

UCLA INTERNATIONAL HLA DNA EXCHANGE



86TH SUMMARY

NOVEMBER 28, 2007

JOHN MURAMOTO, CHS / CERT. GENETIC MB SCI.
J. MICHAEL CECKA, PH.D
ELAINE F. REED, PH.D

DNA Sample	
#537	#538
#539	#540
#541	#542

DNA #537 FILP

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2407	2410	236/236	168/171	93/100
B*	1802	3505	236/236	158/159	98/100
Cw*	0401	0704	201/202	129/129	46/90
DRB1*	1202	1502	236/236	176/177	89/100
DRB3*	0301		77/77	70/71	10/11
DRB4*					
DRB5*		0108N	76/76	58/60	9/11
DQA1*	0101	0601	60/60	45/45	2/6
DQB1*	0301	0501	202/202	167/167	51/56
DPB1*	0201	1301	68/68	68/68	28/28
DPA1*	0103	0201	6/6	5/5	

Agreement for this sample was greater than 95%. This sample was previously sent as DNA #388 (10.08.2003) and #398 (12.03.2003). In previous samples, consensus was A*2407 (95%,100%); A*2410 (98%,99%) and DRB5*0108N (85%,97%) respectively. With this sample, consensus values remain unchanged for A*2410 (99%) and DRB5*0108N (97%) while A*2407 decreased to 98%. This sample contains DRB5*Null. DRB5*0102 and DRB5*0108N are identical in exon 2, however there is a 19 nucleotide deletion between codon 161 and 168 in exon 3.

M. Fernandez-Vina commented that DRB5*0108N is found in Asians, possibly found only in Filipinos forming the haplotype, DRB1*1502-DRB5*0108N-DQB1*0502.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	2402/3.	Not excluded:	2419/46.
B*:	3501/32.	Not excluded:	1822, 3530.
Cw*:	Blank.	Not excluded:	0408/9N/10, 0711.
DRB1*:	1203/13.	Not excluded:	1213, 1514/15/19.
DRB5*:	0101, 0102.	Not excluded:	5*0102.

DNA 538 HISPANIC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0201	2425	232/232	138/141	89/100
B*	3501	3512	232/232	140/142	78/100
Cw*	0401		99/99	61/61	27/45
DRB1*	0802		115/115	91/91	49/50
DRB3*					
DRB4*					
DRB5*					
DQA1*	0401		28/28	19/19	1/3
DQB1*	0402		98/98	81/81	27/27
DPB1*	0402		33/33	32/32	14/14
DPA1*	0103		1/1	1/1	

Agreement for this sample was greater than 95%. This sample was previously sent as DNA #339 (06.05.2002). In 2002, consensus was A*2425 (94%), Cw*0401 (97%). Consensus is now A*2425 (96%) and Cw*0401 (100%).

This sample contains two distinct B*35 alleles. Consensus for B*3501 is 99%, B*3512 is 99%.

M. Fernandez-Vina commented that B*3512 is only found in natives from Mexico. Two labs commented that this sample failed to amplify.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	2402/11N/40.	Not excluded:	0263, 2411N.
B*:	3504/54.	Not excluded:	3504/32/42/57/68.
Cw*:		Not excluded:	0409N.
DRB1*:		Not excluded:	0804.

DNA #539 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2402	3303	232/232	139/139	85/100
B*	5703	8101	231/232	156/156	73/100
Cw*	0804	1802	198/198	134/140	63/90
DRB1*	0301	1602	233/234	179/181	95/100
DRB3*	0202		75/76	59/59	10/11
DRB4*					
DRB5*		0202	75/75	59/60	10/11
DQA1*	0102	0501	58/58	48/48	1/6
DQB1*	0201	0502	200/200	160/160	53/56
DPB1*	0201	8501	68/72	68/72	30/30
DPA1*	0103	0202	4/4	3/3	

Agreement for this sample was greater than 90%. This sample was previously sent as DNA #407 (03.21.2004). In 2004, consensus was Cw*0804 (94%), Cw*1802 (94%) and DPB1*8501 (51%). Cw* consensus remains unchanged Cw*0804 (94%) and Cw*1802 (93%). At DPB1*, consensus increased to 92%.

At Cw*1802, 37% (26/70) of labs reporting high resolution results could not exclude Cw*1801. At B*8101, 43% (32/74) of labs could not exclude B*8102.

