

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE



91ST SUMMARY

SEPTEMBER 17, 2008

JOHN MURAMOTO, CHS / CLIN. GENETIC MB SCI.

J. MICHAEL CECKA, PH.D

ELAINE F. REED, PH.D

DNA Sample	
#567	#568
#569	#570
#571	#572

DNA #567 FILP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2402	3401	200/200	124/124	82/88
B*	0706	4002	196/198	116/118	57/86
Cw*	0702	1502	176/176	103/104	62/90
DRB1*	1202	1502	210/210	166/166	76/82
DRB3*	0301		64/65	45/46	6/7
DRB4*					
DRB5*		0101	64/65	46/47	6/7
DQA1*	0102	0601	52/52	46/46	
DQB1*	0301	0502	182/182	125/125	45/50
DPB1*	0101	0501	66/66	66/66	34/34
DPA1*	0202		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

This sample contains an ambiguous B*0705/*0706 combination. The alleles are identical over exons 2 and 3. The polymorphism is located in exon 5, position 916 (G-A). The majority of SBT labs sequence up to exon 4 for Class I. Therefore, 47% of SBT labs could not resolve the allele and reported B*0705/06 or B*07XX.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 0102/30, 2417.	Not excluded: 2409/23/60, 3405.
B*: 0705.	Not excluded: 0705, 4056.
Cw*: 0705.	Not excluded: 0750, 1513.
DRB1*:	Not excluded: 1213, 1519.
DQB1*:	Not excluded: 0319, 0505.

DNA 568 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0101	2402	200/200	107/109	75/88
B*	4002	5201	200/200	122/122	74/88
Cw*	0202	1202	176/176	119/119	85/88
DRB1*	1101	1502	209/210	139/140	77/82
DRB3*	0202		65/65	46/46	6/7
DRB4*					
DRB5*		0102	64/65	45/45	6/7
DQA1*	0103	0505	52/52	42/42	
DQB1*	0301	0601	170/170	125/126	45/50
DPB1*	0401	0402	60/62	57/59	28/30
DPA1*	0103		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 0102/30, 2417.	Not excluded: 2427/35/38.
B*:	Not excluded: 4011/56/57, 5207/57.
Cw*:	Not excluded: 0210, 1217/18.
DRB1*: 1307/14.	Not excluded: 1519.
DQB1*: 0602.	Not excluded: 0319.

DNA #569 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	6601	195/196	122/123	80/86
B*	3512	4701	196/196	139/139	85/86
Cw*	0401	1703	174/174	83/86	46/88
DRB1*	0802	1104	210/210	149/149	80/82
DRB3*	0202		65/65	46/46	6/7
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0401	0505	52/52	33/33	
DQB1*	0301	0402	170/170	123/123	45/50
DPB1*	0201	0402	64/64	63/63	31/32
DPA1*	0103		23/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%, except at Cw* locus.

In a previous sample containing Cw*1703 (#372, April 2003), consensus was 95%. The Cw*1703 consensus is now 92%. SBT labs could not resolve the allele and reported Cw*0701/03 or Cw*17XX. Three SBT labs reported Cw*1701. The polymorphism occurs in exon 1, position #70 (G-A).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: 0209, 2603.

Not excluded: 0224, 6604/5/7.

B*:

Not excluded: 4049/55, 4602/2/14.

Cw*: BLANK, 1701.

Not excluded: 0409/28/30.

DRB1*:

Not excluded: 0804, 1101.

DPB1*:

Not excluded: 0602.

DNA #570 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	0210	194/194	118/118	84/88
B*	1302	4801	194/194	115/116	82/88
Cw*	0602	0801	170/170	106/106	75/88
DRB1*	0701	1201	206/206	128/130	68/82
DRB3*	0101		64/64	46/46	7/8
DRB4*		0103	64/64	47/47	7/8
DRB5*					
DQA1*	0201	0506	52/52	45/45	
DQB1*	0202	0301	166/166	122/122	40/50
DPB1*	0202	1701	64/64	64/64	36/36
DPA1*	0103	0201	3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

This sample from a Chinese donor contains a novel Cw* 08 allele. Two SBT labs reported a polymorphism in exon 6, position #1034. There is a (TGC -TAC) changing the amino acid from Cysteine to Tyrosine. The closest match is Cw*0801.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:

Not excluded: 0206/24.

B*: 4804.

Not excluded: 1308, 4803/9.

Cw*:

Not excluded: 0609, 0811.

DRB1*: 1203/1206.

Not excluded: 0713/15, 1204/6/10.

DQB1*:

Not excluded: 0304/19.

DNA #571 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	0206	187/188	113/113	80/84
B*	4002	4403	190/190	120/121	78/84
Cw*	0303	0706	164/165	88/90	54/84
DRB1*	0701	1405	204/204	142/143	82/82
DRB3*	0202		63/63	43/43	7/8
DRB4*		0103	63/63	46/46	7/8
DRB5*					
DQA1*	0104	0201	52/52	38/38	
DQB1*	0202	0503	164/164	128/128	49/50
DPB1*	0201	1301	58/60	58/60	32/34
DPA1*	0103	0201	3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%, except at Cw* locus.

This sample is from a Korean donor.

In previous samples containing Cw*0706 (#478, May 2006) and (#494, July 2006), the consensus was 83% and 85%, respectively. The Cw*0706 consensus is now 92%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 0285/91/9226.
 B*: 4001. Not excluded: 40018/56, 4407/54.
 Cw*: 0318, 0701. Not excluded: 0320, 0752.
 DRB1*: 1423. Not excluded: 0715, 1445/56.
 DPB1*:

DNA #572 CAUC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	1101	2402	192/192	103/103	76/86
B*	4403	5201	192/192	119/119	81/86
Cw*	0401	1202	168/168	104/104	65/86
DRB1*	0701	1502	204/204	136/136	79/82
DRB3*					
DRB4*	0101		63/63	46/46	7/8
DRB5*		0102	62/63	44/44	7/8
DQA1*	0103	0201	52/52	50/50	
DQB1*	0202	0601	164/164	130/130	49/50
DPB1*	0401	1701	62/62	62/62	36/36
DPA1*	0201	0202	3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*: Not excluded: 1121, 2409/35.
 B*: Not excluded: 5207.
 Cw*: Not excluded: 0430, 1210/17.
 DRB1*: Not excluded: 0715, 1519.
 DPB1*: Not excluded: 3301, 9801

