53/53	9/9
DRB4*		0101	68/68	55/55	9/9
DRB5*					
DQA1*	0102	0201	60/60	54/54	4/4
DQB1*	0202	0609	182/182	140/140	57/58
DPB1*	030101g	1101	62/62	62/62	34/34
DPA1*	0103	0201	4/4	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

At DPB1*, an ambiguity exists between DPB1*0301 + DPB1*0502. The sequences are identical over exon 2. This sample was graded as DPB1*030101g as described in (Common and Well-Documented HLA Alleles. P. Cano, et al Human Immunology 2007;68:392-417).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 0114, 2317.
B*: 3563, 4446, 5802/7.	Not excluded: 5811.
Cw*: 03XX..	Not excluded: 0409/30.
DRB1*:	Not excluded: 1331/62/67/73.
DQB1*:	Not excluded: 0606/18.
DPB1*:	Not excluded: 0301/0502.

DNA #576 PAC ISL

	ALLELE	ALLELE	AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201		107/108	64/64	49/50
B*	4001		107/108	67/67	43/49
Cw*	0304		96/96	68/68	49/50
DRB1*	0901		110/112	82/83	44/46
DRB3*					
DRB4*	0103		69/70	55/55	9/9
DRB5*					
DQA1*	0302		29/29	15/15	0/1
DQB1*	0303		90/91	74/74	29/29
DPB1*	0501		34/34	34/34	18/18
DPA1*	0202		2/2	2/2	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 11XX, 34XX.	Not excluded:
B*: 15XX, 27XX..	Not excluded: 4002/55/79.
Cw*: 04XX.	Not excluded: 0328/47.
DRB1*: 15XX.	Not excluded: 0904/6/7.
DQB1*: 05XX.	Not excluded: 0315/20.

DNA #577 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0202	2301	212/214	136/137	70/98
B*	4201	4501	211/214	146/146	91/96
Cw*	0602	1701	187/190	119/122	79/98
DRB1*	0302	1301	221/222	161/162	86/92
DRB3*	0101		69/69	54/55	9/9
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0103	0401	57/58	37/37	2/4
DQB1*	0402	0603	180/180	145/145	56/56
DPB1*	0101	0401	64/64	64/64	34/34
DPA1*	0103	0202	4/4	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.
At A*2301, 32% of labs could not exclude A*2317. The polymorphism occurs in exon 5, position 920 (A-C).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 11XX, 34XX, 2306. Not excluded: 2307/17.
B*: 40XX, 41XX. Not excluded: 4206/8, 4507.
Cw*: 0302, 0604, 1204. Not excluded: 0615, 1703.
DRB1*: Not excluded: 0329/35, 1351/80.
DQB1*: Not excluded: 0614/28.

DNA #578 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	1101	3401	208/214	139/140	93/98
B*	1521	2706	211/214	159/159	94/96
Cw*	0304	0403	189/190	138/138	81/98
DRB1*	1502		109/111	78/79	38/46
DRB3*					
DRB4*					
DRB5*	0101	0108	133/136	102/103	18/18
DQA1*	0101	0102	58/58	35/35	2/4
DQB1*	0501	0502	178/180	146/146	56/58
DPB1*	0501	1301g	64/64	64/64	34/34
DPA1*	0201	0202	4/4	4/4	

Agreement for this sample was greater than 95%.
This is the first B*2706 to be sent in the DNA Exchange; consensus was 100%.
At DPB1*, an ambiguity exists between DPB1*0902 + DPB1*1301. The sequences are identical over exon 2. This sample was graded as DPB1*1301g as described in (Common and Well-Documented HLA Alleles. P. Cano, et al Human Immunology 2007;68:392-417).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 02, 23, 1119, BLANK. Not excluded: 1107/21, 3405.
B*: 40XX, BLANK. Not excluded: 1544, 2704.
Cw*: BLANK. Not excluded: 0328, 0406/16.
DRB1*: 09XX. Not excluded: 1503/19.
DQB1*: 03XX, BLANK. Not excluded: 0505.
DPB1*: Not excluded: 0902/1301.

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #573

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	14	302	401	01	03	03	05			02	26	38	40	03	12
16	040701	1401/54	30201	40103	01	03	0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	380101	400201	030401	120301
61	0407	1401	30201	40103	01	03	0302	0503			0206	26	38	40	03	12
80	04	14	3	4			03	05			02	26	38	40	03	12
124	0407	1401/54	30201	401	01	03	0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002/56	0304	1203
131	04	14	3	4			03	05			02	26	38	40	03	12
134	0407	1401	30201	40103			0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
138	0407	1401					0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304	1203
139	04	14	302	401							02	26	38	40		
142	04	14	302	401			0302	05			02	26	38	4002		
144	0401	1401/54					0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304	1203
145																
147																
148	0407	1401/54	30201	40103			0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
151	0407	1401									0206	2601/25	3801	4002	0304	1203
152	04	14									02	26	38	40		
153	04	14	3	4			03	05			02	26	38	40	03	12
155																
156	0407	1401									0206	2601	3801	4002	0304	1203
158	0407	1401	30202	40103			0502	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
160	0407	1401	30201	40103			0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304	1203
162	040701	140101g					030201	050301			020601	260101g	380101	400201g	0304g	12030101
163	04	14	3	4					030101g	0402g	0206	2601	38	40	0304	1203
164	04	14									02	26	38	40		
166	0407	1401	30201	40103	0104	0301	0302	0503	030101g	0402g	02	26	38	40	03	12
167	040701	1401/54									020601	260101	380101	400201	0304	1203
168	04	14									02	26	38	40		
170	0407	1401/54	30201	40103			0302	050301			02	26	38	40	03	12
171	0407	1401	30201	40103	0104	0301	0302	0503			02	26	38	40	03	12
173	0403/7	14			01	03	0302	0503			02	26	38	40		
174																
175	0407	1401/54					0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304	1203
176																
179	0403/7	14	3	4	01	03	0311	050301			02	26	3801	40	0304	1203
180	0407	1401	30201	40103	0104	0301	0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
185	040701	14					030201	050301			020601	26	380101	40	0304	120301
186	04	14					03	05			02	26	38	40	03	12
187	0407	1401					0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304/35	1203
188	0407	1401	30201	40103												
189	0407	1401/54	30201	401			0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304	1203
190	04	14	3	4			03	05			02	26	38	40	03	12
193	0407	14									02	26	3801/9	40		
194	09	12	3	4							02	34	21	46		
195	0407	1401/54	30201	40103			0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
196																
197	0407	1401	30201	401	0104	0301	0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
199	04	14	3	4			03	05								
201	0407	1401	30201	40103			0302	0503			02	26	38	40	03	12
202	0407	1401	30201	40103			0302	0503			0206	2601	3801	4002	0304	1203
203																
204	0407	1401									0206	2601	3801	4002	0304	1203
205	0407	1401	30201	401	0104	0301	0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
206	04	14									02	26	38	40		
207	0407	1401	30201	40103			0302	0503	030101g	0402g	0206	2601	3801	4002	0304	1203
208	04	14									02	26	38	40		
209	04	14	3	4			03	05			02	26	38	40	03	12
210											020601	26	380101	4002/56	0304	1203
211	0407	1401	30201	401	01	03	0302	0503	03	04	0206/9237	2601/10	3801	4002/56	0304	1203
212																
213																
214											02	26	3801	40	FTA	FTA
215	NT	NT	NT	NT												
216	0407	14	NT	NT			0302	0503			02	26	38	40	03	12
217	04	14														
218	0407	1401									0206	2601	3801	4002	0304	1203
219	0407	1401					03	05			02	26	38	40		
220	0407	14														
221	040701	140101									020601	260101	380101	400201	01	04
222																
230	0407	1401	30201	40103	NT	NT	0302	0503	NT	NT	0206	2601	3801	4002	0304	1203
239	0407	14	30201	40103	0104	0301	0302	0503			02	26	38	40		