M. Fernandez-Vina commented that the B*-Cw* haplotypes; B*5703-Cw*1802 and B*8101-Cw*0804 are only found in Africans. 40% of haplotypes from African Americans bearing B*5703 also include Cw*1802, Cw*0804 is found in approximately 15% of the haplotypes bearing B*8101.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 2403, 3306/10.
B*:	Not excluded: 5701, 8102.
Cw*:	Not excluded: 1801.
DRB1*:	Not excluded: 0306/28/32, 1610/11.
DPB1*:	Not excluded:

DNA #540 HISPANIC

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	2601	6803	230/230	141/141	93/100
B*	1401	3548	230/230	149/155	95/100
Cw*	0702	0802	194/194	120/120	65/90
DRB1*	0407	0701	232/232	178/178	99/100
DRB3*					
DRB4*	0101	0103	151/152	115/115	20/22
DRB5*					
DQA1*	0201	0301	56/56	44/44	2/6
DQB1*	0202	0302	196/196	155/155	51/54
DPB1*	0401	1401	68/68	68/68	32/32
DPA1*	0101	0201	4/4	3/3	

Agreement for this sample was greater than 95%, except at B*35. This was the first B*3548 sent out in any Exchange. B*3548 consensus is 91%. B*3548 was first described (12.15.2003) in a Hispanic donor. This sample shares Cw*0702-DRB1*0407 with the reference sample. The polymorphism between B*3501 and B*3548 occurs in exon 3, position #368 (A-C).

At DRB4*, 18 labs using two different companies' SSP trays reported an ambiguity (DRB4*0101, DRB4*0103 or DRB4*0301N, DRB4*0103). Using another company's SSP tray, the pattern for DRB4*0301N is distinct and negative.

M. Fernandez-Vina commented that the haplotype A*2601-B*1401-Cw*0802-DRB1*0701-DRB4*0101-DQB1*0202 is well conserved in Caucasians. The haplotype DRB1*0407-DRB4*0103-DQB1*0302 is common in Mexican natives and found in nearly all Native Americans. A*6803 is found only in subjects with Mexican ancestry.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	Not excluded: 6824.
B*:	Not excluded: 1407, 3501.
Cw*:	Not excluded: 0717/50, 0807.
DRB1*:	Not excluded: 0703/7/10/12.

DNA #541 BLACK

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	3402	7401	224/224	133/134	73/98
B*	1531	5801	222/222	144/144	74/96
Cw*	0210	0407	188/188	127/131	83/88
DRB1*	0701	1503	226/226	171/172	96/98
DRB3*					
DRB4*	01030102N		71/73	47/59	6/10
DRB5*		0101	72/72	56/56	10/10
DQA1*	0102	0201	48/50	43/45	7/8
DQB1*	0303	0602	180/180	142/142	47/52
DPB1*	0201	0602	58/58	57/57	30/30
DPA1*	0103	0301	52/52	47/47	3/6

Agreement for this sample was greater than 95%, except at DRB4*0103N and Cw*0210. Correct nomenclature for DRB4*0103N is DRB4*01030102N. In previous samples (#174, 9/1997) and (#188, 4/1999) containing DRB4*01030102N, the consensus was 58% and 75%, respectively. With this sample, consensus is now 80%. Also, in previous samples (#504, 4/2006) and (#515, 3/2007) containing Cw*0210, the consensus was 68% and 78%, respectively. With this sample, consensus is now 94%.

M. Fernandez-Vina commented that B*1531 is found in approximately 1/600 subjects with an African American background. Cw*0210-B*5801 is found in less than 2% of African Americans.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	3404.	Not excluded:	3404, 7402.
B*:		Not excluded:	5809/11.
Cw*:	0202, 0401.	Not excluded:	0202/10.
DRB1*:	1501.	Not excluded:	0710/12, 1501.
DQB1*:	0302.	Not excluded:	0312, 0611/19/33.

DNA #542 ASIAN

	ALLELE		AGREEMENT (n/total)		SBT LABS
	#1	#2	low	high	Allele level
A*	0206	3303	226/226	142/143	94/98
B*	4403	5401	226/226	144/144	91/98
Cw*	0102	0706	187/188	104/107	48/86
DRB1*	0701	1501	227/227	161/162	92/98
DRB3*					
DRB4*	0103				
DRB5*		0101			
DQA1*	0102	0201	54/54	49/49	3/6
DQB1*	0202	0602	191/192	153/153	50/52
DPB1*	0201	0402	66/66	66/66	30/30
DPA1*	0103		3/3	2/2	

Agreement for this sample was greater than 95%. This sample is from a Korean donor. This sample was previously sent as DNA #478 (03.15.2006). In 2006, Cw*0706 was 83%. Consensus is now 93%.

M. Fernandez-Vina commented that this sample carries the well-conserved Asian haplotype, A*3303-B*4403-Cw*0706-DRB1*0701-DRB4*0103-DQB1*0202. Cw*0706 seems to associate only with B*440302.

Discrepancies or ambiguities reported:

A*:	0201.	Not excluded:	3301/6.
B*:		Not excluded:	4407/47, 5402/5/8/13.
Cw*:	0701.	Not excluded:	0111/17, 0718/40.
DRB1*:	1322.	Not excluded:	0709/12, 1503.

