

DNA #563 FILP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0207	3401	214/214	137/138	82/88
B*	4001	4601	216/216	139/139	81/90
Cw*	0102	0304	188/188	135/135	88/90
DRB1*	0901	1202	220/220	171/172	88/88
DRB3*	0301		69/69	53/53	7/7
DRB4*		0103	69/69	55/55	7/7
DRB5*					
DQA1*	0302	0601	58/58	43/43	5/8
DQB1*	0301	0303	182/182	137/137	49/56
DPB1*	0202	0501	55/56	55/56	26/26
DPA1*	0202		2/2	2/2	

Agreement for this sample was greater than 95%.

In a IDDM study in the Philippines, Class I frequencies found in controls were A*0207 (1.6%), A*3401 (13.3%), B*4001 (6.4%), B*4601 (2.1%), Cw*0102 (3.7%), and Cw*0304 (6.4%). The haplotypes, DRB*0901-DQB1*0303 and DRB1*1202-DQB1*0301, had frequencies of 5.8% and 10.7%, respectively, in controls (The association of specific HLA Class I and II alleles with type 1 diabetes among Filipinos. Bugawan, TL. et al Tissue Antigens 2002;59;452-469).

In another study of Pacific populations, DRB1*0901 had a frequency of 0.0441 and DRB1*1202 had 0.1912. The haplotypes, DRB1*0901-DQB1*0303 and DRB1*1202-DQB1*0301, had frequencies similar to the IDDM study above of 0.0670 and 0.0950, respectively, in Filipinos (Evolution of Pacific/Asian populations inferred from HLA Class II allele frequency distributions. Mack, SJ. et al. Tissue Antigens 2000;55;383-400).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 0215, 3405.
B*:	Not excluded: 4049/55, 4602/2/14.
Cw*:	Not excluded: 0324.
DRB1*:	0904. Not excluded: 0904, 1213.
DPB1*:	4801. Not excluded:

DNA #564 HISP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	3601	6801	211/212	134/135	71/88
B*	4403	5201	214/214	144/144	89/90
Cw*	0304	0602	186/186	127/127	81/90
DRB1*	0802	1101	220/220	167/169	86/90
DRB3*	0202		68/68	53/53	7/7
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0102	0401	58/58	43/43	6/8
DQB1*	0402	0602	180/180	149/149	56/56
DPB1*	0201	1401	62/62	60/60	28/28
DPA1*	0103	0201	6/6	6/6	

Agreement for this sample was greater than 95%.

M. Fernandez-Vina comments that this sample carries two rare B-C haplotypes. One is likely to be of African origin, B*4403-Cw*0602 with A*3601-DRB1*1101-DRB3*0202-DQB1*0602. The second likely to be of Native American origin, B*520102-Cw*030401, is rare.

In a US study, A*3601 was only detected in African American (0.0317) and Hispanic (0.0043) populations. Cw*0304 had a frequency of 0.0727 in Hispanics; it was highest in Native Americans, 0.1123 (Analysis of the frequencies of HLA-A, B and C alleles and haplotypes in the five major ethnic groups of the United States reveals high levels of diversity in these loci and contrasting distribution patterns in these populations. Cao, K et al. Human Immunology 2001;62;1009-1030).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	03XX, 6807. Not excluded: 3603, 6811/33.
Cw*:	Not excluded: 0307/11/35/47, 0611/14.
DRB1*:	0801/24. Not excluded: 0804, 1123/52.

DNA #565 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	1102	2402	210/210	116/116	70/86
B*	3802	5101	212/212	131/131	81/88
Cw*	0702	0704 V *	188/188	125/126	54/90
DRB1*	0901	1602	218/218	169/169	77/90
DRB3*					
DRB4*	0103		68/68	54/54	7/7
DRB5*		0101	65/68	54/54	7/7
DQA1*	0102	0302	60/60	45/45	6/8
DQB1*	0303	0502	176/176	145/145	54/54
DPB1*	0501		29/29	29/29	13/13
DPA1*	0202		3/3	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%.

This sample from a Chinese donor contains a new Cw* allele.

Most SBT labs reported a novel polymorphism K (G/T) at position #388 in exon 3. The use of allele specific primers confirmed Cw*070201. The new allele resembles Cw*0704 but exhibits a (G-T) at position #388 leading to an amino acid change from Asp to Tyr. SBT up to exon 7 found no other polymorphisms. With SBT, the closest match is Cw*0702 and Cw*0704V. With SSP, results are Cw*0702 and Cw*0704.

* At this time the most probable typing is Cw*0702, Cw*0704V as there is no match in the IMGT/HLA database.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 1102, 2409/20/63.
B*:	Not excluded: 3815, 5111/12/55.
Cw*:	Not excluded: 0711/50.
DRB1*:	Not excluded: 0904/6, 1601/10/11.

DNA #566 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	3301	3303	204/208	123/123	79/86
B*	1516	5201	208/210	142/143	85/88
Cw*	1402	1601	178/178	127/127	81/84
DRB1*	0301	1303	214/214	151/151	79/88
DRB3*	0101	0202	136/136	106/106	14/14
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0501	0505	58/58	35/35	4/8
DQB1*	0201	0301	173/174	127/129	47/50
DPB1*	0101	1301	56/56	56/56	26/26
DPA1*	0201		2/2	2/2	

Agreement for this sample was greater than 95%.

This sample contains two distinct A*33 alleles: A*3301 and A*3303. The frequencies of A*3301 and A*3303 in African Americans are 0.0198 and 0.0397, respectively. The frequency of B*1516 (63) is 0.0020, and B*5201 is 0.0159 (Analysis of the frequencies of HLA-A, B and C alleles and haplotypes in the five major ethnic groups of the United States reveals high levels of diversity in these loci and contrasting distribution patterns in these populations. Cao, K et al. Human Immunology 2001:62;1009-1030).

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 3114.
B*:	Not excluded: 3542/48/57, 5140.
Cw*:	Not excluded: 0804, 1509.
DRB1*:	Not excluded: 0107, 0460.

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: H. Bass and C. Darke - Welsh Blood Service, Wales; One Legacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #561