DNA #573

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
278	0407 1401/54	30201 40103	01 03	0302 0503			0206/91 26 3801/9 40 03 1203		
291	0407 14	30201 401	0104 0301	0302 0503			02 26 38 40 03 12		
401							0206 2601 3801 4002 0304 1203		
452	0407 1401	30201 40103		0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
519	0407 14	NT NT	NT NT	0302 0503	030101g 0402g	NT NT	0206 2601 3801 4002 0304 1203		
615	0407 1401	30201 401	01 03	0302 0503	030101g 0402g				
616	04 14								
635	04 14	3 4		03 05			02 26 38 40 03 12		
642									
702	0407 1401	30201 40103	01 03	0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
714	0407 1401			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
726	0407 1401			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
732	040701 140101	30201 40103		0302 0503			020601 260101 380101 400201 030401 120301		
743	04 14	3 4		03 05			02 26 38 40 03 12		
805	0407 1401			0302 0503			0206/99 2601/12 3801 4002 0304 1203		
1018	0407 1401	3 4	0104 0301	0302 0503	NT NT	NT NT	0206 2601 3801 4002 0304 1203		
1113	04 14	NT NT		0302 0503	030101g 0402g		02 26 38 40 03 12		
1189	04 14	302 401		0302 0503			0206 26 38 4002 03 12		
1212	0407 1401	30201 40103		0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
1251	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT		NT NT NT NT NT NT		
1498	0407 1401/54	30201 40103	0104 0301	0302 0503			02 26 38 40 03 12		
1647	04 14	3 4		03 05	030101g 0402g		02 26 38 40 03 12		
1686	0407 1401	30201 40103	0104 0301	0302 0503	030101g 0402g	0103 BLANK	0206 2601 3801 4002 0304 1203		
1905	0407 1401	30201 40103		0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
2004	0407 1401	30201 40103	0104 030101	0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
2013	0407 1401	302 401		0302 0503			02 26 38 4002 03 12		
2015							0206 2601 3801 4002 0304 1203		
2019	0407 1401	30201 40103		0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
2063	0407 1401	30201 401	01 03	0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
2347									
2411	04 14						02 26 38 40		
2518	0407 1401			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
2549	0407 1401	30201 40103	0104 0301	0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3248									
3261	0407 1401	3 4		0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3264	0407 1401	30201 40103		0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3324	0407 1401	302 401	01 0301	0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3325	04 14			03 05			02 26 38 40		
3410	0407 1401			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3438									
3522	0403 1401/54			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3548	0407 1401	30201 40103		0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3582	0407 1401/54	30201 401		0302 0503	030101g 0402g		02 26 3801/5 40 0304 1203		
3600	04 14	3 4		03 05			02 26 38 40 03 12		
3614	0407 1401/54			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3625	0407 14	302 401	0104/5 03	0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
3807	0407 14	3 401					02 26 38 40 03 1203		
3849	0407 1401/54	302 401	01 03	0302 0503			02 26 38 40 03 12		
4237	0407 1401	30201 40103		0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
4281									
4336	0407 1401/54			0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
4420	0407 1401						0206 2601 3801 4002 0304 1203		
4530	0407 1401	30201 40103		0302 0503			0206 2601 3801 4002 0304 1203		
4545	0407 1401/54	30201 401	01 03	0302 0503	030101g 0402g	01 BLANK	0206 2601 3801 4002 0304 1203		
4551	0407 1401	NT NT		03 05	NT NT		02 26 38 40 03 12		
4582	0407 1401	30201 401	01 03	0302 050301			0206 2601 3801 4002 0304/28 1203		
4585	04 14			03 0503			02 26 38 40 03 12		
4613	04 14			03 05					
4623									
4653	040701 1401/54			0302 0503			020601 260101 380101 400201 0304 1203		
4709									
5204							0206 2601 3801 4002 0304 1203		
5365	0407 1401	30201 40103	01 03	0302 0503			0206 26 38 40 03 12		
5720	0407 1401	30201 40103		0302 0503	030101g 0402g		0206 2601 3801 4002 0304 1203		
5982	040701 1401/39			030201 050301	030101g 0402g		020601 260101 380101 400201 030401 120301		
6051	0407 1401/54	30201 401	01 0301g	0302 0503	030101g 0402g		0206g 26 3801/9 4002g 0304g 1203g		
6313	04 14			0302 050301			02 26 38 40 03 12		
9221	0407 1401	3 4		03 05			02 26 3801 4002 03 12		