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #567

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	12	15	303	501	01	06	03	05			24	34	07	40	07	15
16	120201	150201	30301	50101	0102	0601/2	0301/19	0502/5	010101	0501	240201	340101	0706	400201	0702/50	150201
61	1202	1502	30301	50101	0102	06	0301	0502			24	34	07	40	07	15
80	12	15	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
124	1202	1502	30301	50101	0102	0601/2	0301/19	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
131	12	15	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
134	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
138																
139	12	15	303	501							24	3401/5	0705/6	40		
142	12	15	303	501			0301	05			24	34	07	40		
144	1202	1502					0301	0502			2402	3401	0705/6	4002/56	0702/50	1502/13
145																
147	1202	1502	30301	50101	0102	0601	0301	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
148	1202	1502/19									24	34	07	40	07	15
151	1202	1502	3	5							2402	3401	0706	4002	0705	1502
152	12	15									24	34	07	40		
153	12	15	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
155																
156	1202	1502									2402	3401	0706	4002	0702/50	1502
158	1202	1502	30301	50101			0301/19	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
160																
162	120201	150201					030101g	050201			2402g	3401	0705/6	400201g	070201g	150201g
163									0101	0501	2402	3401	NT	NT	07	15
164	12	15									24	34	07	40		
166	1202	1502	30301	50101	0102	0601	0301	0502	0101	0501	24	34	07	40	07	15
167	120201	150201									240201	340101	0706	400201	070201	150201
168	12	15									24	34	07	40		
170	1202	1502/19	30101	50101			0301	0502			24	34	07	40	07	15
171	1202	1502	30301	50101	0102	0601	0301	0502			24	34	07	40	07	15
173	12	15			0102	0601/2	03	0502			24	34	07	40		
174	1202/13	15					0301	0502			24	3401/5	07	40		
175	1202	1502					0301	0502			2402	3401	0706	4002	07	15
176																
179	12	1502/15	3	BLANK	0102	0601/2	03	050201			24	340101	0705/6	4002/56	07	15
180																
185	120201	150201					03	050201			24	340101	07	40	07	15
186																
187	1202	1502					0301	0502			2402	3401	0705/6	4002	07	15
188	1202	1502														
189	1202	1502	30301	501			0301/19	0502			2402	3401	0705/6	4002	0702	1502/13
190	12	15	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
192	1202	1502	30301	50101			0301	0502			2402	3401	0706	4002	0702	1502
193	1202/13	15									24	3401/5	07	40		
194																
195	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
196																
197	1202	1502	30301	501	0102	0601	0301	0502	0101	0501	2402	3401	0705/6	4002	0702	1502g
199	12	15	3	5			03	05								
202																
203	1202	1502	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
204	120201	150201									2402	3401	0705/6	400201	070201	150201
205	1202	1502	30301	501	0102	0601	0301	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
206	12	15									24	34	07	40		
207	1202	1502	30301	50101			0301/21	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
208																
209	12	15	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
210											24	340101	0705/6	4002/56	0702/50	1502/13
211	1202	1502	30301	501	0102	0601/2	0301	0502	0101	0501	2402	3401	0705/6	4002/56	07	15
212	120201	150201	3030101	5010101			0301/19	050201	010101	0501	24020101	340101	0705/6	400201	0702/50	1502/13
213																
214											24	3401	07	40	070201	15
215																
216	12	15	3	5			03	05			24	34	07	40	07	15
217	12	15														
218	1202	1502									2402	3401	0706	4002	0702	1502
219																
220	12	15	3	5												
221	120201	150201									24020101	340101	0705/6	400201	07	15
222																
230	1202	1502	30301	50102	0102	0601	0301	0502	0101	0501	2402	3401	0706	4002	0702	1502
239	1202/13	15	30301	50101	0102	0601	03	0502			24	34	07	40		

DNA #567

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	1202	1502	30301	50101	0102	0601/2	0301/19	0502					24	3401/5	0705/6	4002/56	07	1502/13
291	1202/13	15	30301	50101	0102	0601	03	0502					24	3401/5	07	40	07	15
401	1202	1502					0301/19	0502	0101	0501								
452	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
519	1202	1502/19					0301	0502	0101	0501			2402	3401	0705/6	4002	0702/50	1502
615	120201	150201	3030101	5010101	01	06	0301/19	050201	010101	0501								
616	12	15																
635	12	15	3	5			03	05					24	34	07	40	07	15
642																		
702	1202	1502	30301	50101	0102	0601	0301	0502	0101	0501			2402	3401	0705	4002	0702	1502
714	1202	1502					0301	0502					2402	3401	0706	4002	0702	1502
726	1202	1502					0301	0502					2402	3401	0706	4002	0702	1502
732	120201	150201	3030101	5010101			0301/19	0502					240201	340101	0706	400201	0702/50	150201
743	12	15	3	5			0301	0502					24	34	07	40	07	15
805	1202	1502					0301	0502					2402	3401	0705/6	4002	07	15
1018	1202	1502	3	5			0301	0502					2402	3401	0706	4002	0702	1502
1113	12	15					03	05	0101	0501			24	34	07	40	07	15
1189	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
1212	1202	1502	30301	50101			0301/19	0502	0101	0501			2402/60	3401	0706	4002	0702	1502
1251																		
1498	120201	150201	30301	5010101	0102	0601	0301/19	0502/5					24	34	07	40	07	15
1647	12	15	3	5			03	05					24	34	07	40	07	15
1686	1202	1502	30301	50101	0102	0601	0301	0502	0101	0501	0202	BLANK	2402	3401	0706	4002	0702	1502
1905	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
2004	12	15	3	5			03	05					24	3401	07	40	07	15
2013	1202	1502	303	501			0301/19	0502					24	3401/5	0705/6	4002	07	15
2015													2402	3401	0706	4002	0702	1502
2019	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
2063	1202	1502	30301	501	0102	0601/2	0301/19	0502/5										
2411	12	15											24	34	07	40		
2518	1202	1502					0301	0502					2402	3401	07	4002	0702	1502
2549	1202	1502	30301	50101	0102	0601	0301/21	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702/50	1502
3248	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
3261	1202	1502	3	5			0301/19	0502/5					2402/23	3401	0705	4002	0702	1502
3264	1202	1502/19	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
3324	1202	1502	303	501	0102/6	0601	0301	0502	0101	0501			2402	3401	0705/6	4002	0702/50	1502
3325	12	15					0301	05					24	34	07	40		
3410	1202	1502					0301	0502					2402	3401	0706	4002	0702	1502
3438																		
3522	1202	1502					0301	0502					2402	3401	0705/6	4002	0702	1502/13
3548																		
3582	1202	1502	30301	50101	NT	NT	0301/19	0502	0101	0501			2402	3401	0705/6	4002	0702/50	1502/13
3600	12	15	3	5			03	05					24	34	07	40	07	15
3614	1202	1502					030101g	0502					2402/35	3401/5	0706	4002	0702	1502
3625	12	1502/19	30301	501	0102/6	06	0301	0502	0101	0501			2402	3401	0705/6	4002	0702	1502/13
3807	1202	1502	30301	501	0102	0601	03	0502/5	0101	0501	0202		2402	3401	0706	40	0702	1502
3849	1202	1502/19	303	50101	0102	06	0301	0502					24	3401/5	07	40	07	15
4237																		
4281																		
4336	1202	1502					0301	0502					2402	3401	0705/6	4002	07	15
4349	1202	1502	303	501			0301	0502					2402	3401	0705/6	4002	0702	1502
4420	1202	1502											2402	3401	0706	4002	0702	1502
4545	1202	1502	30301	501	0102	0601	0301	0502	0101	0501	0202	BLANK	2402	3401	0705/6	4002	0702/50	1502
4551	1202	1502	NT	NT			03	05	NT	NT			24	34	07	40	07	15
4582	120201	1502	30301	501			0301	0502					2402	3401	0706	4002	0702	1502
4585	12	15					03	05					24	34	07	40	07	15
4613	12	15					03	05										
4623	120201	150201	3030101	5010101			030101	050201					240201	340101	0706	400201	0702/50	150201
4653	120201	150201					0301	0502										
4709	1202	1502	30301	50101			0301/19	0502	0101	0501			2402	3401	0706	4002	0702	1502
5204													2402	3401	0706	4002	0702	1502
5365	12	15	3	5	0102	06	03	05					24	34	07	40	07	15
5720	1202	1502	30301	50101			0301	0502	0101	0501			2402	3401	0705/6	4002	0702	1502
5982	120201	1502/19					030101	050201	010101	0501			240201	340101	0705/6	400201	070201	150201
6051	1202	1502	30301	501	0102	0601/2	0301/19	0502/5	0101	0501			24	3401/5	07	4002g	07	15
6313	1202/13	15					03	0502					24	34	07	40	07	15
9221	1202	1502	3	5			03	05					24	34	07	40	07	15