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	04	401	BLANK	03	03	03	03					01	02	08	44	05	07
16	0404	0409	40103	BLANK	03	03	0301/13	0302	1001	2001			010101	020101	080101	4402/19	050101	0701/18
61																		
80																		
124	04	04	401	BLANK	0301	03	03	0302	1001	2001			0101	0201	0801	44	0501/3	07
131	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
134	0404	0409	40103	BLANK			0301/19	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
138	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
139	04	04	401	BLANK									01	02	08	44		
142	04	04	401	BLANK			0301	0302					01	02	08	44		
144	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
145	0404	0409					0301	0302					01	02	08	44	05	07
147	0404	0409	40103	BLANK	0301	0302	0301/19	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
148	04	04											01	02	08	44	05	07
151	0401/4	0409/10	4	BLANK									0101	0201	080101	440201	050101	0701
152	04	04											01	02	08	44		
153	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
155	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701/52
156	0404	0409											0101	0201	0801	4402	0501	0701
158	0404	0409	40103	BLANK			0301/19	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
160	0401	0410	40103	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
162	0404	0409					030101g	030201					010101g	0201g	080101g	440201g	0501/3	0701g
163	0401/4	0410/9													08	44	05	07
164	04	04											01	02	08	44		
166	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001			01	02	08	44	05	07
167	0404	0409											010101	020101	080101	440201	050101	070101
168	04	04											01	02	08	44		
170	0401/4	0409/10	40103	BLANK			0301	0302					01	02	08	44	0512	07
171	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301	0302					01	02	08	44	05	07
173	04	04			03	03	03	03					01	02	08	44		
174	04	0409											01	02	08	44		
175	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
176	04	04											01	02	08	44		
179	04	04	401	BLANK	03	03	03	0302/4					01	02	08	44	05	07
180																		
185	0404	0409					03	03					01	02	08	44	05	07
186	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
187	0404/70	0409					03	0302					01	02	08	44		
188	0404	0409																
189	0404	0409	401	BLANK			0301/19	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
190	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
192	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
193	04	04											01	02	08	44		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
196																		
197	0404	0409	401	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501g	0701g
199	04	04	4	BLANK			03	03										
201	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
203	0404	0409	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
204	0404	0409											010101g	0201g	080101g	440201g	0501/3	07
205	0404	0409	401	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
206	04	04											01	02	08	44		
207	0404	0409	40103	BLANK			0301/19	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
208	04	04											01	02	08	44		
209	0405	0413	40103	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
210													01	02	0801/19	44	05	07
211	0404	0409	401	BLANK	0301	03	03	0302	10	20			0101	0201	0801	4402	05	07
212	0404	0409	401	BLANK			0301/19	030201	1001	200101			010101	020101	080101	4402/19	0501/3	07
213																		
214													01	02	08	44	05	07
215	NT	NT	NT	NT														
216	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
217	04	04																
218	0404	0409											0101	0201	0801	4402	0501	0701
219	0401/4	0409/10					03	03					01	02	08	44		
230	04	04	40103	BLANK	03	03	0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
239	0404	0409	401	BLANK	0301	0303	03	0302					01	02	08	44		

DNA #561

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001			01	02	08	4402	0501/7	07
291	04	04	401	BLANK	0301	0303	03	03					01	02	08	44	05	07
401													0101	0201	0801	44	0501/4	0701/28
452	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302	1001	2001			0122N	0201	0801	4402	0501	0701
519	0404	0409					0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402/19	0501	07
615	0404	0409	401	BLANK	03	03	0301/19	030201	1001	200101								
616	04	04											01	02	08	44	05	07
635	04	04	4	BLANK			03	03										
642																		
702	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
714	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701g
726	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
732	0404	0409	4010301	BLANK			0301/19	0302					010101	020101	080101	4402/19	050101	07
743	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
805	0404	0409					0301	0302					0101	02	0801	44	05	07
1018	0404	0409	4	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
1113	0404	0409	401	BLANK			0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
1189	04	04	401	BLANK			0301	0302					01	02	08	44	0501	0701
1212	0404	0409	40103	BLANK			0301/19	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
1251																		
1498	0404	0409	40103	BLANK	030101	0303	0301/19	0302					01	02	08	44	05	07
1647	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
1686																		
1905	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
2004	0404	0409	40103	BLANK	030101	0303	0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
2013	0404	0409	4	BLANK			0301/19	0302/8					01	02	08	44	05	07
2015																		
2019	0404	0409	40103	BLANK			0301/19	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
2063	0404	0409	401	BLANK			03	0302										
2411	04	04											01	02	08	44		
2518	0404	0409	NT	NT			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
2549	0404	0409	40103	BLANK	0301	0303	0301/21	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
3248	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
3261	0401	0410	4	BLANK			0301/19	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
3324	0401/4	0409/10	401	BLANK	03	03	0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501/3	07
3325	0404	0409	401	BLANK	0301	0303	0301	0302					0101	0201/7	0801	4402/3	0501	0701
3410	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
3438																		
3522	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701/18
3548	0404	0409	401	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701/24
3582	0404	0409	401	BLANK	NT	NT	0301/19	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402/19	0501/3	07
3600	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07
3614	0404/23	0409					0301/19	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
3625	04	04	NT	NT	03	03	0301/19	0302	NT	NT			01	02	08	44	05	07
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	0404	0409	40103	BLANK	03	03	03	030201	1001	2001			010101	020101	080101	440201	050101	0701
3807	0404	0401	4	BLANK	0301	0303	03	0302	1001	2001	0103	0201	01	02	08	44	05	07
3849	0404	0409	401	BLANK	03	03	0301	0302					01	02	08	44	05	07
4237	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
4281																		
4336	0404	0409					0301	0302					0101	0201	0801	4402/19	0501/4	07
4349	0404	0409	401	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	07
4420	0404/5	0409/13											0101	0201	0801	4402	0501	0701
4545	0404	0409	401	BLANK	0301	0303	0301	0302	1001	2001	0103	0201	0101	0201	0801	4402/19	0501/3	07
4551	0404/23	0409	NT	NT			03	03	NT	NT			01	02	08	44	05	07
4582	0404	0409	401	BLANK			0301	0302					0101	0201	0801	4402	0501	0701
4585	04	04					03	03					01	02	08	44	05	07
4613																		
4623																		
4653	0404	0409					0301	0302					010101	020101	080101	4402/19	050101	070101
4709	04	0409					03	0302					01	02	08	44	05	07
5204													01	02	08	44	05	07
5365	0404	0409	40103	BLANK	0301	03	0301	0302					01	0201	08	44	05	07
5720	0404	0409	40103	BLANK			0301	0302	1001	2001			0101	0201	0801	4402	0501	0701
5982	0404	0409					030101	030201	1001	200101			010101	020101	080101	4402/19	050101	070101
6051	0404	0409	401	BLANK			0301g	0302	1001	2001			01	02	08	4402g	05	07
6313	0404	0409					0301	0302					01	02	08	44	05	07
9221	04	04	4	BLANK			03	03					01	02	08	44	05	07

DNA #562

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	01	03	302	BLANK	01	05	02	05				02	11	35	51	04	16
16	010101	030101	30202	BLANK	01	0501	0201	0501	040101	0901		020101	110101	350101	510101	0401/30	160101
61																	
80																	
124	0101/18	0301/6	30202	BLANK	01	0501	0201	0501	0401	0901		02	1101/21	3501/42	5101	04	1601
131	01	03	3	BLANK			02	05				02	11	35	51	04	16
134	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401/28	1601
138	0101	0301					0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
139	01	03	302	BLANK								02	11	35	51		
142	01	0301	302	BLANK			02	05				02	11	35	51		
144	0101	0301					0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
145	0101	0301					0201	0501				02	11	35	51	04	16
147	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401	1601/8
148	01	03										02	11	35	51	04	16
151	0101	0301	3	BLANK								0201	1101	3501/11	5101/9	0401	1601
152	01	03										02	11	35	51		
153	01	03	3	BLANK			02	05				02	11	35	51	04	16
155	0101	0301	30202	BLANK	01	0501	0201	0501									
156	0101/18	0301										0201	1101	3501	5101	04	1601
158	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401	1601
160	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
162	010101	030101					0201g	050101				0201	110101g	3501g	5101g	040101g	160101
163	0101/7	0301												NT	NT	0401	1601
164	01	03										02	11	35	51		
166	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901		02	11	35	51	04	16
167	010101	030101										020101	110101	350101	510101	040101	160101
168	01	03										02	11	35	51		
170	0101	0301	30202	BLANK			0201	050101				02	11	35	51	0418	16
171	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501				02	11	35	51	04	16
173	01	0301/6			01	05	02	0501				02	11	35	51		
174	01	03										02	11	35	51		
175	0101	0301					0201	0501				0201	1101	3501	5101	04	1601
176	01	03										02	11	35	51		
179	0101/18	0301/6	3	BLANK	01	05	0201	050101				02	11	35	51	04	1601/2
180																	
185	010101	030101					020101	050101				02	11	35	51	04	160101
186	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401	1601
187	01	0301/28					0201	0501				02	11	35	51		
188	0101	0301															
189	0101	0301	302	BLANK			0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
190	01	03	3	BLANK			02	05				02	11	35	51	04	16
192	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
193	01	03										02	11	35	51		
194	01	03	3	BLANK								02	11	35	51		
195	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401	1601
196																	
197	0101	0301	302	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401g	1601
199	01	03	3	BLANK			02	05									
201	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
203	0101	0301	3	BLANK			02	05				02	11	35	51	04	16
204	010101	030101										0201g	110101g	3501g	5101g	040101g	160101
205	0101	0301	302	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401/30	1601
206	01	03										02	11	35	51		
207	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401	1601
208	01	03										02	11	35	51		
209	0101	0301	30202	BLANK			02	05				02	11	35	51	04	12
210												02	1101/21	35	51	04	160101
211	0101	0301	301	BLANK	01	0501	0201	0501	0401	0901		0201	1101	35	51	04	1601/2
212	010101	030101	3020201	BLANK			020101	050101	040101	0901		020101	1101/21	3501/42	510101	04	160101
213																	
214												02	11	35	51	04	160101
215	01	03	3	BLANK													
216	0101	0301					0201	0501				0201	1101	3501	5101	0401	1601
217	01	03															
218	0101	0301										0201	1101	3501	5101	0401	1601
219	0101	0301					02	05				02	11	35	51		
230	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901		0201	1101	3501	5101	0401	1601
239	01	03	302	BLANK	0101	0501	0201	0501				02	11	35	51		