DNA #574

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	01	11	302	BLANK	01	01	05	06				02	26	35	56	01	04
16	010201	110102	30202	BLANK	01	0102	0501	0602/20	0101	1701		020101	260101	3501/42	5601	010201	0401/30
61	0102	1101	30202	BLANK	01	01	0501	0602				0201	26	35	56	01	04
80	01	11	3	BLANK			05	06				02	26	35	56	01	04
124	0101/2	1101/6	30202	BLANK	01	0102	0501	0602	0101	1701		02	2601	3501/42	5601	0102	0401
131	01	11	3	BLANK			05	06				02	26	35	56	01	04
134	0102	1101	30202	BLANK			0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
138	0102	1101					0501	0602				0201	2601	3501	5601	0102	0401
139	01	11	302	BLANK								02	26	35	56		
142	01	11	302	BLANK			05	06				02	26	35	56		
144	0102	1101					0501	0602				0201	2601	3501	5601	0102	0401
145																	
147																	
148	0102	1101	302	BLANK			0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501/42	5601	0102	0401
151	0102	1101										0201	2601/25	3501	5601	0102	0401
152	01	11										02	26	35	56		
153	01	11	3	BLANK			05	06				02	26	35	56	01	04
155																	
156	0102	1101										0201	2601	3501	5601	0102	0401/30
158	0102	1101	30202	BLANK			0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
160	0102	1101	30202	BLANK			0501	0602				0201	2601	3501	5601	0102	0401
162	010201	110102					050101	0602				0201g	260101g	3501g	5601	0102g	040101g
163	01	11	3	BLANK					0101	1701		0201	2601	35	56	01	04
164	01	11										02	26	35	56		
166	0102	1101	30202	BLANK	0101	0102	0501	0602	0101	1701		02	26	35	56	01	04
167	010201	110102										020101	260101	350101	5601	010201	040101
168	01	11										02	26	35	56		
170	0102	1101	30202	BLANK			050101	0602				02	26	35	56	01	04
171	0102	1101	30202	BLANK	0101	0102	0501	0602				02	26	35	56	01	04
173	0102	1101			01	0102	0501	0602/11				02	26	35	56		
174																	
175	0102	1101					0501	0602				0201	2601	3501	5601	01	04
176																	
179	01	11	302	BLANK	01	0102	050101	060201				02	26	35	5601	01	04
180	0102	1101	30202	BLANK	0101	0102	0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
185	010201	110102					050101	0602				02	26	35	5601	0102	04
186	01	11					05	06				02	26	35	56	01	04
187	0102	1101					0501	0602				0201/24	2606/10	3501/42	5601	01	04
188	0102	1101	30202	BLANK													
189	0102	1101	30202	BLANK			BLANK	0602/11				0201	2601	3501	5601	0102	0401
190	01	11	3	BLANK			05	06				02	26	35	56	01	04
193	0102	11										02	26	35	56		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT		
195	0102	1101	30202	BLANK			0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
196																	
197	0102	1101	302		0101	0102	0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401g
199	01	11	3	BLANK			05	06									
201	0102	1101	30202	BLANK			0501	0602				02	26	35	56	01	04
202	0102	1101	30202	BLANK			0501	0602				0201	2601	3501	5601	0102	0401
203																	
204	0102	1101										0201	2601	3501	5601	0102	0401
205	0102	1101	302	BLANK	0101	0102	0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
206	01	11										02	26	35	56		
207	0102	1101	302	BLANK			0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
208	01	11										02	26	35	56		
209	01	11	3	BLANK			05	06				02	26	35	56	01	04
210												02	26	35	5601	0102	04
211	0102	1101	302	BLANK	01	0102	0501	0602	0101	1701		02	26	35	5601	01	04
212																	
213																	
214												02	26	35	5601	01	04
215	01	11	3	BLANK													
216	0102	11	NT	NT			0501	06				02	26	35	56	01	04
217	01	11															
218	0102	1101										0201	2601	3501	5601	0102	0401
219	0102	1101					05	06				02	26	35	56		
220	0102	11															
221	010201	110102										020101	260101	350101	5601	010201	040101
222																	
230	0102	1101	30202	BLANK	01	01	0501	0602	0101	1701		0201	2601	3501	5601	0102	0401
239	0102	11	301	BLANK	0101	0102	0501	06				02	26	35	56		

DNA #574

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
278	0102 1101/61	30202 BLANK	01 01	0501 0602/33			02 26 35 5601	01 04	
291	0102 11	302 BLANK	0101 0102	0501 0602			02 26 35 5601/19	01 04	
401							0201 2601 3501/42 5601	01 04	
452	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401	
519	0102 1101	NT NT	NT NT	0501 0602	0101 1701	NT NT	0201 2601 3501/42 5601	0102 04	
615	0102 1101	30202 BLANK	01 01	0501 0602	0101 1701				
616	01 11								
635	01 11	3 BLANK		05 06			02 26 35 56	01 04	
642									
702	0102 1101	30202 BLANK	01 0102	0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401	
714	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
726	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
732	010201 110102	30202 BLANK		0501 0602			020101 260101 3501/42 5601	010201 04	
743	01 11	3 BLANK		05 06			02 26 35 56	01 04	
805	0102 1101			0501 0602			02 26 3501/42 5601	0102/17 04	
1018	0102 1101	3 BLANK	0101 0102	0501 0602	NT NT	NT NT	0201 2601 3501 5601	0102 0401	
1113	01 11	NT NT		05 06	0101 1701		02 26 35 56	01 04	
1189	0102 11	302 BLANK		0501 0602			02 26 35 5601/19	01 04	
1212	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602			0201 2601 3501 56	0102 0401	
1251	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT	NT NT		NT NT NT NT	NT NT	
1498	010201 1101	30202 BLANK	0101 0102	0501 0602			02 26 35 56	01 04	
1647	01 11	3 BLANK		05 06	0101 1701		02 26 35 56	01 04	
1686	0102 1101	30202 BLANK	0101 0102	0501 0602	0101 1701	0201 BLANK	0201 2601 3501 5601	0102 0401	
1905	0102 1101	302 BLANK		0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401	
2004	0102 1101	30202 BLANK	0101 0102	0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
2013	0102 1101	302 BLANK		0501 0602			02 26 35 56	01 04	
2015							0201 2601 3501 5601	0102 0401	
2019	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401/04	
2063	0102 1101	302 BLANK	01 0102	0501 0602					
2347									
2411	01 11						02 26 35 56		
2518	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
2549	0102 1102	302 BLANK	0101 0102	0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401/30	
3248									
3261	0102 1101	3 BLANK		0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
3264	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401	
3324	0102 1101	302 BLANK	01 0102	0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501/42 5601	0102 0401/30	
3325	01 11			05 06			02 26 35 56		
3410	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
3438									
3522	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
3548	0102 1101	302 BLANK		0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0408	
3582	0102 1101	302 BLANK		0501 0602	0101 1701		02 26 35 5601	0102 04	
3600	01 11	3 BLANK		05 06			02 26 35 56	01 04	
3614	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
3625	0102 11	302 BLANK	NT NT	0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501/42 5601	0102 04	
3807	0102 11	3 BLANK					02 2601/37 35 56	01 04	
3849	0102 1101	302 BLANK	01 0102	0501 0602			02 26 35 56	01 04	
4237	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
4281									
4336	0102 1101			0501 0602			0201 2601 3501/42 5601	01 04	
4420	0101/2 1101/6						0201 2601 3501 5601	0102 0401	
4530	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
4545	0102 1101	302 BLANK	01 01	0501 0602	0101 1701	0201 BLANK	0201 2601 3501/42 5601	0102 04	
4551	0102 1101	NT NT		05 06	NT NT		02 26 35 56	01 04	
4582	0102 1101	30202 BLANK	01 0102	050101 0602			0201 2601 3501 5601	0102 0401	
4585	01 11			0501 06			02 26 35 56	01 04	
4613	01 11			05 06					
4623									
4653	010201 110102			0501 0602			020101 260101 350101 5601	010201 04	
4709									
5204							0201 2601 3501g 5601	0102 0401g	
5365	0102 1101	30202 BLANK	01 0102	0501 0602			0201 26 35 56	01 04	
5720	0102 1101	30202 BLANK		0501 0602	0101 1701		0201 2601 3501 5601	0102 0401	
5982	010201 110102			050101 060201	010101 1701		020101 260101 3501/42 5601	010201 040101	
6051	0102 1101	302 BLANK	0101g 0102	0501 0602g	0101 1701		02 26 35 56	01 04	
6313	01 11			050101 0602			02 26 35 56	01 04	
9221	01 11	3 BLANK		05 06			02 26 35 56	01 04	