DNA #568

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	11	15	302	501	01	05	03	06				01	24	40	52	02	12
16	110101	150201	30202	50102	0103	0505/9	0301/19	0601	040101	0402		010101	240201	400201	520101	020202	120202
61	1101	1502	30202	50102	0103	05	0301	0601				01	24	40	52	02	12
80	11	15	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
124	1101	1502	30202	501	0103	0505/9	0301/19	0601	0401	0402		0101	2402	4002	5201	0202	1202
131	11	15	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
134	1101	1502	30202	50102			0301	0601	0401	0402		0101	2402	4002	5201	0202	1202
138																	
139	11	15	302	5								01	24	40	52		
142	11	15	302	501			0301	06				01	24	4002	52		
144	1101	1502					0301	0601				0101	2402	4002/56	5201/7	0202	1202
145																	
147	1101	1502	30202	50102	0103	0505	0301	0601	0401	0402		0101	2402/38	4002	5201	0202	1202
148	11	15										01	24	40	52	02	12
151	1101	1502/19	3	5								0101	2402	400201	520101	0202	1202
152	11	15										01	24	40	52		
153	11	15	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
155																	
156	1101	1502										0101	2402	4002	5201	0202	1202
158	1101	1502	30202	50102			0301/19	0601	0401	0402		0101	2402	4002	5201	0202	1202
160																	
162	110101	150201					030101g	0601g				010101g	2402g	400201g	520101g	020202	1202g
163									0401	0402		01	24	4002	5201	0202	1202
164	11	15										01	24	40	52		
166	1101	1502	30202	50102	0103	0505	0301	0601	0401	0402		01	24	40	52	02	12
167	110101	150201										010101	240201	400201	520101	020202	120202
168	11	15										01	24	40	52		
170	1101	1502/19	30202	50102			0301	0601				01	24	40	52	02	1202
171	1101	1502	30202	50102	0103	0505	0301	0601				01	24	40	52	02	12
173	11	1307/14			0103	05	03	0601				01	24	40	52		
174	11	15										01	24	40	5201/7		
175	1101	1502/19					0301	0601				0101	2402	4002	5201	02	12
176																	
179	11	15	3	BLANK	0103	05	03	0601				01	24	40	52	020202	1202
180																	
185	1101	150201					03	060101				01	24	40	52	020202	1202
186																	
187	1101	1502					0301	0601				0101	2402	4002	5201	0202	1202
188	1101	1502															
189	1101	1502	30202	501			0301/19	0601				0101	2402	4002	5201	0202	1202
190	11	15	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
192	1101	1502	30202	50102			0301	0601				0101	2402	4002	5201	0202	1202
193	11	15										0102/24	24	40	5201/7		
194																	
195	1101	1502	30202	50102			0301	0601	0401	0402		0101	2402	4002	5201	0202	1202
196																	
197	1101	1502	302	501	0103	0505	0301	0601	0401	0402g		0101	2402	4002	5201	0202	1202
199	11	15	3	5			03	06									
202																	
203	1101	1502	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
204	110101	150201										010101	2402	400201	520101	0202	1202
205	1101	1502	302	501	0103	0505	0301	0601	0401	0402		0101	2402	4002	5201	0202	1202
206	11	15										01	24	40	52		
207	1101	1502	302	50102			0301/21	0601	0401	0402		0101	2402	4002	5201	0202	1202
208																	
209	11	15	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
210												01	24	4002/56	5201/7	020202	1202
211	1101	1502	302	501	0103	0505/9	0301/21	0601	0401	04		2417	0130	4002/56	5201/7	0202	1202
212	1101	150201	3020201	501			0301/19	060101	040101	0402		01010101	24020101	400201	520101	020202	1202
213																	
214												01	24	40	52	020202	1202
215	03	13	3														
216	11	15	3	5			03	06				01	24	40	52	02	12
217	11	15															
218	1101	1502										0101	2402	4002	5201	0202	1202
219																	
220	11	15	3	5													
221	1101	150201										010101	24020101	400201	520101	02	12
222																	
230	1101	1502	30202	50102	0103	05	0301	0601	04	04		0101	2402	4002	5201	0202	1202
239	11	15	302	50102	0103	0505	03	0601				01	24	40	52		

DNA #568

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus				
278	1101/61	1502	30202	50102	0103	0505/9	0301/19	0601	01 24	4002/56	5201/7	02	1202/17
291	11	15	302	501	0103	05	03	0601	01 24	40	52	02	12
401	1101	1502					0301/19	0601	0401	0402			
452	1101	1502	30202	50102			0301	0601	0401	0402			
519	1101	1502/19					0301	0601	0401	0402			
615	110101	150201	3020201	501	01	05	0301/19	060101	040101	0402			
616	11	15											
635	11	15	3	5			03	06					
642													
702	1101	1502	30202	50102	0103	0505	0301	0601	0401	0402			
714	1101	1502					0301	0601					
726	1101	1502					0301	0601					
732	110101	150201	3020201	50102			0301/19	0601					
743	11	15	3	5			0301	0601					
805	1101	1502					0301	0601					
1018	1101	1502	3	5			0301	0601					
1113	11	15					03	06	0401	0402			
1189	1101	1502	30202	50102			0301	0601	0401	0402			
1212	1101	1502	30202	50102			0301/19	0601	0401	0402			
1251													
1498	1101	150201	30202	50102	0103	0505	0301/19	0601					
1647	11	15	3	5			03	06					
1686	1101	1502	30202	50102	0103	0505	0301	0602	0401	0402	0103	BLANK	
1905	1101	1502	302	50102			0301	0601	0401	0402			
2004	11	15	3	5			03	06					
2013	1101	1502	302	5			0301/19	0601					
2015													
2019	1101	1502	30202	50102			0301	0601	6601	0402			
2063	11	1502	302	501	0103	0505/9	03	0601					
2411	11	15											
2518	1101	1502					0301	0601					
2549	1101	1502	302	50102	0103	0505	0301/21	0601	NT	NT			
3248	1101	1502	30202	50102			0301	0601	NT	NT			
3261	1101	1502	3	5			0301/19	0601					
3264	1101	1502/19	302	50102			0301	0601	0401	0402			
3324	1101	1502	302	501	0103	05	0301	0601	0401	0402			
3325	11	15					0301	06					
3410	1101	1502					0301	0601					
3438													
3522	1101	1502					0301	0601					
3548													
3582	1101	1502	302	501	NT	NT	0301/19	0601	0401	0402			
3600	11	15	3	5			03	06					
3614	1101	1502					030101g	0601					
3625	1101	1502/19	302	501	0103	05	0301	0601	0401	0402			
3807	1101	1502	30202	50102	0103	0505	03	0601	0401	0402	0103		
3849	1101	1502/19	302	501	0103	0505/9	0301	0601					
4237													
4281													
4336	1101	1502					0301	0601					
4349	1101	1502	302	501			0301	0601					
4420	1101	1502											
4545	1101	1502	302	50102	0103	0505	0301	0601	0401	0402	0103	BLANK	
4551	1101	1502	NT	NT			03	06	NT	NT			
4582	1101	1502	30202	501			0301	0601					
4585	11	15					03	0601					
4613	11	15					03	06					
4623	110101	150201	3020201	50102			030101	060101					
4653	110101	150201					0301	0601					
4709	1101	1502	30202	50102			0301/19	0601	0401	0402			
5204													
5365	11	15	3	5	0103	05	03	0601					
5720	1101	1502	30202	50102			0301	0601	0401	0402			
5982	1101	1502/19					030101	060101	040101	1402/0602			
6051	1101	1502	302	501	0103	0505/9	0301/19	0601	0401	0402			
6313	11	15					03	0601					
9221	1101	1502	3	5			03	06					