DNA #562

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0101	0301	30202	BLANK	01	0501	0201	0501	0401	0901			02	11	3501/57	5101	0401	1601
291	01	03	302	BLANK	0101	0501	0201/4	0501					02	11	35	51	04	1601/8
401													0201	1101	35	51	0401/29	1601/2
452	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401	1601
519	0101/7	0301					0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501/42	5101	04	1601
615	010101	030101	3020201	BLANK	01	05	020101	050101	040101	0901								
616	01	03																
635	01	03	3	BLANK			02	05					02	11	35	51	04	16
642																		
702	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401	1601
714	0101	0301					0201	0501					0201	1101	3501g	5101	0401	1601
726	0101	0301					0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
732	010101	030101	3020201	BLANK			0201	0501					020101	110101	3501/42	510101	04	160101
743	01	03	3	BLANK			02	05					02	11	35	51	04	16
805	0101	0301					0201	0501					0201	1101	35	51	04	1601
1018	0101	0301	3	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
1113	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401/28	1601
1189	01	03	302	BLANK			02	0501					02	11	35	51	04	16
1212	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
1251																		
1498	010101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501					02	11	35	51	04	16
1647	01	03	3	BLANK			02	05					02	11	53	78	04	16
1686																		
1905	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401	1601
2004	0101	0301	30202	BLANK	0101	0501	0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
2013	0101	0301	302	BLANK			0201	0501					02	11	35	51	04	16
2015																		
2019	0101	0301	302	BLANK			0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401	1601
2063	0101	0301	302	BLANK			02	0501										
2411	01	03											02	11	35	51		
2518	0101	0301	NT	NT			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
2549	0101	0301	302	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401/30	1601
3248	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401/30	1601
3261	0101	0301	3	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
3324	0101	0301	302	BLANK	0101/7	0501	0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501/42	5101	04	1601
3325	0101	0301	302	BLANK	0101	0501	0201	0501					0201/7	1101/2	3501	5101	0401	1601
3410	0101	0301					0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
3438																		
3522	0101	0301					0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
3548	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
3582	0101	0301	302	BLANK	NT	NT	0201	0501	0401	0901			02	11	35	51	04	1601
3600	01	03	3	BLANK			02	05					02	11	35	51	04	16
3614	0101	0301					0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
3625	0101	0301	302	BLANK	0101	05	0201	0501	0401	0901			0201/90	1101/6	35	51	04	1601
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	010101	030101	302	BLANK	01	05	0201	0501	0401	0901			020101	110101	350101	510101	0401/30	160101
3807	0101	0301	3	BLANK	0101	0501	0201/5	0501	0401	0901	0103	0201	0201	1101	3501/11	5101/9	0401	1601
3849	0101	0301	302	BLANK	01	0501	0201	0501					02	11	35	51	04	1601/8
4237	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
4281																		
4336	0101	0301					0201	0501					0201	1101	35	51	04	1601/2
4349	0101	0301	302	BLANK			0201	0501					0201	1101	3501	5101	0401	1601
4420	0101	0301											0201	1101	3501/15	5101/16	0401	1601
4545	0101	0301	302	BLANK	0101	0501	0201	0501	0401	0901	0103	0201	0201	1101	3501/42	5101	04	1601
4551	0101	0301	NT	NT			02	05	NT	NT			02	11	35	51	04	16
4582	0101	0301	30202	BLANK			0201	050101					0201	1101/4	3501	5101	0401	160101
4585	01	03					0201	0501					02	11	35	51	04	1601
4613																		
4623																		
4653	010101	030101					0201	0501					020101	110101	3501	5101	040101	160101
4709	0101	0301					02	0501					02	11	35	51	04	16
5204													02	11	35	51	04	16
5365	0101	0301	30202	BLANK	01	0501	0201	0501					0201	11	35	51	04	16
5720	0101	0301	30202	BLANK			0201	0501	0401	0901			0201	1101	3501	5101	0401	1601
5982	0101	030101					020101	050101	040101	0901			020101	110101	3501/42	510101	0401/29	1601/2
6051	0101	0301	302	BLANK			02	0501	0401	0901			02	11	35	51	04	16
6313	0101/7	030101					02	050101					02	11	35	51	04	16
9221	01	0301	3	BLANK			02	05					02	11	35	51	04	16