DNA #575

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	07	13	303	401	01	02	02	06			01	23	44	58	04	BLANK
16	070101	130201	30301	40101	0102	0201	0202	0609/18	030101g	110101	010101	2301/17	440301	580101	0401/30	
61	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609			01	23	44	58	04	BLANK
80	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58	04	BLANK
124	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	01	2301/7	4403	5801	0401	BLANK
131	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58	04	BLANK
134	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
138	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801	0401	
139	07	13	303	401							01	23	44	58		
142	07	13	303	401			02	06			01	23	44	58		
144	0701	1302					0202	0609			0101	2301/17	4403	5801	04	BLANK
145																
147																
148	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801	0401	BLANK
151	0701	1302									0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
152	07	13									01	23	44	58		
153	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58	04	BLANK
155																
156	0701	1302									0101	2301	4403	5801	0401/30	BLANK
158	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
160	0701	1302	30301	401010101			0202	0609			0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
162	070101	130201					02	0609			010101g	2301g	440301	5801g	040101g	BLANK
163	07	13	3	4					030101g	1101	01	23	44	58	04	BLANK
164	07	13									01	23	44	58		
166	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	01	23	44	58	04	BLANK
167	0701	130201									010101	2301	440301	580101	040101	BLANK
168	07	13									01	23	44	58		
170	0701	1302	30301	4010101			0202	0609			01	23	44	58	04	BLANK
171	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609			01	23	44	58	04	BLANK
173	0701	1302/67			0102	0201	02	0606/9			01	23	44	58		
174																
175	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801	04	BLANK
176																
179	070101	130201	30301	401	0102	0201	0202	0609/18			01	23	3563	4446	0401	BLANK
180	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
185	070101	130201					0202	0609			01	23	4403	58	04	BLANK
186	07	13					02	06			01	23	44	58	04	BLANK
187	0701	1302					0202	0609			0101/14	23	4403	5801	04	BLANK
188	0701	1302	30301	40101												
189	0701	1302	30301	401			0202	0609			0101	2301	4403	5801	0401/9	BLANK
190	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58	04	BLANK
193	07	1302									01	23	44	58		
194	NT	NT	NT	NT							NT	NT	NT	NT		
195	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
196																
197	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
199	07	13	3	4			02	06								
201	0701	1302	30301	40101			0202	0609			01	23	44	58	04	BLANK
202	0701	1302	30301	40101			0202	0609			0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
203																
204	0701	1302									0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
205	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801	0401	BLANK
206	07	13									01	23	44	58		
207	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
208	07	13									01	23	44	58		
209	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58	04	BLANK
210											01	23	4403	5801/11	04	BLANK
211	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	01	23	4403	5801/11	04	BLANK
212																
213																
214											01	23	4403	58	04	BLANK
215	NT	NT	NT	NT												
216	07	1302					0202	06			01	23	44	58	04	BLANK
217	07	13														
218	0701	1302									0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
219	0701	1302					02	06			01	23	44	58		
220	07	1302/73														
221	0701	130201									010101	2301	440301	580101	0401/9	BLANK
222																
230	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801	0401	BLANK
239	07	13	30301	40101	0102	0201	0202	0609			01	23	44	58		

DNA #575

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
278	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609	01	2301	44	5801	04	BLANK
291	07	13	30301	401	0102	0201	0202	0609/18	01	23	44	58	04	BLANK
401									0101/14	23	4403	5801	0401	BLANK
452	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101				
519	0701	1302	NT	NT	NT	NT	0202	0609	030101g	1101	NT	NT		
615	0701	1302	30301	401	01	02	0202	0609	030101g	1101				
616	07	13												
635	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58
642													04	BLANK
702	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609	030101g	1101			0401	BLANK
714	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801
726	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801
732	070101	130201	30301	40101			0202	0609			010101	2301/17	440301	580101
743	07	13	3	4			02	06			NT	NT	NT	NT
805	0701	1302					0202	0609			0101	2301/17	4403	5801
1018	0701	1302	3	4	0102	0201	0202	0609	NT	NT	NT	NT		
1113	07	13	NT	NT			02	06	030101g	1101			04	BLANK
1189	07	13	30301	401			02	0609/18			01	23	44	58
1212	0701	1302	30301	40101			0202	0609			0101	2301	4403	58
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	070101	1302	30301	4.01E+08	0102	0201	0202	0609			01	23	44	58
1647	07	13	3	4			02	06	030101g	1101	0103	0201	04	BLANK
1686	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801
1905	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801
2004	0701	1302	30301	401010101	0102	0201	0202	0609			0101	2301	4403	5801
2013	0701	1302	3	401			0202	0609			01	23	44	5802/7
2015											0101	2301	4403	5801
2019	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801
2063	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609/18			0101	2301	4403	5801
2347													0401	BLANK
2411	07	13									01	23	44	58
2518	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801
2549	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801
3248													0401/30	BLANK
3261	0701	1302	3	4			0202	0609			0101	2301	4403	5801
3264	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301	4403	5801
3324	0701	1302	303	401	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801
3325	07	13					02	06			01	23	44	58
3410	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801
3438													0401	BLANK
3522	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801
3548	0701	1302	30301	40101			0202	0609			0101	2301	4403	5801
3582	0701	1302	30301	401			0202	0609	030101g	1101	01	23	4403	5801/11
3600	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58
3614	0701	1302					0202	0609			0101	2301	4403	5801/11
3625	0701	1302/31	30301	401	0102	0201	0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801
3807	07	1302/73	3	401							01	23	44	58
3849	0701	1302	303	401	0102	0201	0202	0609			01	23	44	58
4237	0701	1302	30301	40101			0202	0609			0101	2301	4403	5801
4281													0401	BLANK
4336	0701	1302					0202	0609			0101/14	23	4403	5801
4420	0701	1302									0101	2301	4403	5801
4530	0701	1302	30301	40101			0202	0609			0101	2301	4403	5801
4545	0701	1302	30301	40101	01	02	0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801
4551	0701	1302	NT	NT			02	06	NT	NT	01	23	44	58
4582	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609			0101	2301	4403	5801
4585	07	13					0202	06			01	23	44	5801
4613	07	13					02	06					04	BLANK
4623														
4653	070101	130201					0202	0609			010101	2301/17	440301	580101
4709													04	BLANK
5204											0101	2301g	4403	5801
5365	0701	1302	30301	40101	0102	0201	0202	0609			01	23	44	58
5720	0701	1302	30301	40101			0202	0609	030101g	1101	0101	2301/17	4403	5801
5982	0701/2	1302/62					0202	0609	030101g	110101	010101	2301/17	440301	580101
6051	0701	1302	30301	401	0102	0201	0202	0609/18	030101g	1101	01	23	4403g	58
6313	07	13					02	0609/18			01	23	44	58
9221	07	13	3	4			02	06			01	23	44	58