ACKNOWLEDGMENT:

The UCLA Immunogenetics Center expresses its thanks to the following for contributing to this Exchange: OneLegacy and all organ and tissue donors and families for giving the gift of life and the gift of knowledge by their generous donation to the education and advancement of the study of HLA.

DNA #537

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	12	15	303	501	01	06	0301	0501					24	24	18	35	04	07
16	120201	150201	30301	50108N	01	06	0301/19	0501	020102	1301	NT	NT	2407	2410	1802	3505	0401/09	0704/11
61	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	18	35	04	07
80	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
124	1202	1502	30301	501			0301/19	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401/9	BLANK
131	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
134	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
138	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
139	12	15	303	5									24	2410	1802	3505		
142	12	15	303	501			0301	05					24	24	18	35		
144	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704/11
145	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					24	24	18	35	04	07
147																		
148	1202	1502	30301	50108N			0301/19	0501	NT	NT			2407	2410	1802	3505	0401	0704/11
151	1202	1502	3	5									2407	2410	1802	3505	0401	0704
152	12	15											24	24	18	35		
153	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
155																		
156	1202	1502/19											2407	2410	1802	3505	0401	0704
158	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
160	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
162	120201	150201					0301	050101					2407	2410	1802	3505	0401	0704
163	12	15	3	5			0301	0501					2407	2410	1802	3505		
164	12	15											24	24	18	35		
166	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301			24	24	18	35	04	07
167	1202	1502											2407	2403	1802	3505	0401	0704
168	12	15											2407	2410	1802	35		
170	1202	1502/19	30301	50108N			0301/19	050101					2407	2410	1802	3505	04	07
171	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501					24	24	18	35	04	07
173	12	15			01	0601	0301/9	0501					24	24	18	35		
174	1202/13	15											2407	2410	18	35		
175	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	04	07
176	12	15											24	2410	18	35		
179	12	1502/15	3	NT	01	0601/2	0301/13	050101					2407	2410	1802	3505	04	0704/11
180	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
185	120201	150201					030101	050101					2407	2410	1802	3505	04	07
186	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
187	1202	1502					0301	0501					2407	2410	18	35		
188													2407	2410	1802	3505	0401	0704
189	1202	1502	30301	501			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11
190	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
191	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
192	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
193	1202/13	15											2407	2410	18	35		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
196																		
197	1202	1502	30301	501	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
199	12	15	3	5			03	05										
201	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					24	24	18	35	04	07
203	1202	1502	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
204	120201	150201											2407	2410	1802	3505	040101	070401
205	1202	1502	30301	501	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
206	12	15											24	24	18	35		
207	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
208	12	15											24	24	18	35		
209	120201	1502	30301	50108N			03	05					24	24	18	35	04	07
210																		
211	1202	1502	30301	501			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	04	0704/11
212	120201	150201											2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11
213	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
216	12	15					03	0501					2407	2410	18	35	04	07
230	1202	1502	30301	50108N	01	06	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
239	1202/13	1502/14	30301	50108N	0101	0601	0301/14	0501					24	24	18	35		
278	1202	1502	30301	50108N	01	0601/2	0301	0501	NT	NT			2407	2410	1802	3505	04	0704
291	1202/13	15	303	501	0101	0601	0301/13	0501					2407	2410	1802	3505/30	04	07
401													2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11