DNA #563

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
7	09	12	303	401	03	06	03	03	02	34	40	46	01	03		
16	090102	120201	30301	40103	03	0601/02	0301/13	0303/12	0202	0501	0207	340101	4001	460101	010201	030401
61																
80																
124	NT	NT	30301	401	03	0601/2	0301/19	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
131	09	12	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
134	0901	1202	30301	40103			0301/19	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
138	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
139	09	12	3	401							02	3401/05	40	4601		
142	09	12	303	401			0301	0303			02	34	4001	46		
144	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
145	0901	1202					0301	0303			02	34	40	46	01	03
147	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301	0303	4801	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304/24
148	09	1202/13									02	3401/05	40	46	01	03
151	0901	1202	3	4							0207	3401	4001	4601	0102	0304
152	09	12									02	34	40	46		
153	09	12	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
155	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301	0303								
156	0901	1202									0207	3401	4001	4601	0102	0304
158	0901	1202	30301	40103			0301/19	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
160	0901	1202	30301	40103			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
162	090102	120201					030101g	030302			0207	3401	4001g	460101	0102g	0304g
163	0901	1202											NT	NT	0102	0304
164	09	12									02	34	40	46		
166	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301	0303	0202	0501	02	34	40	46	01	03
167	090102	120201									0207	340101	4001	460101	010201	0304
168	09	12									02	34	4001	46		
170	0901	120201	30301	40103			0301	0303			02	34	40	4601	01	03
171	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301	0303			02	34	40	46	01	03
173	0901	1202			03	0601/2	03	03			02	34	40	46		
174	09	1202/13									02	3401/5	40	4601/2		
175	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601/2	01	03
176	09	12									02	34	40	46		
179	090102	120201	3	401	03	0601/2	0301/13	030302			0207/15	340101	40	4601/14	0102	0304
180																
185	090102	120201					03	03			02	340101	40	460101	0102	0304
186	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
187	0901/4	1202/13					03	0303			02	34	40	46		
188	0901	1202														
189	0901	1202	30301	401			0301/19	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
190	09	12	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
192	0901	1202	30301	40103			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
193	09	1202/13									02	3401/5	40	4601/2		
194	NT	NT	NT	NT							NT	NT	NT	NT		
195	0901	1202	30301	40103			0301	0303	NT	NT	0207	3401	4001	4601	0102	0304
196																
197	0901	1202	30301	401	0302	0601	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
199	09	12	3	4			03	03								
201	0901	1202	30301	40103			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
203	0901	1202	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
204	090102	1202									0207g	3401	4001g	4601	0102g	0304g
205	0901	1202	30301	401	0302	0601	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
206	09	12									02	34	40	46		
207	0901	1202	30301	40103			0301	0303/19	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
208	09	12									02	34	40	46		
209	0901	120201	30301	40103			03	03			02	34	40	46	01	03
210											0207/15	340101	40	460101	0102	0304
211	0901	1202	30301	401	03	0601/0602	03	0303	0202	0501	0207	3401	40	4601/14	0102	0304
212	090102	120201	3030101	401			0301/19	030302	0202	0501	0207	340101	400101	460101	0102	0304
213																
214											02	3401	40	4601	0102	0304
215	NT	NT	NT	NT												
216	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
217	09	12														
218	0901	1202									0207	3401	4001	4601	0102	0304
219	0901	1202					03	03			02	34	40	46		
230	0901	1202	30301	40103	0302/3	0601	0301	0303	NT	NT	0207	3401	4001	4601	0102	0304
239	0901/6	1202/13	30301	40103	0302	0601	03	0303			02	34	40	46		

DNA #563

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
278	0901	1202	30301	40103	03	0601/2	0301/19	0303	0202	0501	0207	3401/5	40	4601	0102/11	0304/24
291	09	1202/13	303	401	0302	0601	03	03			0220	3401/5	40	4601/2	01	03
401											0207	3401	4001/49	4601/14	0102	0304
452	0901	1202	30301	40103			0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
519	0901	1202					0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
615	090102	120201	3030101	401	03	06	0301/19	030302	0202	0501						
616	09	12														
635	09	12	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
642																
702	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
714	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
726	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
732	090102	120201	3030101	4010302			0301/19	0303			0207	340101	4001	460101	010201	030401
743	09	12	3	4			03	03			NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001/49	4601/14	0102	0304
1018	0901	1202	3	4			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
1113	0901	1202	30301	40103			0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
1189	09	12	30301	401			0301/19	0303			02	34	40	46	01	03
1212	0901/5	1202	30301	40103			0301/19	0303			0207	3401	4001	4601/2	0102	0304
1251																
1498	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301/19	0303/20			02	34	40	46	01	03
1647	09	12	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
1686																
1905	0901	1202	30301	40103			0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
2004	0901	120201	30301	40103	0302	0601	0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
2013	0901	1202	303	401			0301/19	0303/20			02	3401/5	4001	4601	01	03
2015																
2019	0901/6	1202	30301	40103			0301/19	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
2063	0901	1202	30301	401			03	03								
2411	09	12									02	34	40	46		
2518	0901	1202	NT	NT			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
2549	0901	1202	30301	40103	0302	0601	0301/21	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
3248	0901	1202	30301	40103			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
3261	0901	1202	3	4			0301/19	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
3324	0901	1202	303	401	0302/3	0601	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
3325	0901	1202	303	401	0302	0601	0301	0303			02	3401/2	4001	4601	0102	0304
3410	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
3438																
3522	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
3548	0901	1202	30301	40103			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
3582	0901	1202	30301	401	NT	NT	0301/19	0303	0202	0501	0207/15	3401	4001/55	4601	0102	0304
3600	09	12	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03
3614	0901	1202					0301/19	0303			0207	3401/5	4001	4601/2	0102	0304
3625	0901	1202/13	30301	401	03	06	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001/49	4601/14	0102	0304
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	090102	120201	30301	40103	03	06	03	030302	0202	0501	0207	340101	4001	460101	010201	030401
3807	0901	1202	3	4	0302	0601	03	0303/20	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
3849	0901	1202	303	401	03	0601/2	0301	0303			02	3401/5	40	4601/2	01	03
4237	0901	1202	30301	40103			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
4281																
4336	0901	1202					0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
4349	0901	1202	303	401			0301	0303			0207	3401	4001	4601	0102	0304
4420	0901	1202									0207	3401	4001	4601	0102	0304
4545	0901	1202	30301	401	0302	0601	0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
4551	0901	1202	NT	NT			03	03	NT	NT	02	34	40	46	01	03
4582	0901	120201	30301	401			0301	0303/20			0207	3401	4001	4601/3	0102	0304
4585	09	12					03	03			02	34	40	46	01	03
4613																
4623																
4653	090102	120201					0301	0303			0207	340101	4001	460101	010201	030401
4709	09	1202/13					03	03			02	34	40	46	01	03
5204											02	34	40	46	01	03
5365	0904	1202	30301	40103	03	06	0301	0303			0207	34	40	46	01	03
5720	0901	1202	30301	40103			0301	0303	0202	0501	0207	3401	4001	4601	0102	0304
5982	090102	120201					030101	030302	0202	0501	0207	340101	4001	460101	010201	030401
6051	0901	1202	30301	401			0301g	0303g	0202	0501	02	34	4001g	46	01	0304g
6313	090102	120201					03	03			02	34	40	46	01	03
9221	0901	1202	3	4			03	03			02	34	40	46	01	03