DNA #576

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	09	BLANK	401	BLANK	03	BLANK	03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
16	090102	BLANK	40103	BLANK	0302/3	BLANK	0303/20	BLANK	0501	BLANK			020101	BLANK	4001	BLANK	030401	BLANK
61	0901	BLANK	40103	BLANK	03	BLANK	0303	BLANK					0201	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
80	09	BLANK	4	BLANK			03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
124	0901	BLANK	401	BLANK	NT	NT	0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
131	09	BLANK	4	BLANK			03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
134	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
138	0901	BLANK					0303	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
139	09	BLANK	401	BLANK									02	BLANK	40	BLANK		
142	09	BLANK	401	BLANK			0303	BLANK					02	BLANK	4001	BLANK		
144	0901	BLANK					0303	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
145																		
147																		
148	0901	BLANK	40103	BLANK			0303/20	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
151	0901	BLANK											0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
152	09	BLANK											02	BLANK	40	BLANK		
153	09	BLANK	4	BLANK			03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
155																		
156	0901	BLANK											0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
158	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
160	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
162	090102	BLANK					030302	BLANK					0201g	BLANK	4001g	BLANK	0304g	BLANK
163	09	BLANK	4	BLANK					0501	BLANK			02	BLANK	40	BLANK	0304	BLANK
164	09	BLANK											02	BLANK	40	BLANK		
166	0901	BLANK	40103	BLANK	0302	BLANK	0303	BLANK	0501	BLANK			02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
167	090102	BLANK											020101	BLANK	4001	BLANK	030401	BLANK
168	09	BLANK											02	BLANK	40	BLANK		
170	0901/04	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
171	0901	BLANK	40103	BLANK	0302	BLANK	0303	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
173	0901	BLANK			03	BLANK	0303/15	BLANK					02	BLANK	40	BLANK		
174																		
175	0901	BLANK					0303	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	03	BLANK
176																		
179	090101	BLANK	4	BLANK	03	BLANK	0303/15	BLANK					02	BLANK	4001/55	BLANK	0304	BLANK
180	0901	BLANK	40103	BLANK	0302/3	BLANK	0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
185	090102	BLANK					030302	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	0304	BLANK
186	09	BLANK					03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
187	0901	BLANK					0303	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
188	0901	BLANK	40103	BLANK														
189	0901	BLANK	401	BLANK			0303/20	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
190	09	BLANK	4	BLANK			03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
193	09	BLANK											02	BLANK	40	BLANK		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
196																		
197	0901	BLANK	401	BLANK	0302	BLANK	0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
199	09	BLANK	4	BLANK			03	BLANK										
201	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
202	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK					0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
203																		
204	0901	BLANK											0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
205	0901	BLANK	401	BLANK	0302	BLANK	0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
206	09	BLANK											02	BLANK	40	BLANK		
207	0901	BLANK	40103	BLANK			0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
208	09	BLANK											02	BLANK	40	BLANK		
209	0901	BLANK	4	BLANK			03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
210													02	BLANK	40	BLANK	0304	BLANK
211	0901	BLANK	401	BLANK	0302/3	BLANK	0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001/55	BLANK	0304	BLANK
212																		
213																		
214													02	BLANK	40	BLANK	0304	BLANK
215	NT	NT	NT	NT														
216	09	BLANK	NT	NT			0303	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK
217	09	BLANK																
218	0901	BLANK											0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
219	0901	BLANK					03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK		
220	0901	BLANK																
221	090102	BLANK											020101	BLANK	4001	BLANK	030401	BLANK
222																		
230	0901	BLANK	40103	BLANK	03	BLANK	0303	BLANK	0501	BLANK			0201	BLANK	4001	BLANK	0304	BLANK
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		

DNA #577

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	03	13	301	BLANK	01	04	04	06				02	23	42	45	06	17
16	030201	130101	30101	BLANK	0103	04	0402	0603/28	010101	040101		0202	2301/17	4201	4501	060201	1701/02
61	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603				0202	23	4201	45	06	17
80	03	13	3	BLANK			04	06				02	23	42	45	06	17
124	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0602	17
131	03	13	3	BLANK			04	06				02	23	42	45	06	17
134	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0602	1701
138	0302	1301					0402	0603				0202	2301	4201	4501	0602	1701
139	03	13	301	BLANK								02	23	4201	45		
142	0302	13	301	BLANK			04	06				02	23	42	45		
144	0302	1301					0402	0603				0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
145																	
147																	
148	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401		0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
151	0302	1301										0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
152	03	13										02	23	42	45		
153	03	13	3	BLANK			04	06				02	23	42	45	06	17
155																	
156	0302	1301										0202	2301	4201	4501	0602	1701
158	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603/28	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0602	1701
160	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603				0202	2301	4201	4501	0602	1701
162	030201	130101					0402	060301				0202	2301g	4201	4501g	060201g	1701g
163	03	13	3	BLANK					NT	NT		02	23	41	45	0602	17
164	03	13										02	23	42	45		
166	0302	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401		02	23	42	45	06	17
167	030201	130101										0202	2301	4201	4501	060201	1701
168	03	13										02	23	4201	45		
170	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603				02	23	4201	45	06	17
171	0302	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603				02	23	42	45	06	17
173	03	13			0103	04	0402	0603/14				02	23	42	45		
174																	
175	0302	1301					0402	0603				0202	2301	4201	4501	06	17
176																	
179	0302/29	13	301	BLANK	0103	04	0402	0603/28				0202	23	4201	4501/7	0602	17
180	0302	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0602	1701
185	030201	130101					0402	060301				0202	23	4201	45	0602	17
186	03	13					04	06				02	23	42	45	06	17
187	0302	1301					0402	0603				0202	2301/17	4201	4501	0602	17
188	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603				0202	2301	4201	4501	0602	1701
189	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603				0202	2301	4201	4501	0602	1701
190	03	13	3	BLANK			04	06				02	23	42	45	06	17
193	0302	13										0202	23	4201	45		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT	NT	NT
195	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0602	1701
196																	
197	0302	1301	301	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0602	1701g
199	03	13	3	BLANK			04	06									
201	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603				02	23	42	45	06	17
202	0302	1301	30101	BLANK			04	0603				0202	2301	4201	4501	0602	1701
203																	
204	0302	1301										0202	2301	4201	4501	0602	1701
205	0302	1301	301	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401		0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
206	03	13										02	23	42	45		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	03	13										02	23	42	45		
209	0302	1301	3	BLANK			04	06				02	23	42	45	06	17
210												0202	23	4201	4501/7	0602	17
211	0302	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0101	0401		0202	2301/17	4201	4501/7	0602	17
212																	
213																	
214												0202	23	4201	45	0602	17
215	NT	NT	NT	NT													
216	0302	13	NT	NT			0402	06				0202	23	4201	45	06	17
217	03	13															
218	0302	1301										0202	2301	4201	4501	0602	1701
219	0302	1301					04	06				02	23	42	40		
220	0302/35	1301															
221	030201	130101										0202	2301	4201	4501	0602	1701
222																	
230	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603	0101	0401		0202	2301	4201	4501	0604	1204
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT		