DNA #569

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	08	11	302	BLANK	04	05	03	04			02	66	35	47	04	17
16	080201	110401	30202	BLANK	0401/02	0505/9	0301/19	0402	020102	0402	020101	6601	3512	4701	0401/9	17
61	0802	1104	30202	BLANK	04	05	0301	0402			0201	66	3512	4701	04	17
80	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
124	0802	1104	30202	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401/28	17
131	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
134	0802	1104	30202	BLANK			0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401	1703
138																
139	08	11	302	BLANK							02	6601/4	3512	4701		
142	08	11	302	BLANK			0301	04			02	66	35	47		
144	0802	1104					0301	0402			0201	6601	3512	4701	04	17
145																
147	0802	1104	30202	BLANK	0401	0505	0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401	1703
148	08	11									02	66	35	4701	04	17
151	0802	1104	3	BLANK							0201	6601	3512	4701	0401	1703
152	08	11									02	66	35	47		
153	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
155																
156	0802	1104									0201	6601	3512	4701	0401/30	1703
158	0802	1104	30202	BLANK			0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401	1703
160																
162	0802	1104					030101g	0402			0201g	6601	3512	470101	040101g	17
163									0201	0402	NT	NT	NT	NT	04	17
164	08	11									02	66	35	47		
166	0802	1104	30202	BLANK	0401	0505	0301/19	0402	0201	0402	02	66	35	47	04	17
167	080201	110401									020101	6601	3512	470101	040101	1703
168	08	11									02	66	35	47		
170	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402			02	66	3512	4701	04	17
171	0802	1104	30202	BLANK	0401	0505	0301	0402			02	66	35	47	04	17
173	0802/4	11			04	05	03	0402			02	66	35	47		
174	0802	11									02	6601/4	3512	4701		
175	0802/4	1101/4					0301	0402			0201	6601	3512	4701	04	17
176																
179	0802	1104	3	BLANK	04	05	03	0402			02	6601/5	3512	4701	04	17
180																
185	0802	1104					03	0402			02	6601	3512	470101	04	17
186																
187	0802	1104					0301	0402			0201	6601	3512	4701	0401/9	17
188	0802	1104														
189	0802	1104	30202	BLANK			0301/19	0402			0201	6601	3512	4701	0401	17
190	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
192	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402			0201	6601	3512	4701	0401	1703
193	0802	11									02	6601/4	3512	4701		
194																
195	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401	1703
196																
197	0802	1104	302	BLANK	0401	0505	0301	0402	0201	0402g	0201	6601	3512	4701	0401g	17
199	08	11	3	BLANK			03	04								
202																
203	0802	1104	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
204	0802	1104									0201	6601	3512	470101	040101	17
205	0802	1104	302	BLANK	0401	0505	0301	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401	1703
206	08	11									02	66	35	47		
207	0802	1104	302	BLANK			0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	0401	1703
208																
209	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
210											02	6601	3512	470101	04	17
211	0802	1104	302	BLANK	04	0505/9	03	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701	04	17
212	080201	110401	3020201	BLANK			0301/19	0402	020102	0402	020101	6601	3512	470101	04	17
213																
214											02	2603	3512	470101	04	17
215																
216	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47	04	17
217	08	11														
218	0802	1104									0201	6601	3512	4701	0401	1703
219																
220	08	11	3	BLANK												
221	080201	110401									020101	6601	3512	470101	040101	1703
222																
230	0802	1104	30202	BLANK	04	BLANK	0301	0402	0201	04	0201	6601	3512	4701	0401	1703
239	0802/4	1104/60	302	BLANK	0401	0505	03	0402			02	66	35	47		

DNA #569

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
278	0802	1104	30202	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402	02	6601	3512	4701	04	1703
291	0802	11	302	BLANK	0401	05	03	0402	02	66	3512	4701	04	17
401	0802	1104					0301/19	0402	0201	0402				
452	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402	0201	0402			0401	1703
519	0802	1104					0301	0402	0201	0402			0401	1703
615	080201	110401	3020101	BLANK	04	05	0301/19	0402	020102	0402				
616	08	11												
635	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47
642														
702	0802	1104	30202	BLANK	0401	0505	0301	0402	0201	0402			0401	1701
714	0802	1104					0301	0402					0401	17
726	0802	1104					0301	0402					0401	1703
732	0802	110401	30202	BLANK			0301/19	0402					0401	17
743	08	11	3	BLANK			03	04			020101	6601	3512	470101
805	0802	1104					0301	0402			NT	NT	NT	NT
1018	0802	1104	3	BLANK			0301	0402			0201	6601	3512	4701
1113	08	11					03	04	0201	0402	02	66	35	47
1189	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402	0201	0402	0201	6601/7	3512	4701
1212	0802	1104	30202	BLANK			0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
1251														
1498	0802	1104	30202	BLANK	040101	0505	0301/19	0402			02	66	35	47
1647	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47
1686	0802	1104	30202	BLANK	0401	0505	0301	0402	0201	0402	0103	BLANK	0401	1703
1905	0802	1104	302	BLANK			0301	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
2004	0802	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47
2013	0802	1104	302	BLANK			0301/19	0402			02	6601/4	3512	4701
2015											0201	6601	3512	4701
2019	0802	1104	30202	BLANK			0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
2063	0802	1104	302	BLANK	04	0505/9	03	0402			0201	6601	3512	4701
2411	08	11									02	66	35	47
2518	0802	1104					0301	0402			0201	6601	3512	4701
2549	0802	1104	302	BLANK	0401	0505	0301/21	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
3248	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402	NT	NT	0401/30	0401	1703	
3261	0802	1104	3	BLANK			0301/19	0402			0201	6601	3512	4701
3264	0802	1104	302	BLANK			0301	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
3324	0802	1104	302	BLANK	04	05	0301	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
3325	08	11					0301	04			02	66	35	47
3410	0802	1104					0301	0402			0201	6601	3512	4701
3438														
3522	0802	1104					0301/19	0402			0201	6601	3512	4701
3548														
3582	0802	1104	302	BLANK	NT	NT	0301/19	0402	0201	0402	02	66	3512	4701
3600	08	11	3	BLANK			03	04			02	66	35	47
3614	0802	1104					030101g	0402			0201/24	6601	3512	4701
3625	0802	1104	302	BLANK	04	05	0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
3807	0802	1104	30202	BLANK	0401	0505	03	0402	0201	0402	0103	0201	6601	3512
3849	0802	1104	302	BLANK	04	0505/9	0301	0402			02	66	3512	4701
4237														
4281														
4336	0802	1104					0301	0402			0201	6601	3512	4701
4349	0802	1104	302	BLANK			0301	0402			0201	6601	3512	4701
4420	0802	1104									0201	6601	3512	4701
4545	0802	1104	302	BLANK	0401	0505	0301	0402	0201	0402	0103	BLANK	0401	1701/3
4551	0802	1104	NT	NT			03	04	NT	NT	02	66	35	47
4582	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402			0201	6601	3512	4701
4585	08	11					03	0402			02	6601	35	4701
4613	08	11					03	04						
4623	080201	110401	3020201	BLANK			030101	0402						
4653	080201	110401					0301	0402			020101	6601	3512	470101
4709	0802	1104	30202	BLANK			0301/19	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
5204											0401	0401	1703	
5365	0802	11	3	BLANK	04	05	03	0402			0201	66	3512	4701
5720	0802	1104	30202	BLANK			0301	0402	0201	0402	0201	6601	3512	4701
5982	0802	1104					030101	0402	020102	0402	020101	6601	3512	470101
6051	0802g	11	302	BLANK	04	0505/9	0301/19	0402	0201	0402	02	6601/4	35	47
6313	08	11					03	0402			02	66	3512	4701
9221	0802	1104	3	BLANK			03	04			02	66	35	47