DNA #564

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	08	11	302	BLANK	01	04	04	06				36	68	44	52	03	06
16	080201	110101	30202	BLANK	0102	04	0402	0602	020102	1401		3601	6801/11	440301	520102	030401	060201
61																	
80																	
124	0802	1101	30202	BLANK	0102	04	0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
131	08	11	3	BLANK			04	06				36	68	44	52	03	06
134	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
138	0802	1101					0402	0602				3601	6801	4403	5201	0304	0602
139	08	11	302	BLANK								3601	68	44	5201		
142	08	11	302	BLANK			04	06				36	68	44	52		
144	0801	1101					0402	0602				3601	6801/33	4403	5201	0304	0602
145	0802	1101					0402	0602				36	68	44	52	03	06
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	08	11										3601	68	44	52	03	06
151	0802	1101	3	BLANK								3601	6807	4403	5201	0304	0602
152	08	11										36	68	44	52		
153	08	11	3	BLANK			04	06				36	68	44	52	03	06
155	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602									
156	0802	1101										3601	6801	4403	5201	0304	0602
158	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
160	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602				3601	6801	4403	5201	0304	0602
162	080201	110102					0402	0602				3601	680102g	440301	520102	0304g	060201g
163	0802	1101												NT	NT	0304/7	0602/11
164	08	11										03	68	44	52		
166	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401		36	68	44	52	03	06
167	080201	110102										3601	680102	440301	520102	0304	060201
168	08	11										36	68	44	52		
170	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602				3601	68	44	5201	03	06
171	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602				36	68	44	52	03	06
173	0802	1101			0102	04	0402	0602/11				36	68	44	52		
174	0802	11										3601	68	44	5201		
175	0802	1101					0402	0602				3601	6801	4403	5201	03	06
176	08	11										36	68	44	52		
179	0802/24	1101/23	3	BLANK	0102	04	0402	0602				3601	68	4403	520102	03	06
180																	
185	080201	110102					0402	0602				3601	68	4403	520102	0304	0602
186	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
187	0802	11					0402	0602/33				3601	68	44	5201		
188	0802	1101															
189	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602				3601	6801	4403	5201	0304	0602
190	08	11	3	BLANK			04	06				36	68	44	52	03	06
192	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602				3601	6801	4403	5201	0304	0602
193	0802	11										3601	68	44	5201		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT		
195	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
196																	
197	0802	1101	302	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401		3601	6801g	4403	5201	0304	0602
199	08	11	3	BLANK			04	06									
201	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602				3601	6801	4403	5201	0304	0602
203	0824	1101	3	BLANK			04	06				36	68	44	52	03	06
204	0802	1101										3601	6801	4403	5201	0304g	060201g
205	0802	1101	302	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
206	08	11										36	68	44	52		
207	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602/33	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
208	08	11										3601/3	68	44	52		
209	0802	1101	30202	BLANK			04	06				36	68	44	52	03	06
210												3601	68	4403	520102	0304	0602
211	0802	1101	302	BLANK	0102	04	0402	0602	02	14		3601	6801/11	4403	5201	0304/11	0602/11
212	080201	110102	3020201	BLANK			0402	060201	020102	1401		3601	6801/11	440301	520102	0304	0602
213																	
214												3601	68	440301	520102	03	06
215	NT	NT	NT	NT													
216	0802	1101					0402	0602				3601	6801	4403	5201	0304	0602
217	08	11															
218	0802	1101										3601	6801	4403	5201	0304	0602
219	0802	1101					04	06				36	68	44	52		
230	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401		3601	6801	4403	5201	0304	0602
239	0802/24	1101	302	BLANK	0102	0401	0402	0602/33				36	68	44	52		

DNA #564

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
278	0802	1101	30202	BLANK	0102	04	0402	0602	0201	1401			3601	68	44	5201	03	06
291	08	11	302	BLANK	0102	0401	0402	0602					36	68	44	5201	03	06
401													3601	6801/11	4403	5201	0304/7	0602/11
452	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
519	0802	1101					0402	0602	0201	1401			3601	6801/11	4403	5201	0304	0602
615	080201	110102	3020201	BLANK	01	04	0402	060201	020102	1401								
616	08	11																
635	08	11	3	BLANK			04	06					36	68	44	52	03	06
642																		
702	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
714	0802	1101					0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
726	0802	1101					0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
732	080201	110102	3020201	BLANK			0402	0602					3601	6801/11	440301	520102	030401	060201
743	08	11	3	BLANK			04	06					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0802	1101					0402	0602					3601	6801/11	4403	5201	0304/35	0602/14
1018	0802	1101	3	BLANK			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
1113	0802	1101/52	302	BLANK			0402	0602	0201	1401			36	6801/41	4403	5201	0304/47	0602
1189	0802/04	11	302	BLANK			0402	0602					36	68	44	5201	03	06
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT					NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																		
1498	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602/19					3601	68	44	52	03	06
1647	08	11	3	BLANK			04	06					36	68	44	52	03	06
1686																		
1905	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
2004	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
2013	0802	1101	302	BLANK			0402	0602					3601	68	44	5201	03	06
2015																		
2019	0802	1101/61	302	BLANK			0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
2063	0802	11	302	BLANK			0402	0602/33										
2411	08	11											36	68	44	52		
2518	0802	1101	NT	NT			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
2549	0802	1101	302	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
3248	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
3261	0802	1101	3	BLANK			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
3324	0802	1101	302	BLANK	0102	04	0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
3325	0802/4	1101	302	BLANK	0102	0401	0402	0602					36	68	4403	5201	0304	0602
3410	0802	1101					0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
3438																		
3522	0802	1101					0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
3548	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
3582	0802	1101	302	BLANK	NT	NT	0402	0602	0201	1401			3601	68	4403	5201	0304	0602
3600	08	11	3	BLANK			04	06					36	68	44	52	03	06
3614	0802	1101					0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
3625	0802	1101	302	BLANK	0102	04	0402	0602	0201	1401			3601	6801/11	4403	5201	0304	0602
3631	0802	1101	30202	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401	0103	0201	3601	6801	4403	5201	0304	0602
3798	0802	1101	302	BLANK	01	04	0402	0602/33	0201	1401			3601	6801/11	440301	520102	030401	060201
3807	0802	1101	3	BLANK	0102	0401	0402	0602/33	0201	1401	0103	0201	3601	6801	4403	5201	0304	0602
3849	0802	1101	302	BLANK	0102	04	0402	0602					3601/3	68	44	52	03	06
4237	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
4281																		
4336	0802	1101					0402	0602					3601	6801/11	4403	5201	03	06
4349	0802	1101	302	BLANK			0402	0602					3601	6801	4403	5201	0304	0602
4420	0802	1101											3601	6801	4403	5201	0304	0602
4545	0802	1101	302	BLANK	0102	0401	0402	0602	0201	1401	0103	0201	3601	6801/11	4403	5201	0304	0602
4551	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401			3601	6801	4403	5201	0304	0602
4582	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602					3601	680102	4403	5201	0304	0602
4585	08	11					04	06					3601	68	44	52	03	06
4613																		
4623																		
4653	080201	110102					0402	0602/19					3601	6801/33	440301	520102	0304	060201
4709	0802	1101					0402	0602/33					3601	68	44	5201	03	06
5204													36	68	44	52	03	06
5365	0802	1101	30202	BLANK	0102	04	0402	0602					36	68	44	52	03	06
5720	0802	1101	30202	BLANK			0402	0602	0201	1401			3601	6801/11	4403	5201	0304	0602
5982	080201	110102					0402	0602	020102	1401			3601	6801/11	440301	520102	030401	060201
6051	0802	1101	302	BLANK			0402	06	0201	1401			3601	68	4403g	5201	0304g	06
6313	080201	110102					0402	0602/33					36	68	44	5201	03	06
9221	0802	1101	3	BLANK			04	06					36	68	44	52	03	06