DNA #577

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603/28					0202	2301/16	4201	4501/7	0602	1701
291	0302	13	301	BLANK	0103	0401	0402	0603/28					02	23	42	45	06	17
401													0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
452	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2301	4201	4501	0602	1701
519	0302	1301	NT	NT	NT	NT	0402	0603	0101	0401	NT	NT	0202	2301/17	4201	4501	0602	17
615	0302	1301	30101	BLANK	01	04	0402	0603	0101	0401								
616	03	13											02	23	42	45	06	17
635	03	13	3	BLANK			04	06										
642																		
702	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603	0101	0401			0202	2301	4201	4501	0602	17
714	0302	1301					0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
726	0302	1301					0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
732	030201	130101	30101	BLANK			0402	0603					0202	2301/17	4201	4501	060201	1701
743	03	13	3	BLANK			04	06					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0302	1301					0402	0603					0202	2301/17	4201	4501	0602	17
1018	0302	1301	3	BLANK	0103	0401	0402	0603	NT	NT	NT	NT	0202	2301	4201	4501	0602	1701
1113	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2301	4201	45	0602	1701
1189	0302	13	301	BLANK			0402	0603					02	23	42	45	06	17
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	0302	1301/80	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401			0202	2301	4201	4501	0602	1701
1498	030201	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603/28					02	23	42	45	06	17
1647	03	13	3	BLANK			04	06	0101	0401			11	34	42	45	06	17
1686	0302	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401	0103	0202	0202	2301	4201/6	4501	0602	1701
1905	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2301	4201	4501	0602	1701
2004	0302	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603					0202	2301	4201	45	0602	1701
2013	0302	1301	301	BLANK			0402	0603/28					0202	23	4201	4501	06	17
2015													0202	2301	4201	4501	0602	1701
2019	0302	1301/51	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2306	4201	4501	0602	1701
2063	0302	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603/28										
2347																		
2411	03	13											02	23	42	45		
2518	0302	1301					0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
2549	0302	1301	30101	BLANK	0103	0401	0402	0603	0101	0401			0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
3248																		
3261	0302	1301	3	BLANK			0402	0603					0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
3264	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2301	4201	4501	0602	1701
3324	0302	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0101	0401			0202	2301/17	4201	4501	0602	17
3325	03	13					04	06					02	23	42	45		
3410	0302	1301					0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
3438																		
3522	0302	1301					0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
3548	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
3582	0302	1301	301	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	23	4201	4501/7	0602	17
3600	03	13	3	BLANK			04	06					02	23	42	45	06	17
3614	0302	1301					0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
3625	03	13	301	BLANK	0103	04	0402	0603	0101	0401			0202	2301/17	4201	4501	0602	17
3807	0302/35	1301	3	BLANK									02	23	4201	4501	06	1701
3849	0302	1301	301	BLANK	0103	04	0402	0603					0202	23	4201/8	45	06	17
4237	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
4281																		
4336	0302	1301					0402	0603					0202	2301/17	4201	4501	0602	17
4420	0302	1301											0202	2301	4201	4501	0602	1701/3
4530	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603					0202	2301	4201	4501	0602	1701
4545	0302	1301	301	BLANK	01	06	0402	0603	0101	0401	01	0202	0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
4551	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
4582	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603					0202	2301	4201/6	4501	0602/15	1701
4585	03	13					0402	06					02	23	4201	45	06	17
4613	03	13					04	06										
4623																		
4653	030201	130101					0402	0603					0202	2301/17	4201	4501	0602	17
4709																		
5204													0202	2301g	4201	4501	0602	1701g
5365	0302	1301	30101	BLANK	0103	04	0402	0603					0202	23	42	45	06	1701
5720	0302	1301	30101	BLANK			0402	0603	0101	0401			0202	2301/17	4201	4501	0602	1701
5982	030201	130101					0402	060301	010101	040101			0202	2301/17	4201	4501	060201	1701
6051	0302	1301	30102	BLANK	0103	0401g	0402	0603/28	0101	0401			02	23	4201	4501g	0302g	17
6313	03	13					0402	0603/28					02	23	42	45	06	17
9221	03	13	3	BLANK			04	06					02	23	42	45	06	17

DNA #578

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
7	15	BLANK	501	501	01	01	05	05	11	34	15	27	03	04		
16	150201	BLANK	50101	50108	01	0102	0501	0502/05	0501	1301g	110101	340101	1521	2706	030401	0403
61	1502	BLANK	5	5	01	01	0501	0502			11	34	1521	2706	03	04
80	15	BLANK	5	5			05	05			11	34	15	27	03	04
124	1502	BLANK	50101	501	01	0102	0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
131	15	BLANK	5	5			05	05			11	34	15	27	03	04
134	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
138	1502	BLANK					0501	0502			1101	3401	1521	2706	0304	0403
139	15	BLANK	501	501							11	66	15	27		
142	15	BLANK	501	501			05	05			11	34	15	27		
144	1502	BLANK					0501	0502			1101	3401	1521	2706	0304	0403
145																
147																
148	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
151	1502	BLANK									1101/21	3401	1521	2706	0304	0403
152	15	BLANK									11	34	1521/44	27		
153	15	BLANK	5	5			05	05			11	34	15	27	03	04
155																
156	1502	BLANK									1101	3401	1521	2706	0304	0403
158	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
160	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502			1101	3401	1521	2706	0304	0403
162	150201	BLANK					050101	050201			110101g	3401	1521	2706	0304g	0403
163	15	BLANK	5	5					NT	NT	1101	3401	15	27	0304/28	0403/6
164	15	BLANK									11	25	15	27		
166	1502	BLANK	50101	50108	0101	0102	0501	0502	0501	1301g	11	34	15	27	03	04
167	150201	BLANK									110101	340101	1521	2706	030401	0403
168	15	BLANK									11	34	1521	2706		
170	1502	BLANK	501	501			050101	0502			11	34	1521	2706	03	04
171	1502	BLANK	50101	50108	0101	0102	0501	0502			11	34	15	27	03	04
173	1502/19	BLANK			01	0102	0501	0502			11	34	15	27		
174																
175	1502	BLANK					0501	0502			1101/7	3401	1521	2706	03	04
176																
179	150201	BLANK	NT	NT	01	0102	0501	0502			11	340101	1521	2706	0304/28	0403/6
180	1502	BLANK	50101	50108	0101	0102	0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
185	150201	BLANK					050101	050201			11	340101	1521	2706	0304	0403
186	15	BLANK					05	05			11	34	15	27	03	04
187	1502	BLANK					0501	0502			1101	3401	1521	2706	0304/28	0403/6
188	1502	BLANK	50101	50108							1101	3401	1521	2706	0304	0403
189	1502/3	BLANK	501	501			0501	0502			1101	3401	1521	2706	0304	0403
190	15	BLANK	5	5			05	05			11	34	15	27	03	04
193	15	BLANK									11	3401/5	1521	2706		
194	NT	NT	NT	NT							NT	NT	NT	NT	NT	NT
195	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
196																
197	1502	BLANK	501	501	0101	0102	0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
199	15	BLANK	5	5			05	05								
201	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502			11	34	15	27	03	04
202	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502			1101	3401	1521	2706	0304	0403
203																
204	1502	BLANK									1101	3401	1521	2706	0304	0403
205	1502	BLANK	501	501	0101	0102	0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
206	15	BLANK									11	34	15	27		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	15	BLANK									11	34	15	27		
209	1502	BLANK	5	5			05	05			11	34	15	27	03	04
210											1101/21	340101	1521	2706	0304	0403
211	1502	BLANK	501	501	01	0102	0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304/28	0403/6
212																
213																
214											11	3401	1521	2706	03	04
215	NT	NT	NT	NT												
216	15	BLANK	50101	50108			0501	05			11	34	1521	2706	03	04
217	15	BLANK														
218	1502	BLANK									1101	3401	1521	2706	0304	0403
219	1502	BLANK					05	05			11	34	15	27		
220	15	BLANK														
221	150201	BLANK									110101	340101	1521	2706	030401	0403
222																
230	1502	BLANK	50101	BLANK	01	01	0501	0502	0501	1301g	1101	3401	1521	2706	0304	0403
239	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT		