DNA #570

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1	DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus		
7	07	12	301	401	02	05	02	03			02	02	13	48	06	08
16	070101	120302	30101	40103	0201	0506	0202	0301/19	0202	1701	020101	0210	130201	480101	060201	080101
61	0701	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301			0201	0210	13	48	06	08
80	07	12	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
124	0701	12	30101	401	0201	0506	0202	0301/19	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
131	07	12	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
134	0701	1201	30101	40103			0202	0301/19	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
138																
139	07	12	301	401							02	02	13	48		
142	07	12	301	401			02	0301			02	02	13	48		
144	0701	12					0202	0301			0201	0210	1302	4801	0602	0801
145																
147	0701	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301/19	0202	1701	02	0210	1302	4801	0602	0801
148	07	12									02	02	13	48	06	08
151	0701	1201	3	4							0201	0210	130201	480101	0602	080101
152	07	12									02	02	13	48		
153	07	12	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
155																
156	0701	1201									0201	0210	1302	4801	0602	0801
158	0701	1201	30101	40103			0202	0301/19	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
160																
162	070101	120101g					02	030101g			0201g	0210	130201	4801g	060201g	080101
163									0202	1701	0201	0210	1302	4804	06	08
164	07	12									02	02	13	48		
166	0701	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301/19	0202	1701	02	02	13	48	06	08
167	070101	120101									020101	0210	130201	480101	060201	080101
168	07	12									02	02	13	48		
170	0701	1201	30101	40103			0202	0301			02	02	13	48	06	08
171	0701	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301			02	02	13	48	06	08
173	0701	12			0201	05	02	03			02	02	13	48		
174	07	12									02	02	13	48		
175	0701	1201/10					0202	0301			0201	0210	1302	4801	0602	0801
176																
179	0701	12	3	401	0201	05	0202	03			02	02	1302	4801/9	06	08
180																
185	070101	12					0202	03			02	0210	130201	48	0602	080101
186																
187	0701	1201					0202/3	0301/4			0201	0210	1302	4801	06	08
188	0701	1201														
189	0701	1201/04	30101	401			0202	0301/19			0201	0210	1302	4801	0602	0801
190	07	12	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
192	0701	1201	30101	40103			0202	0301			0201	0210	1302	4801	0602	0801
193	07	12									02	02	1302/8	48		
194																
195	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
196																
197	0701	1201g	301	401	0201	0506	0202	0301	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
199	07	12	3	4			02	03								
202																
203	0701	1201	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
204	070101	120101									0201	0210	130201	4801	060201	080101
205	0701	1201	301	401	0201	0506	0202	0301	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	08
206	07	12									02	02	13	48		
207	0701	1201	30101	40103			0202	0301/19	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
208																
209	07	12	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
210											02	0210	130201	4801/9	0602	080101
211	0701	1201	301	401	0201	0506	0202	0301/19	0202	1701	0201	0210	1302	4801/9	0602/09	0801/11
212	070101	12	3010102	401			0202	0301/19	0202	1701	020101	0210	130201	480101	0602	080101
213																
214											02	02	130201	48	06	08
215																
216	07	12	3	4			02	03			02	02	13	48	06	08
217	07	12														
218	0701	1201									0201	0210	1302	4801	0602	0801
219																
220	07	12	301	401												
221	0701	120101									020101	0210	130201	480101	0602	080101
222																
230	0701	1206	30101	40103	0201	0506	0202	0301	0202	1701	0201	0210	1302	4801	0602	0801
239	07	1201/10	30101	40103	0201	0506	0202	03			02	02	13	48		

DNA #570

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0701/13	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301/19					02	0210	1302	48	06	0801
291	07	12	301	401	0201	05	0202	03					02	02	13	48	06	08
401	0701	12					0202	0301/19	0202	1701								
452	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
519	0701	12					0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
615	070101	1201/10	30101	401	02	05	0202	0301/19	0202	1701								
616	07	12																
635	07	12	3	4			02	03					02	02	13	48	06	08
642																		
702	0701	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
714	0701	1201					0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
726	0701	1201					0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
732	070101	1201/10	30101	4010301			0202	0301/19					020101	0210	130201	480101	060201	080101
743	07	12	3	4			02	03					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0701	1201					0202	0301					0201	0210	1302	4801	06	08
1018	0701	1201	3	4			0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
1113	07	12					0202	03	0202	1701			02	02	13	48	06	08
1189	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	070101	1201/06	30101	40103	0201	0506	0202	0301/19					02	02	13	48	06	08
1647	07	12	3	4			02	03					02	02	13	48	06	08
1686	0701	1201	30101	40103	0201	0506	0202	0301	0202	1701	0103	0201	0201	0210	1302	4801	0602	0801
1905	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
2004	07	12	3	4			02	03					0201	0210	13	48	06	08
2013	0701	1201	301	401			0202	0301/19					02	02	13	48	06	08
2015													0201	0210	1302	4801	0602	0801
2019	0701	1201	30101	40103			0202	0301/19	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
2063	0701/15	1201	301	401	0201	0506	0202	0301/19										
2411	07	12											02	02	13	48		
2518	0701	1201					0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
2549	0701	12	30101	40103	0201	0506	0202	0301/21	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
3248	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
3261	0701	1201	3	4			0202	0301/19					0201	0210	1302	4801/03	0602	0801
3264	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
3324	0701	1201	301	401	0201	05	0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
3325	07	12					02	0301					02	02	13	48		
3410	0701	1201					0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
3438																		
3522	0701	1201					0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
3548																		
3582	0701	12	301	401	NT	NT	0202	0301/19	0202	1701			02	0210	1302	4801/9	0602	0801
3600	07	12	3	4			02	03					02	02	13	48	06	08
3614	0701	120101g					0202	030101g					0201/24	0210	1302	4801	0602	0801
3625	0701	12	301	401	0201	05	0202	0301	0202/3	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
3807	0701	1201	301	40103	0201	0506	0202	03	0202	1701	0103	0201	0201/06	0210	1302	48	0602	0801
3849	0701	12	301	401	0201	0506	0202	0301					02	02	13	48	06	08
4237																		
4281																		
4336	0701	12					0202	0301					0201	0210	1302	4801	06	08
4349	0701	1201	301	401			0202	0301					0201	0210	1302	4801	0602	0801
4420	0701	1201											0201	0210	1302	4801	0602	0801
4545	0701	12	301	401	0201	0506	0202	0301	0202	1701	0103	0201	0201	0210	1302	4801	0602	0801
4551	0701	1201	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
4582	0701	1201	30101	401			0202	0301					0201	0210	1302	48	0602	0801
4585	07	12					0202	03					02	02	13	48	06	08
4613	07	12					02	03										
4623	070101	120101	3010102	401030101			0202	030101										
4653	070101	120101					0202	0301					020101	0210	130201	480101	06	08
4709	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													0201	0210	1302	4801	0602	0801
5365	07	12	3	4	0201	0506	0202	03					0201	0210	13	48	06	08
5720	0701	1201/06	30101	40103			0202	0301	0202	1701			0201	0210	1302	4801	0602	0801
5982	0701	1201/06					0202/3	0301/4	0202	1701			020101	0210	130201	480101	060201	080101
6051	0701	12	301	401	0201	0506	0202	0301/19	0202/3	1701			02	02	13	48	06	08
6313	07	12					0202	03					02	02	13	48	06	08
9221	0701	1201	3	4			02	03					02	02	13	48	06	08