DNA #565

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	09	16	401	501	01	03	03	05				11	24	38	51	07	07
16	090102	160201	40103	50101	0102	03	0303	0502/05	0501	BLANK		110201	240201	380201	510101	0702/50	0704V/11
61																	
80																	
124	0901/4	1601/2	401	50101	0102	03	0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101/11	07	07
131	09	16	4	5			03	05				11	24	38	51	07	07
134	0901	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702	0704
138	0901	1602					0303	0502				1102	2402	3802	5101	0702/50	0704
139	09	1602/10	401	501								11	24	3802/15	51		
142	09	16	401	501			0303	05				11	24	38	51		
144	0901	1602					0303	0502				1102	2402	3802	5101	0702/50	0704V
145	0901	1602					0303	050201				11	24	38	51	07	07
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	09	16										11	24	38	51	07	07
151	0901	1602	4	BLANK								1102	2402	3802	5101	0702	0704
152	09	16										11	24	38	51		
153	09	16	4	5			03	05				11	24	38	51	07	07
155	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303	0502									
156	0901/4	1601/2										1102	2402	3802	5101	0702/50	0704V
158	0901	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702	0704
160	0901	1602	40103	50101			0303	0502				1102	2402	3802	5101	0702	0704
162	090102	160201					030303	050201				110201	2402g	380201	5101g	070201g	0704V
163	0901/4	1601/2												NT	NT	NT	NT
164	09	16										11	24	38	51		
166	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK		11	24	38	51	07	07
167	090102	160201										110201	240201	380201	510101	070201	0704V
168	09	16										11	24	38	51		
170	0901	160201	40103	50101			0303/15	0502				11	24	38	51	07	07
171	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303	0502				11	24	38	51	07	07
173	0901/4	1601/2			0102	03	0303/15	0502				11	24	38	51		
174	09	1602										11	24	3802/15	51		
175	0901	1602					0303	0502				1102	2402/9	3802	5101	07	07
176	09	16										11	24	38	51		
179	0901/4	1601/2	401	BLANK	0102	03	030302	050201				11	2402/63	380201	51	0702/50	0704/11
180																	
185	090102	160201					030302	050201				11	24	380201	51	0702/50	0704V
186	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702	0704
187	0901/4	1602					0303	0502				11	24	38	51		
188	0901	1602															
189	0901	1602	401	5			0303	0502				1102	2402	3802	5101/12	0702	0704
190	09	16	4	5			03	05				11	24	38	51	07	07
192	0901	1602	40103	50101			0303	0502				1102	2402	3802	5101	0702	0704V
193	09	1602										11	24	3802/15	51		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT	NT	NT
195	0901	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702	0704
196																	
197	0901	1602	401	501	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702/50	0704V
199	09	16	4	5			03	05									
201	0901	1602	40103	50101			0303	0502				1102	2402	3802	5101	0702	0704
203	0901	1602	4	5			03	05				11	24	38	51	07	07
204	0901	1602										1102	2402g	3802	5101g	070201g	0704/11
205	0901	1602	401	501	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702/50	0704V
206	09	16										11	24	38	51		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	09	16										11	24	38	51		
209	0901	1602	40103	5010101			03	05				11	24	38	51	07	07
210												1102	24	380201	51	0702/50	0704V
211	0901	1602	401	501	0102	03	0303	0502	0501	BLANK		11	24	3802	51	0702/50	0704/11
212	090102	160201	401	5010101			030302	050201	0501	BLANK		110201	24020101	380201	510101	0702/50	0704V
213																	
214												1102	24	380201	51	070201	07
215	NT	NT	NT	NT													
216	0901	1602					0303	0502				11	24	3802	5101	0702	0704
217	09	16															
218	0901	1602										1102	2402	3802	5101	0702	0704V
219	0901	1602					03	05				11	24	38	51		
230	0901	1602	40103	50101	0102	0302/3	0303	0502	0501	BLANK		1102	2402	3802	5101	0702	0704
239	0901/6	1602/11	40103	50101	0102	0302	0303	0502				11	24	38	51		

DNA #565

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
278	0901	1602	40103	50101	0102	03	0303	0502	0501	BLANK	1102	2402/58	3802/15	5101	07	0704
291	09	1602/11	401	501	0102	0302	0303/15	0502			11	24	3802/15	51	07	07
401											1101/2	2402/63	3802	5101	0702	0704V
452	0901	1602	40103	BLANK			0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704V
519	0901	1602					0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702/50	0704V/11
615	090102	160201	401	50101	01	03	030302	050201	0501	BLANK						
616	09	16														
635	09	16	4	5			03	05			11	24	38	51	07	07
642																
702	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704
714	0901	1602					0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704V
726	0901	1602					0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
732	090102	160201	4010301	5010101			0303	0502			110201	240201	380201	510101	0702/50	0704V/11
743	09	16	4	5			03	05			NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0901	1602					0303	0502			1101/2	24	3802	5101	0702/50	0704V/11
1018	0901	1602	4	5			0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704V/11
1113	0901	1602/11	40103	50101			0303/20	0502/5	0501	BLANK	1102	2402/20	3802	5101/55	0702	0704
1189	09	1602/11	401	501			0303	0502			11	24	38	51	07	07
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																
1498	0901	160201	40103	5010101	0102	0302	0303/20	0502/5			11	24	38	51	07	07
1647	09	16	4	5			03	05			11	24	38	51	07	07
1686																
1905	0901	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704V
2004	0901	1602	40103	5010101	0102	0302	0303	050201			1102	2402	3802	5101	0702	0704
2013	0901	1602	401	501			0303	0502			11	24	3802/15	51	07	07
2015																
2019	0901/6	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704
2063	0901	1602	401	501			03	0502/05								
2411	09	16									11	24	38	51		
2518	0901	1602	NT	NT			0303	0502			1102	2402	3802	5101	07	07
2549	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303/15	0502	0501	BLANK	1101/2	2402/63	3802	5101	0702	0704V
3248	0901	1602	40103	50101			0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704V
3261	0901	1602	4	5			0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
3324	0901	1602	401	501	0102	0302/3	0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702/50	0704/11
3325	0901	1602	401	501	0102	0302	0303	0502			1101/2	2402	3802	5101	0702	0704
3410	0901	1602					0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704V
3438																
3522	0901	1602					0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704V
3548	0901	1602	40103	50101			0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
3582	09	16	401	501	0102	03	NT	NT	NT	NT	11	24	38	51	NT	NT
3600	09	16	4	5			03	05			11	24	38	51	07	07
3614	0901	1602					0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
3625	0901	1602	401	501	0102	03	0303	0502	0501	BLANK	1101/2	2402/63	3802	5101	0702	0704/11
3631	0901	1602	40103	50101	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704
3798	090102	160201	40103	50101	01	03	030302	0502	0501	BLANK	110201	240201	380201	510101	0702/50	0704V
3807	0901	1602	4	5	0102	0302	03	0502/5	0501	BLANK	11	24	3802	51	0702	0712
3849	0901	1602	401	50101	0102	03	0303	0502			11	24	3802/15	51	07	07
4237	0901	1602	40103	50101			0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
4281																
4336	0901/4	1601/2					0303	0502			1101/2	2402/63	3802	5101	0702/50	0704V/11
4349	0901	1602	401	501			0303	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
4420	0901	1602									1102	2402	3802	5101	0702	0704
4545	0901	1602	401	501	0102	0302	0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	07	07
4551	0901	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704
4582	0901	160201	401	50101			0303/15	0502			1102	2402	3802	5101	0702	0704
4585	09	16					03	05			11	24	38	51	07	07
4613																
4623																
4653	090102	160201					0303	0502			110201	240201	380201	510101	0702/50	0704/11
4709	0901	1602					03	0502/5			11	24	38	51	07	07
5204											11	24	38	51	07	07
5365	0901	1602	40103	50101	0102	03	0303	0502			11	24	38	51	07	07
5720	0901	1602	40103	50101			0303	0502	0501	BLANK	1102	2402	3802	5101	0702	0704V
5982	090102	160201					030302	050201	0501	BLANK	110201	240201	380201	510101	070201	0704V
6051	0901	1602	401	501			0303g	0502g	0501	BLANK	11	24	38	51	07	07
6313	090102	160201					0303/15	050201			11	24	3802/15	51	07	07
9221	0901	1602	4	5			03	05			11	24	38	51	07	07