DNA #578

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	1502	BLANK	50101	50108	01	01	0501	0502					11	3401/5	1521	2706	03	0403/6
291	1502/8	BLANK	501	501	0101	0102	0501	0502					11	3401/5	1521	2704/6	03	0403/6
401													1101	3401	1521	2706	0304/28	0403/6
452	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
519	1502/19	BLANK	NT	NT	NT	NT	0501	0502	0501	1301g	NT	NT	1101	3401	1521	2706	0304	0403
615	1502	BLANK	501	501	01	01	0501	0502	0501	1301g								
616	15	BLANK											11	34	15	27	03	04
635	15	BLANK	5	5			05	05										
642																		
702	1502	BLANK	50101	50108	01	0102	0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
714	1502	BLANK					0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
726	1502	BLANK					0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
732	150201	BLANK	50101	50108			0501	0502					110101	340101	1521	2706	030401	0403
743	15	BLANK	5	5			0501	0502					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	1502	BLANK					0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304/28	0403/6
1018	1502	BLANK	5	5	0101	0102	0501	0502	NT	NT	NT	NT	1101	3401	1521	2706	0304	0403
1113	15	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	03	0403
1189	1502	BLANK	5	5			0501	0502					11	3401/5	1521	2704/6	03	0403/6
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	1502/26	BLANK	50101	50108	0101	0102	0501	0502	0501	1301g			1101/10	3401	1521	2706	0304/47	0403
1498	150201	BLANK	501	50108	0101	0102	0501	0502/05					11	34	15	27	03	04
1647	15	BLANK	5	5			05	05	0501	1301g			02	23	15	27	03	04
1686	1502	BLANK	501	501	0101	0102	0501	0502	0501	1301g	0201	0202	1101/10	3401	1521	2706	0304	0403
1905	1502	BLANK	501	501			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
2004	1502	BLANK	5010101	50108	0101	0102	0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
2013	1502	BLANK	5	5			0501	0502					11	3401/5	1521	2706	03	0403/6
2015													1101	3401	1521	2706	0304	0403
2019	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
2063	1502	BLANK	501	501	01	0102	0501	0502/05										
2347																		
2411	15	BLANK					05	05					11	34	15	27	03	04
2518	15	BLANK					05	05					11	34	15	27	03	04
2549	1502	BLANK	50101	50108	0101	0102	0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
3248																		
3261	1502	BLANK	5	5			0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
3264	1502/19	BLANK	501	50108			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
3324	1502	BLANK	501	501	01	0102	0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
3325	15	BLANK					05	05					11	34	15	27	03	04
3410	1502	BLANK					0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
3438																		
3522	1502	BLANK					0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
3548	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
3582	1502	BLANK	50101	501			0501	0502	0501	1301g			1101/21	3401	1521	2706	0304	0403
3600	15	BLANK	5	5			05	05					11	34	15	27	03	04
3614	1502	BLANK					0501	0502					1101	3401/5	1521	2706	0304	0403/6
3625	1502	BLANK	501	501	0101	0102	0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
3807	15	BLANK	5	5									11	3401	1521	2706	03	0403
3849	1502/19	BLANK	501	501	01	0102	0501	0502					11	3401/5	1521	27	03	0403/16
4237	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
4281																		
4336	1501	BLANK					0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304/28	0403/6
4420	1502	BLANK											1119	3401	1521	2706	0304	0403
4530	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502					1101	3401	1521	2706	0304	0403
4545	1502	BLANK	50101	50108	01	01	0501	0502	0501	1301g	0201	0202	1101	3401	1521	2706	0304	0403
4551	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
4582	1502	BLANK	501	501	01	0102	050101	0502					1101	3401	1521	2706	0304/28	0403
4585	15	BLANK					05	05					11	34	15	27	03	04
4613	15	BLANK					05	05										
4623																		
4653	150201	BLANK					0501	0502					110101	340101	1521	2706	0304	0403
4709																		
5204													1101	3401	1521	2706	0304	0403
5365	1502	BLANK	50101	50108	01	0102	0501	0502					11	34	1521	2706	03	04
5720	1502	BLANK	50101	50108			0501	0502	0501	1301g			1101	3401	1521	2706	0304	0403
5982	1502/19	BLANK					050101	050201	0501	1301g			110101	340101	1521	2706	030401	0403
6051	1502	BLANK	501	501	0101g	0102	0501	0502/5	0501	1301g			11	3401/5	1521	2706	0304g	0403/6
6313	15	BLANK					0501	0502					11	34	15	27	03	04
9221	09	BLANK	4	BLANK			03	BLANK					02	BLANK	40	BLANK	03	BLANK