DNA #571

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	07	14	302	401	01	02	02	05			02	02	40	44	03	07
16	070101	140501	30202	40103	0101/04	0201	0202	0503	020102	1301	020101	020601	400201	440302	030301	0706
61	0701	1405	30202	40103	01	0201	0202	0503			0201	0206	40	44	03	07
80	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
124	0701	1405	30202	401	01	0201	0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403	0303/20	07
131	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
134	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403	0303	0706
138																
139	07	1405/45	302	401							02	02	40	4403/7		
142	07	14	302	401			02	05			02	02	4002	44		
144	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002/56	4403	0303	07
145																
147	0701	1405	30202	40103	0104	0201	0202	0503	0201	1301	0201/85	0206	4002	4403	0303	0706
148	07	14									02	02	40	44	03	07
151	0701	140501	3	4							0201	020601	400201	440302	0303	0706
152	07	14									02	02	40	44		
153	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
155																
156	0701	1405									0201	0206	4002	4403	0303	0706/52
158	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403	0303	0706
160																
162	070101	140501					02	050301			0201g	020601	400201g	440302	030301g	07
163									0201	1301	NT	NT	NT	NT	03	07
164	07	14									02	02	40	44		
166	0701	1405	30202	40103	0104	0201	0202	0503	0201	1301	02	02	40	44	03	07
167	070101	140501									020101	020601	400201	440302	030301	0706
168	07	14									02	02	40	44		
170	0701	1405	30202	40103			0202	050301			02	02	40	44	03	07
171	0701	1405	30202	40103	0104	0201	0202	0503			02	02	40	44	03	07
173	0701	1405			01	0201	02	0503			02	02	40	44		
174	07	1405/45									02	02	40	44		
175	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002	4403	03	07
176																
179	0701	140501	3	401	01	0201	0202	050301			02	020601	40	4403/54	03	07
180																
185	070101	140501					0202	050301			02	020601	40	440302	03	07
186																
187	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002	4403	0303/20	0318
188	0701	1405														
189	0701	1405	30202	401			0202	0503			0201	0206	4002	4403	0303	0706
190	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
192	0701	1405	30202	40103			0202	0503			0201	0206	4002	4403	0303	0706
193	07	1405/45									02	02	40	4403/4		
194																
195	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403	0303	0706
196																
197	0701	1405	302	401	0104	0201	0202	0503	0201	1301g	0201	0206	4002	4403	0303g	07
199	07	14	3	4			02	05								
202																
203	0701	1405	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
204	070101	140501									0201	020601	4002	4403	030301	07
205	0701	1405	302	401	0104	0201	0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403	0303	0706
206	07	14									02	02	40	44		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
208																
209	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
210											02	0206/9226	4002/56	440302	0303/20	07
211	0701	1405	302	401	01	0201	0202	0503	0201	0902	0201	0206	4002/56	4403	03	07
212	070101	140501	3020201	401			0202	050301	020102	0902	020101	020601	400201	440302	03	07
213																
214											02	02	40	440302	03	07
215																
216	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44	03	07
217	07	14														
218	0701	1405									0201	0206	4002	4403	0303	0706
219																
220	07	14	3	401												
221	0701	140501									020101	020601	400201	440302	NT	NT
222																
230	0701	1405	30202	40103	01	0201	0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403	0303	0706
239	07	1405/56	302	40103	0104	0201	0202	0503			02	02	40	44		

DNA #571

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
278	0701/14	1405	30202	40103	01	0201	0202	0503	02	0206/91	4002/56	4403	0303/20	0706
291	07	1405	302	401	0104	0201	0202	0503	02	02	40	44	03	07
401	0701	1405					0202	0503	0201	1301				
452	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301			0303	0706
519	0701	1405					0202	0503	0201	1301			0303/20	07
615	070101	140501	3020201	401	01	02	0202	050301	020102	1301				
616	07	14												
635	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44
642													03	BLANK
702	0701	1405	30202	40103	0104	0201	0202	0503	0201	1301			0303	0701
714	0701	1405					0202	0503					0303	07
726	0701	1405					0202	0503					0303	0706
732	070101	140501	3020201	4010301			0202	0503			020101	020601	400201	440302
743	07	14	3	4			02	05			NT	NT	NT	NT
805	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002	4403
1018	0701	1405	3	4			0202	0503			0201	0206	4002	4403
1113	07	14					0202	0503	0201	1301			0303	0706
1189	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301			0303	0706
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT
1251														
1498	070101	1405	30202	40103	0104	0201	0202	0503			02	02	40	44
1647	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44
1686	0701	1405	30202	40103	0104	0201	0202	0503	0201	1301	0103	0201	0206	4002
1905	0701	1405	302	40103			0202	0503	0201	1301			4002	4403
2004	07	14	3	4			02	05			0201	0206	40	44
2013	0701	1405	3	401			0202	0503			02	02	4002	4403/7
2015											0201	0206	4002	4403
2019	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403
2063	0701/15	1405	302	401	01	0201	0202	0503					0303	0706
2411	07	14									02	02	40	44
2518	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002	4403
2549	0701	1405	302	40103	0104	0201	0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403
3248	0701	1405	30202	40103			0202	0503	NT	NT	0201	0206	4002	4403
3261	0701	1405	3	4			0202	0503			0201	0206	4002	4403
3264	0701	1405	302	40103			0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403
3324	0701	1405	302	401	0104/5	0201	0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002/64	4403/54
3325	07	14					02	05			02	24	4001	44
3410	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002	4403
3438													0303	0706
3522	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002	4403
3548													0303	07
3582	07	1405/54	3	401	01	0201	NT	NT	NT	NT	02	02	40	4403/7
3600	07	14	3	4			02	05			02	02	40	44
3614	0701	1405					0202	0503			02	020601	4002	4403
3625	0701	14	302	401	0104/5	0201	0202	0503	NT	NT	0201	0206	4002	4403
3807	0701	1423	30202	40103	0104	0201	0202	0503	0201	1301	0103	0201	0206	4002/18
3849	0701	1405	302	401	01	0201	0202	0503			02	02	40	4403/7
4237													03	07
4281														
4336	0701	1405					0202	0503			0201	0206	4002/64	4403/54
4349	0701	1405	302	401			0202	0503			0201	0206	4002	4403
4420	0701	1405									0201	0206	4002	4403
4545	0701	1405	302	401	0104	0201	0202	0503	0201	1301	0103	0201	0206	4002
4551	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301			4403	0303/20
4551	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301			0303	0706
4582	0701	140501	30202	401			0202	050301			0201	0206	4002	4403
4585	07	14					0202	0503			02	02	40	44
4613	07	14					02	05					03	07
4623	070101	140501	3020201	401030101			0202	050301			020101	020601	400201	440302
4653	070101	140501					0202	0503			020101	020601	400201	440302
4709	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204											0201	0206	4002	4403
5365	07	14	3	4	01	0201	0202	0503			0201	0206	40	44
5720	0701	1405	30202	40103			0202	0503	0201	1301	0201	0206	4002	4403
5982	0701	1405					0202	050301	020102	1301	020101	020601	400201	4403
6051	0701	1405	302	401	01	0201	0202	0503	0201	1301	020101	020601	400201	4403
6313	07	14					0202	0503			02	02	4002g	4403g
9221	0701	1405	3	4			02	05			02	02	40	44