DNA #566

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1	A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	03	13	301	302	05	05	02	03				33	33	15	52	14	16
16	030101	130301	30101	30202	05	05	0201/05	0301/19	010101	1301		3301	330301	1516	520102	1402	1601
61																	
80																	
124	03	13	30101	30202	0501	05	0202	0301/19	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
131	03	13	3	3			02	03				33	33	15	52	14	16
134	0301	1303	30101	30202			0201	0301/19	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
138	0301	1303					0201	0301				3301	3303	1516	5201	1402	1601
139	03	13	301	302								33	33	15	5201		
142	0301	13	301	302			02	0301				33	33	1516	52		
144	0301	1303					0201	0301				3301	3303	1516	5101	1402	1601
145	0301	1303					0201	0301				33	33	15	52	14	16
147	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
148	03	1303/66										33	33	15	52	14	16
151	0301	1303	3	3								3301	3301/3	1516	5201	1402	1601
152	03	13										33	33	1516/67	52		
153	03	13	3	3			02	03				33	33	15	52	14	16
155	0301	1303	30101	30202	0501	0505	0201	0301				3301	3303	1516	5201	1402	1601
156	0301	1303										3301	3303	1516	5201	1402	1601
158	0301	1303	30101	30202			0201	0301	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
160	0301	1303	30101	30202			0201	0301				3301	3303	1516	5201	1402	1601
162	030101	130301					0201g	030101g				3301	330301	1516	520102	1402	1601
163	NT	NT												NT	NT	NT	NT
164	03	13										33	33	15	52		
166	0301	1303	30101	30202	0501	0505	0201	0301	0101	1301		33	33	58	52	14	16
167	030101	130301										3301	330301	1516	520102	1402	1601
168	03	13										33	33	15	52		
170	0301	1303	30101	30202			0201	0301				33	33	15	5201	14	16
171	0301	1303	30101	30202	0501	0505	0201	0301				33	33	15	52	14	16
173	03	13			05	05	02	03				33	33	15	52		
174	03	13										33	33	15	5201		
175	0301	1303					0201	0301				3301	3301/3	1516	5201	14	16
176	03	13										33	33	15	52		
179	03	13	3	3	05	05	0201	0301/13				3301	3303/15	1516	520102	1402	1601
180																	
185	030101	130301					020101	03				3301	330301	1516	520102	1402	1601
186	0301	1303	30101	30202	0501	0505	0201	0301	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
187	0301/28	1303					03	0303				33	33	15	5201		
188	0301	1303															
189	0301	1303	30101	30202			0201	0301/19				3301	3301/3	1516	5201	1402	1601
190	03	13	3	3			02	03				33	33	15	52	14	16
192	0301	1303	30101	30202			0201	0301				3301	3303	1516	5201	1402	1601
193	03	13										33	33	15	5201		
194	NT	NT	NT	NT								NT	NT	NT	NT	NT	NT
195	0301	1303	30101	30202			0201	0301	0101	1301/02		3301	3303	1516	5201	1402	1601
196																	
197	0301	1303	301	302	0501	0505	0201	0301	0101	1301g		3301	3303	1516	5201	1402	1601
199	03	13	3	3			02	03									
201	0301	1303	30101	30202			0201	0301				3301	BLANK	1516	5201	1402	1601
203	0301	1303	3	3			02	03				33	33	15	52	14	16
204	0301	1303										3301	3303	1516	5201	1402	1601
205	0301	1303	301	302	0501	0505	0201	0301	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
206	03	13										33	33	15	52		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	03	13										33	33	15	52		
209	0301	1303/33	30101	30202			02	03				33	33	15	52	14	16
210												3301	3303/15	1516	520102	140201	160101
211	0301	1303/1333	301	302	0501	05	0201	03	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
212	030101	130301	3010102	3020201			020101	0301/19	010101	1301		3301	330301	1516	520102	140201	160101
213																	
214												3301	330301	1516	520102	1402	1601
215	NT	NT	NT	NT													
216	0301	1303					0201	0301				3301	3303	1516	5201	1402	1601
217	03	13															
218	0301	1303										3301	3303	1516	5201	1402	1601
219	0301	1303					02	03				33	33	15	52		
230	0301	1303	30101	30202	0501	0505/9	0201	0301	0101	1301		3301	3303	1516	5201	1402	1601
239	03	1303	30101	302	0501	0505	0201	03				33	33	15	52		

DNA #566

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus							
278	03	1303	30101	30202	05	05	0201	0301/19	0101	1301	3301	BLANK	1516/67	5201	1402	1601
291	03	13	301	302	0501	05	0201/4	03			33	33	1516/67	5201	14	1601/8
401											3301	3303	1516	5201	1402	1601
452	0301	1303	30101	30202			0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
519	0301	1303					0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
615	030101	130301	30101	3020201	05	05	020101	0301/19	010101	1301						
616	03	13														
635	03	13	3	3			02	03			33	33	15	52	14	16
642																
702	0301	1303	30101	30202	0501	0505	0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
714	0301	1303					0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
726	0301	1303					0201	0301			3301	BLANK	1516	5201	1402	1601
732	030101	130301	30101	3020201			0201	0301/19			3301	330301	1516	520102	1402	1601
743	03	13	3	3			02	03			NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0301	1303					0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
1018	0301	1303	3	3			0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
1113	03	1303/33	301	302			0201	0301/19	0101	1301	3301	33	1516	5201	1402	1601/11
1189	03	13	301	302			02	0301/19			33	33	1516/67	5201	14	16
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251																
1498	0301	1303	30101	302	050101	0505	0201	0301/19			33	33	15	52	14	16
1647	03	13	3	3			02	03			33	33	15	52	14	16
1686																
1905	0301	1303	30101	302			0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
2004	0301	1303	30101	30202	0501	0505	0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
2013	0301	1303	301	302			0201	0301/19			33	33	1516	5201	14	1601/8
2015																
2019	0301	1303/33	30101	302			0201	0301/19	0101	1301	3301	3303/12	1516	5201	1402	1601
2063	0301	1303/33	301	302			02	03								
2411	03	13									33	33	15	52		
2518	03	13	301	302			02	03			33	33	15	52	14	16
2549	0301	1303	30101	302	0501	0505	0201	0301/21	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
3248	0301	1303	30101	30202			0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
3261	0301	1303	3	3			0201	0301/19			3301	3303	1516	5201	1402	1601
3324	0301	1303	301	302	05	05	0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
3325	0301	1303	301	302	0501	0505/8	0201	0301			3301/3	3301/3	1516	5201	1402	1601
3410	0301	1303					0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
3438																
3522	0301	1303					0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
3548	0301	1303	30101	30202			0201	0301/19			3301	3303	1516	5201	1402	1601
3582	03	13	301	302	0501	05	NT	NT	NT	NT	33	33	15	5201	NT	NT
3600	03	13	3	3			02	03			33	33	15	52	14	16
3614	0301	1303					0201	0301/19			3301	3303	1516	5201	1402	1601
3625	0301	1303	301	302	05	05	0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	030101	130301	30101	302	05	05	0201	03	0101	1301	3301	3303	1516	520102	140201	160101
3807	0301	1303	3	3	0501	0505	0201/05	03	0101	1301	0201	BLANK				
3849	0301	1303	301	302	05	05	0201	0301			33	33	15	52	14	1601/8
4237	0301	1303	30101	30202			0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
4281																
4336	0301	1303					0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
4349	0301	1303	301	302			0201	0301			3301	3303	1516	5201	1402	1601
4420	0301	1303/12									3301	3303	1516	5201	1402	1601
4545	0301	1303	301	302	0501	0505	0201	0301	0101	1301	0201/2	BLANK				
4551	0301	1303	30101	30202			0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
4582	0301	1303	30101	30202			0201	0301			3301	BLANK	1516	5201	1402	1601
4585	03	13					0201	03			33	33	1516	52	14	16
4613																
4623																
4653	030101	130301					0201	0301			3301	330301	1516	520102	140201	160101
4709	0301	1303					02	03			33	33	15	5201	14	16
5204											33	33	15	52	14	16
5365	0301	1303	30101	30202	0501	05	0201	0301			33	33	15	52	14	16
5720	0301	1303	30101	30202			0201	0301	0101	1301	3301	3303	1516	5201	1402	1601
5982	030101	130301					020101	030101	010101	1301	3301	330301	1516	520102	1402	1601
6051	0301	1303	301	302			02	0301g	0101	1301	33	33	1516g	52	14	16
6313	0301/15	1303/33					02	03			33	33	1516/67	5201	14	16
9221	0301	1303	3	3			02	03			33	33	15	52	14	16