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	OL-RSSOP	OL-RSSOP	OL-RSSOP	OL-RSSOP			OL-RSSOP	OL-RSSOP	OL-RSSOP
16	SSOP-OL,SBT	SSOP-OL,SSP-INVtGN	RSSOP-OL	RSSOP-OL	SSOP-OL,SBT		SSOP-OL,SBT-SSP-Invitgn	SSOP-OL,SBT	SSOP-OL,SBT-SSP-Invitgn
61	SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP			SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP
80	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSPO-OL
124	SBT	SBT	SSOP/SSP	SBT/SSOP	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-INVtG	SSP-INVtG		SSP-INVtG			SSP-INVtG	SSP-INVtG	SSP-INVtG
134	SBT/SSOP	SSP-GV		SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV		SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV
138	SBT,SSP,SSOP,Atria,Gv,OI			SBT,SSP,SSOP			SBT,SSP,SSOP,Atria,Gv,OI	SBT,SSP,SSOP	SBT,SSP,SSOP
139	Luminex-Tepnel	Luminex-Tepnel					Luminex-Tepnel	Luminex-Tepnel	
142									
144	SSOP-Luminex/SBTProtrans			PCR-SSP/SBTProtrans			SSOP-Luminex/SBTProtrans	SSOP-Luminex/SBTProtrans	PCR-SSP/SBTProtrans
145									
147									
148	SBT(Atria)	SSP(Invitrogen)		RSSO+SSPInvitrogen	SBT(Atria)		SBT(Atria)	SBT(Atria)	SBT(Atria)
151	SSOP-INVtG						SSOP-INVtG	SSOP-INVtG	SSOP-INVtG
152	SSP-OL						SSP-OL	SSP-OL	
153	SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV		SSOP-DYNL/SSP-GV			SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV
155									
156	DynalSSO:AbbottSBT,GvSSP						DynalSSO:AbbottSBT,GvSSP	DynalSSO:AbbottSBT,GvSSP	DynalSSO:AbbottSBT,GvSSP
158	SSP-INVtG	SSP-INVtG		SSP-OL	SSP-INVtG		SSP-INVtG/OLRUP/GV	SSP-INVtG/OLRUP-GV	SSP-INVtG
160	SSSP-DYNL	SSP-DYNL		SBT/SSP-DYNL			SBT/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA	SBT-ATRIA
162	BiosewoomSBT/SSP			BiosewoomSBT/SSP			BiosewoomSBT/SSP	BiosewoomSBT/SSP	BiosewoomSBT/SSP
163	SSPGenovisionlow				SBT-Atria,SSPGv		SBT-Atria,Olrup,SSP,	SSPGenovisionlow	SBT-Atria,SSPGeno/low
164	LiPATypingTest						LiPATypingTest	LiPATypingTest	
166	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV		SSOP-BIOTEST/SSP-GV	SSOP-BIOTEST/SSP-GV	SSOP-BIOTEST/SSP-GV
167	SSP/SSOP/SBT-OL						SSP/SSO-OL,SBT-ATRIA/OL	SSP/SSOP-OL,SBT-ATRIA/OL	SSP/SSOP/SBT-OL
168									
170	SSOP/Dynal-SSP	DynalPCR-SSP		DynalPCR-SSP			LuminexPCR-SSOP	LuminexPCR-SSOP	LuminexPCR-SSOP
171	SSPDynala/oOneLambda	SSPOneLambda		SSPOneLambda/oDynal			SSO-Biotestand/or	SSPOneLambda	SSPOneLambda
173	SBT-ATRIA		SSOP-DYNL	SSOP-DYNL			SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	
174									
175	SSOP-DYNL/SBT-INVtG			SSOP-DYNL/SSP-INVtG			SSOP-DYNL/SSP-INVtG	SSOP-DYNL/SSP-INVtG	SSOP-DYNL
176									
179	SBT	SSP	SBT	SSOP			SBT	SBT	SBT
180	SSP-OL-OLRUP	SSP-OL-OLRUP	SSP-OLRUP	SSP-OL-OLRUP	SSP-OLRUP		SSP-OL-OLRUP	SSP-OL-OLRUP	SSP-OL-OLRUP
185	In-houseHLASBTExon2			In-houseHLASBTExons2&3			In-houseHLASBTExons2&3	In-houseHLASBTExons2&3	In-houseHLASBTExons2&3
186		SSOP-OL		SSOP-OL			SSOP-OL	SSOP-OL	SSOP-OL
187		SBT		SBT			SBT	SBT	SBT
188	SSOP-OL/SSP-GV/In-House-SBT	SSOP-OL/SSP-GV/In-House-SBT							
189	SSP(Local&Invitrogen)	SSP-local		SSP-local			SBT/Atria;SSP/Invitr	SBT/Atria;SSP/Invitr	SBT/Atria;SSP/Invitr
190	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
193	SSOP-OL						SSOP-OL	SSOP-OL	
194									
195	SSOOI/SSPOlerup	High:SSPOlerup		SSOOI;HSSPOlerup	High:SSPOlerup		SSOOI;High:SSPOlerup	SSOOI/High:SSPOlerup	SSOOI/High:SSPOlerup
196									
197	SBT/Atria;SSO/OneLambda	rSSO/OneLambda	SSP/Invitrogen;rSSO/OneLambda	SBT/Atria;rSSO/OL-SSP/Invitrogen	SBT/Atria;SSO/OneLambda		SBT/Atria;SSO/OneLambda	SBT/Atria;SSO/OneLambda	SBT/Atria;rSSO/OneLambda
199									
201	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen		SSP-Protrans			rSSO-OneLambda	rSSO-OneLambda	SSP-Invitrogen
202	SSPOlerup	SSPOlerup		SSPOlerup			SSPOlerup	SSPOlerup	SSPOlerup
203									
204	SBT,Biosewoom,Korea						SBT,Biosewoom,Korea	SBT,Biosewoom,Korea	SBT,Biosewoom,Korea
205	RSSOP-OL/SBT-ABBT	RSSOP-OL	SSP-INVGN	RSSOP-OL/SBT-ABBT	SSP-INVGN		RSSOP-OL/SBT-Abot/SSP-Invitgn	R-SSOP/SBT/SSP	R-SSOP/SBT/SSP
206	SSO,One-Lambda						SSO,One-Lambda	SSO,One-Lambda	
207	PCRSSP/SSO	PCRSSP		PCRSSP/SSO	PCRSSP/SSO		PCRSSP/SSO/SSP	PCRSSP/SSO/SSP	PCRSSP/SSO/SSP
208		SSOP-DYNL					SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	
209	SSOP-LUM/SSP-OL/OLRUP			SSOP-INVtG/SSP-OL			SSOP-INVtG/SSP-OL	SSP-OLRUP/SSP-OL	SSOP-INVtG/SSP-OL
210							SBT	SBT	SBT
211	Luminex/1lambda+SSP/Olerup	Luminex/1lambda	Luminex/1lambda	Luminex/1lambda+SSP/Olerup	Luminex/1lambda+SBT/inhouse		Luminex/1lambda+SBT/inhouse	Luminex/1lambda+SBT/inhouse	Luminex/1lambda+SBT/inhouse
212									
213									
214									
215	BiotestSSP								
216	SSOP-LABTYPE	SSP-OL		SSOP-LABTYPE			SSOP-LABTYPE	SSOP-LABTYPE	SSOP-LABTYPE
217	SSPHISTODRlex.0840R1-0840R2								
218	SBT(InHouse)						SBT(InHouse)	SBT(InHouse)	SBT(InHouse)
219	PCR-SSPDRB96/Invitrogen			SSPABDRDQ/Invitrogen			SSPABDRDQ/Invitrogen	SSPABDRDQ/Invitrogen	
220	InvitrogenSSPUnitray								
221	SBT						SBT	SBT	SBT
222									
230	TepnelLifecodes	SSO	QiagenSSP				TepnellifecodesSSO	QiagenSSP	
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-GV	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	