DNA #572

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	07	15	401	501	01	02	02	06			11	24	44	52	04	12
16	070101	150201	40101	50102	0103	0201	0202	0601	040101	1701	110101	240201	440301	520101	0401/9	120202
61	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601			11	24	44	52	04	12
80	07	15	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
124	0701	1502	401	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
131	07	15	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
134	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
138																
139	07	15	401	501							11	24	44	52		
142	07	15	401	501			02	06			11	24	44	52		
144	0701	1502					0202	0601			1101	2402	4403	5201/7	0401/30	1202
145																
147	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
148	07	15									11	24	44	52	04	12
151	0701	1502	4	5							1101	2402	440301	520101	0401	1202
152	07	15									11	24	44	52		
153	07	15	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
155																
156	0701	1502									1101	2402	4403	5201	0401/30	1202
158	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
160																
162	070101	150201					02	0601g			110101g	2402g	440301	520101g	040101g	1202g
163									0401	1701	11	24	4403	5201	04	1202
164	07	15									11	24	44	52		
166	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701	11	24	44	52	04	12
167	0701	150201									1101	2402	440301	520101	040101	120202
168	07	15									11	24	44	52		
170	0701	1502/19	40101	50102			0202	0601			11	24	44	52	04	12
171	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601			11	24	44	52	04	12
173	0701	1502/19			0103	0201	02	0601			11	24	44	52		
174	07	15									11	24	44	5201/7		
175	0701	1502/19					0202	0601			1101	2402	4403	5201	04	12
176																
179	0701	1502	401	BLANK	0103	0201	0202	0601			11	24	4403	5201/7	04	1202/10
180																
185	070101	150201					0202	060101			11	24	4403	52	04	1202
186																
187	0701	1502					0202	0601			1101	2402	4403	5201	04	1202/10
188	0701	1502														
189	0701	1502	401	501			0202	0601			1101	2402	4403	5201	0401	1202
190	07	15	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
192	0701	1502	40101	50102			0202	0601			1101	2402	4403	5201	0401	1202
193	07	15									11	24	44	5201/7		
194																
195	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
196																
197	0701	1502	401	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401g	1202
199	07	15	4	5			02	06								
202																
203	0701	1502	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
204	070101	150201									110101	2402	440301	520101	040101	1202
205	0701	1502	40101	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
206	07	15									11	24	44	52		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
208																
209	07	15	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
210											1101/21	24	4403	5201/7	04	1202
211	0701	1502	401	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701	11	24	4403	5201/7	04	1202/10
212	070101	150201	401	501			0202	060101	040101	1701	110101	24020101	440301	520101	04	1202
213																
214											11	24	440301	52	04	12
215																
216	07	15	4	5			02	06			11	24	44	52	04	12
217	07	15														
218	0701	1502									1101	2402	4403	5201	0401	1202
219																
220	07	15	401	5												
221	0701	150201									110101	24020101	440301	520101	040101	120202
222																
230	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701	1101	2402	4403	5201	0401	1202
239	07	15	40101	50102	0103	0201	0202	0601			11	24	44	52		

DNA #572

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601					11	24	44	5201/7	04	1202/17
291	07	15	401	501	0103	0201	0202	0601					11	24	44	52	04	1202/10
401	0701	1502					0202	0601	0401	1701								
452	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
519	0701	1502/19					0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	04	1202/10
615	070101	150201	401	501	01	02	0202	060101	040101	1701								
616	07	15																
635	07	15	4	5			02	06					11	24	44	52	04	12
642																		
702	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
714	0701	1502					0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
726	0701	1502					0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
732	070101	150201	4010101	50102			0202	0601					110101	240201	4403	520101	04	120202
743	07	15	4	5			0202	0601					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0701	1502					0202	0601					11	24	4403	5201	04	1202
1018	0701	1502	4	5			0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
1113	07	15					0202	0601	0401	1701			11	24	44	52	04	12
1189	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	070101	150201	401010101	50102	0103	0201	0202	0601					11	24	44	52	04	12
1647	07	15	4	5			02	06					11	24	44	52	04	12
1686	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701	0201	0202	1101	2402	4403	5201	0401	1202
1905	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
2004	07	15	4	5			02	06					11	24	44	52	04	1202
2013	0701	1502	401	5			0202	0601					11	24	44	52	04	1202/10
2015													1101	2402	4403	5201	0401	1202
2019	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
2063	0701/15	1502	401	501	0103	0201	0202	0601										
2411	07	15											11	24	44	52		
2518	0701	1502					0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
2549	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401/30	1202
3248	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
3261	0701	1502	4	5			0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
3264	0701	1502/19	401	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
3324	0701	1502	401	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401/30	1202
3325	07	15					02	06					11	24	44	52		
3410	0701	1502					0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
3438																		
3522	0701	1502					0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
3548																		
3582	07	15	401	5	0103	0201	NT	NT	NT	NT			11	24	44	52	NT	NT
3600	07	15	4	5			02	06					11	24	44	52	04	12
3614	0701	1502					0202	0601					1101	2402/35	4403	5201	0401	1202
3625	0701	15	401	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	04	1202
3807	0701	1502	40101	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701	0201	0202	1101/21	2402	4403	5201	0401	1202
3849	0701	1502/19	401	501	0103	0201	0202	0601					11	24	44	52	04	12
4237																		
4281																		
4336	0701	1502					0202	0601					11	24	4403	5201	04	1202/10
4349	0701	1502	401	501			0202	0601					1101	2402	4403	5201	0401	1202
4420	0701	1502											1101	2402	4403	5201	0401	1202
4545	0701	1502	401	50102	0103	0201	0202	0601	0401	1701	0201	0202	1101	2402	4403	5201	0401/30	1202
4551	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
4582	0701	1502	401	501			0202	0601					1101	2402/35	4403	520101	0401	1202
4585	07	15					0202	0601					11	24	44	52	04	12
4613	07	15					02	06										
4623	070101	150201	401010101	50102			0202	060101										
4653	070101	150201					0202	0601					110101	240201	440301	520101	04	12
4709	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
5204													1101	2402	4403	5201	0401	1202
5365	07	15	4	5	0103	0201	0202	0601					11	24	44	52	04	12
5720	0701	1502	40101	50102			0202	0601	0401	1701			1101	2402	4403	5201	0401	1202
5982	0701	1502/19					0202	060101	040101	1701			110101	240201	4403	520101	040101	120202
6051	07	15	401	501	0103	0201	0202	0601	0401	1701			11	24	4403g	5201/7	04	12
6313	07	15					0202	0601					11	24	44	52	04	12
9221	0701	1502	4	5			02	06					11	24	44	52	04	12