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	OL_RSSOP	OL_RSSOP	OL_RSSOP	OL_RSSOP			OL_RSSOP	OL_RSSOP	OL_RSSOP
16	RSSOP-OL/SBT-Inhouse	RSSOP-OL/SSPInvitrogen	RSSOP-OneLambda,	RSSOP-OneLambda,	RSSOP-OL/SBT-Inhouse		RSSOP-OneLambda,SBT-Inhouse	RSSOP-OneLambda,SBT	RSSOP-OL/SBT-/SSPInvitrogen
61									
80									
124	SBT	SBT	SSOP	SSOP/SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP/SSOP	SSP/SSOP		SSP/SSOP			SSP/SSOP	SSP/SSOP	SSP/SSOP
134	SBT-ATRIA/SSP-GV	SSP-OLRP-GV		SSP	SBT-ATRIA/SSP-GV		SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV	SBT-ATRIA/SSP-GV
138	SBT/SSP/SSOP			SSP/SSOP			SBT/SSP/SSOP	SBT/SSP/SSOP	SBT/SSP/SSOP
139	Tepnel-Luminex	Tepnel-Luminex					Tepnel-Luminex	Tepnel-Luminex	
142									
144	PCR-SSP/SBTProtrans			SSP/SBTProtrans			SSP/SBTProtrans	SSP/SBTProtrans	SSP/SBTProtrans
145	SSOP-OL/SSP-GV			SSP-GV			SSOP-OL	SSOP-OL	SSP-GV
147	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP/SSP	SSP	SSOP/SSP	SSP		SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP	SSOP-OL/SSP-OLRP
148	R-SSO(Invitrogen)						R-SSO(Invitrogen)	R-SSO(Invitrogen)	R-SSO(Invitrogen)
151	SBT	SSP					SSP/SBT/SSOP	SSP/SBT/SSOP	SSP/SBT/SSOP
152	SSP-OL						SSP-OL	SSP-OL	
153	SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV		SSOP-DYNL/SSP-GV			SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV	SSOP-DYNL/SSP-GV
155	SBT	SBT	SBT	SBT					
156	SBT-ATRIA/SSP-GV						SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
158	SSP-INVTVG	SSP-INVTVG		SSP-OL	SSP-INVTVG		SSP-INVTVG	SSP-INVTVG	SSP-INVTVG
160	SSP-DYNL/SBT-ATRIA	SSP-DYNL/SBT		SSP-DYNL/SBT			SBT-ATRIA/SSP-OLRP	SBT/SSP	SBT/SSP
162	SBT/SSP-BIOSWMM			SBT/SSP-BIOSWMM			SBT/SSP-BIOSWMM	SBT/SSP-BIOSWMM	SBT/SSP-BIOSWMM
163	SBT-Atria						SSPGenovisionlow		SBT-Atria
164	LiPAHLATypingtest						LiPAHLATypingtest	LiPAHLATypingtest	
166	SSP-GV	SSP	SSP	SSP	SSP		SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP
167	SSP/SSOP/SBT-OL						SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SSOP/SBT-OL	SSP/SBT-OL
168									
170									
171	SSP-OL-DYNL	SSP-OL-DYNL	SSP-DYNL	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
173									
174	SSOP-OL						SSOP-OL	SSOP-OL	
175	SSOP-0DYNL/SBT-INVTVG			SSOP/SSP			SSOP-DYNL/SSP-INVTVG	SSOP/SSP	SSOP
176	SSOP-CAPITALBIO						SSOP	SSOP	
179	SBT	SSP	SBT	SSOP/SSP			SBT	SBT	SBT
180									
185	In-houseHLASBT			In-houseHLASBT			In-houseHLASBT	In-houseHLASBT	In-houseHLASBT
186	SSOP/SSP	SSP	SSP	SSOP/SSP	SSP		SSOP/SSP/SBT	SSOP/SSP/SBT	SSOP/SSP/SBT
187	SSP			SSP			SSOP	SSOP	
188	SSOP/SSP/SBT								
189	SSP	SSP		SSP			SSP/SSOP	SSP/SSOP	SSP/SSOP
190	SSP-OLRUP	SSP-OLRUP		SSP-OLRUP			SSP-OLRUP	SSP-OLRUP	SSP-OLRUP
192	SSP/SBT	SSP		SSP/SBT			SSP/SBT	SSP/SBT	SSP/SBT
193	SSOP-OL						SSOP	SSOP	
194									
195	SSOOL/SSPOlerup	SSPOlerup		SSOOL/SSPOlerup	SSPOlerup		SSOOL/SSPOlerup	SSOOL/SSPOlerup	SSOOL/SSPOlerup
196									
197	SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP		SBT/SSOP	SBT/SSOP	SBT/SSOP
199									
201	SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen		Protrans-DQB1			SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen;Olerup	SSP-Invitrogen
203	SSP-OneLambda	SSP-OneLambda		SSP-OneLambda			SSP-OneLambda	SSP-OneLambda	SSP-OneLambda
204									
205	SSOP/SBT	SSOP	SSP	SSOP/SBT	SSP		SSOP/SBT/SSP	SSOP/SBT/SSP	SSOP/SBT/SSP
206	SSOP-OL						SSOP-OL	SSOP-OL	
207	SSP/SSOP	SSP		SSP/SSOP	SSP		SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT	SSP/SSOP/SBT
208	SSP-OLRUP						SSP-OLRUP	SSP-OLRUP	
209	SSP-OLRUP	SSP-OLRUP		SSOP/SSP-OL			SSOP-INV/SSP-OLRP	SSOP/SSP-OLRP	SSOP-INVTVG/SSP-OL
210							SBT	SBT	SBT
211	SSOP-OL+SSP/Olerup	Luminex/1lambda	Luminex/1lambda	SSOP-OL+SSP/Olerup	SSOP-OL+SBT/inhouse		SSOP-OL+SBT/inhouse	SSOP-OL+SBT/inhouse	SSOP-OL+SBT/inhouse
212	SBT	SBT		SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
213									
214									
215									
216	SBT/SSP-OL			SBT/SSP			SBT-ATRIA/SSP-INV	SBT-ATRIA/SSP-INV	SBT-ATRIA/SSP-INV
217	SSPHISTOTYPEDR.0738R1								
218	SBT						SBT	SBT	SBT
219	SSPInvitrogen			SSPInvitrogen			SSP-Invitrogen	SSP-Invitrogen	
230	SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP		SSOP/SSP	SSOP/SSP	SSOP/SSP
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-GV	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	