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	SSO_OL	SSO_OL	SSO_OL	SSO_OL			SSO_OL	SSO_OL	SSO_OL
16	RSSOP-OL,SBT	RSSOP-OL,SSP-Invigen	RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL,SBT		RSSOP-OL,SBT	RSSOP-OL,SBT	RSSOP-OL,SBT
61	RSSOP-OL/SSP-INVTN	RSSOP-OL/SSP-INVTN	RSSOP-OL/SSP-INVTN	RSSOP-OL/SSP-INVTN			RSSOP-OL/SSP-INVTN	RSSOP-OL/SSP-INVTN	RSSOP-OL/SSP-INVTN
80	OneLambdaSSP	SSP2LLot006					OneLambdaSSP	SSP1LLOT#006	
124	SBT	SBT	SSOP	SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-INVITG/RSSOP-OL	SSP-INVITG/RSSOP-OL		SSP-INVITG/RSSOP-OL			SSP-INVITG/RSSOP-OL	SSP-INVITG/RSSOP-OL	SSP-INVITG/RSSOP-OL
134	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SSP		SSP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP		SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP
138									
139	LUMINEXTEPNEL	LUMINEXTEPNEL					LUMINEXTEPNEL	LUMINEXTEPNEL	
142									
144	SBT-PRTRNS/SSP			SBT-PRTRNS/SSP			SBT-PRTRNS/SSP	SBT-PRTRNS/SSP	SBT-PRTRNS/SSP
145									
147	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSP-DYNL	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSP-DYNL-OLRP		SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP
148	RSSO(Invitrogen)						RSSO(Invitrogen)	RSSO(Invitrogen)	RSSO(Invitrogen)
151	SSOP-INVIT/SSP-INVIT/SSP-INVIT	SSOP-INVIT/SSP-INVIT/SSP-INVIT					SSOP-INVIT/SSP-INVIT/SSP-INVIT	SSOP-INVIT/SSP-INVIT/SSP-INVIT	SSOP-INVIT/SSP-INVIT/SSP-INVIT
152	SSP-OL						SSP-OL	SSP-OL	
153	SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV		SSOP-DYNL/SSP-GV			SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV
155									
156	AbbottSBT;GVSSP						ABOT-SBT/InvitnSSOP/GVSSP	ABOT-SBT/InvitnSSOP/GVSSP	ABOT-SBT/InvitnSSOP/GVSSP
158	SSP-INVITGN	SSP-DYNL-INVITN		SSP-OL	SSP-OLRP		SSP-INVITGN	SSP-INV-OLRP	SSP-INVITGN
160									
162	BioSewoomSBT/SSP			BioSewoomSBT/SSP			BioSewoomSBT/SSP	BioSewoomSBT/SSP	BioSewoomSBT/SSP
163					SBT-Atria,SSPGenovision		SBT-Atria	SBT-Atria	SBT-Atria
164	LiPATypingTest						LiPATypingTest	LiPATypingTest	
166	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV	SSP-GV		SSOP-BIOTST/SP-GV	SSOP-BIOTST	SSOP-BIOTST
167	SSP/SSOP/SBT-OL						SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL
168									
170	LumexSSOP/DynalSSP	DynalSSP		DynalSSP			LuminexPCR-SSOP	LuminexPCR-SSOP	LuminexPCR-SSOP
171	SSPDyna-OL	SSPOneLambda	SSPDynal	SSPDyna-OL			SSPOLSSP1L006	SSPOLSSP1L006	SSPOLSSP1L006
173	SBT-ATRIA		RSSPDynal	RSSOP-DYNL			RSSOP-DYNL	RSSOP-DYNL	
174	RSSOP-OL						RSSOP-OL	RSSOP-OL	
175	RSSOP-DYNL/SSP-INVITGN			RSSOP-DYNL/SSP-INVITGN			RSSOP-DYNL/SSP-INVITGN	RSSOP-DYNL/SSP-INVITGN	RSSOP-DYNL
176									
179	SBT	SSP	SSP	SSOP			SBT	SBT	SBT
180									
185	SBTExons2&3			SBTExons2&3			SBTExons2&3	SBTExons2&3	SBTExons2&3
186									
187	SBT			SBT			SBT	SBT	SBT
188	SSP-OL-GV/SBT								
189	SSP-local	SSP-local		SSP-local			AbbottSBT;LumexrSSO	AbbottSBT;LumexrSSO	AbbottSBT;LumexrSSO
190	SSOP	SSOP		SSOP			SSOP	SSOP	SSOP
192	SBT/SSP	SSP		SBT/SSP			SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
193	RSSOP-OL						RSSOP-OL	RSSOP-OL	
194									
195	SSO-OL/SSPOlerup	High:SSPOlerup		SSO-OL/SSPOlerup	High:SSPOlerup		SSO-OL/SSPOlerup	SSO-OL/SSPOlerup	SSO-OL/SSPOlerup
196									
197	SBT/Atria;rSSO/OL	rSSO/OneLambda	rSSO/OL/SSP/Dynal	SBT/Atria;rSSO/OLSSP/Invitn	SBT/Atria;rSSO/OL		SBT/Atria;rSSO/OL	SBT/Atria;rSSO/OL	SBT/Atria;rSSO/OL
199									
202									
203	SSP(OneLambda)	SSP(OneLambda)		SSP(OneLambda)			SSP(OneLambda)	SSP(OneLambda)	SSP(OneLambda)
204	SBT,Biosewoom						SBT,Biosewoom	SBT,Biosewoom	SBT,Biosewoom
205	RSSOP-OL/SSP-ABOT	RSSOP-OL	SSP	RSSOP/SBT	SSP		RSSOP-OL/SSP-INVIG/SSP	RSSOP-OL/SSP-INVIG/SSP	RSSOP-OL/SSP-INVIG/SSP
206	SSO,Life-Match						SSO,Life-Match	SSO,Life-Match	
207	PCRSSP/SSO	PCRSSP		PCRSSP/SSO	PCRSSP		PCRSSP/SSO/SSP	PCRSSP/SSO/SSP	PCRSSP/SSO/SSP
208									
209	SSOP/SSP-OL-OLRUP	SSP-OL-OLRP		SSOP-INV/SSP-OL			SSOP-INV/SSP-OL	SSOP-INV/SSP-OL	SSOP-INV/SSP-OL
210							SBT	SBT	SBT
211	Luminex/OL+SSP/Olerup	Luminex/1Lambda	Luminex/1Lambda	Luminex/OL-SSP/Olerup	Luminex/OL+SBT/inhouse		Luminex/OL+SBT/inhouse	Luminex/OL+SBT/inhouse	Luminex/OL+SBT/inhouse
212	SBTIn-house	SBTIn-house		SBTIn-house	SBTIn-house		SBTIn-house	SBTIn-house	SBTIn-house
213									
214									
215									
216	SSP-OL	SSP-OL-OLRP		SSP-OL			SSP-INVITGN	SSP-INVITGN	SSP-INVITGN
217	HISTYPEDRIot.840R1								
218	SBT						SBT	SBT	SBT
219									
220	SSP-INVITGN	SSP-INVITGN							
221	SBT,Abbott						SBT,Abbott	SBT,Abbott	SBT,Abbott
222									
230	SSOP/SSP-QIAGN	SSOP/SSP-QIAGN	SSOP/SSP-QIAGN	SSOP/SSP-QIAGN	SSOP/SSP-QIAGN		SSOP/SSP-QIAGN	SSOP/SSP-QIAGN	SSOP/SSP-QIAGN
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-GV	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	