DNA #537

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
452	1202	1502					0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
519	1202	1502/19					0301/9	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11
615	120201	150201	3030101	501	01	06	0301/19	050101	020102	1301								
616	12	15																
635																		
642	120201	150201											2407	2410	1802	3505		
702	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
714	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
726	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
732	120201	150201	3030101	50108N			0301/14	050101					2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11
743	12	15	3	5			0301	0501					24	24	18	35	04	07
805	1202/13	1502					0301/19	0501					24	24	18	35	04	07
1018	1202	1502	3	5			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
1113	1202	1502/19	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
1189	1202/13	1502	30301	50108N			0301/19	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
1212	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
1251	120201	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
1498	1202	150201	30301	50108N	0101	0601	0301	0501					2407/19	24	18	35	04	07
1647	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
1686																		
1905	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
2004	120201	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501					24	24	18	35	04	07
2013	1202	1502	303	501			03	05					24	24	18	35	04	07
2015													2407	2410	1802	3505	0401	0704
2019	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
2063	1202	1502/19	30301	501			03	0501										
2411	12	15					03	05					24	24	18	35		
2518	1202	1502	NT	NT			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
2549	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	03	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
3248	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
3261	1202	1502	3	5			0301/19	0501					2407	2410	1802	3501/32	0401	0704
3324	1202	1502/19	303	50102	0101	0601	0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11
3325	1202	1502	303	501	0101	0601	0301	0501					2407	2410	1802	3505		
3410	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
3438																		
3522	1202	1502			0101	0601	0301/13	0501					2402/3	2410/46	1802	3505	04	07
3548	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401/8	0704
3582	1202	1502	30301	501			03	0501	FTA	FTA			2407	2410	1802	3505	0401/9	0704/11
3600	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07
3614	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
3625	12	15			0101	06	0301	0501	0201	1301	01	0201	2407	2410	18	35	0401/10	0704
3631	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301	0103	0201	2407	2410	1802	3505	0401	0704
3798	1202	1502	30301	50108N	01	06	0301/19	0501					2407	2410	1802	3505	0401/9	0704
3807	1202	1502	30201	50101	010101	060101	030101	0501	020102	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
3849	1202	1502	303	501	01	0601/2	0301	0501					2407	2410	1802	3505/30	04	07
4237	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
4281																		
4336	1202	1502					0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401/09	0704/11
4349	1202	1502	303	50108N			0301	0501					2407	2410	1802	3505	0401	0704
4420	1202	1502											2407	2410	1802	3505	0401	0704
4545	1202	1502	30301	50108N	0101	0601	0301	0501	0201	1301	0103	0201	2407	2410	1802	3505	04	0704/11
4551	12	15	NT	NT			03	05	NT	NT			24	24	18	35	04	07
4582	120201	1502	30301	501			0301	050101					2407	2410	1802	3505/51	0401	0704
4585	12	15					03	0501					24	24	1802	35	04	07
4613																		
4623	120201	150201					0301	0501	020102	1301			2407	2410	1802	3505	04	07
4653	120201	150201					0301	0501					2407	2410	1802	3505	04	07
4709	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
5204													2402	2410	1802	3505	0401	0704
5365	1202	1502	30301	50108N			0301	0501					24	24	18	35	04	07
5720	1202	1502	30301	50108N			0301	0501	0201	1301			2407	2410	1802	3505	0401	0704
5982	120201	1502/19					030101	050101	020102	1301			2407	2410	1802	3505	040101	070401
6051	1203/13	15	30301	501			0301/9	0501	0201	1301			24	24	1802/22	35	04	0704/0711
6313	1202	1502/19					03	0501					2407	2410	1802	3505	04	07
9221	12	15	3	5			03	05					24	24	18	35	04	07

DNA #538

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus					
7	08	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
16	080201	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0201/83	2425	3501/42	3512	0401/09	BLANK
61	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	24	35	35	04	BLANK
80	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
124	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK				
131	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	0201	2425	3501/42	3512	0401	BLANK
134	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK				
138	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
139	08	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	3512/32		
142	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35		
144	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
145	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
147														
148	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK				
151	0802	BLANK	BLANK	BLANK					0201	2425	3501/42	3512	0401	BLANK
152	08	BLANK	BLANK	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
153	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
155														
156	0802	BLANK	BLANK	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
158	0802	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	0402	BLANK				
160	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	24	3501	3512	0401	BLANK
162	080201	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
163	08	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501/42	3512	0401	BLANK
164	08	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
166	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			04	BLANK
167	0802	BLANK	BLANK	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
168	08	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
170	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
171	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
173	0802	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	02	24	35	35		
174	0802	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
175	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501	3512	04	BLANK
176	08	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
179	0802	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	02	2425	35	3512	0401/9	BLANK
180	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0401	BLANK
185	080201	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	02	2425	35	3512	04	BLANK
186	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
187	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	02	24	35	35		
188									0201	2425	3501/42	3512	0401	BLANK
189	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
190	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
191	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0401	BLANK
192	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
193	0802	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
194	NT	NT	NT	NT					NT	NT	NT	NT		
195	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0201	2425	3501/57	3512	0401	BLANK
196														
197	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0401	BLANK
199	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
201	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
203	0802	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
204	080201	BLANK	BLANK	BLANK					0201	2425	3501	3512	040101	BLANK
205	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0401	BLANK
206	08	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
207	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0401	BLANK
208	08	BLANK	BLANK	BLANK					02	24	35	35		
209	0802	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
210														
211	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			04	BLANK
212	080201	BLANK	BLANK	BLANK					020101	2425	350101	3512	0401/9	BLANK
213	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0401	BLANK
216	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	02	24	35	35	04	BLANK
230	0802	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	04	BLANK			0401	BLANK
239	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	02	24	35	35		
278	0802	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	NT	NT			04	BLANK
291	0802/4	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	02	24	35	3512	04	BLANK
401									0201	2425	3501/42	3512	0401/9	BLANK

DNA #538

CENTER	DRB1	DRB3/4/5			DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
452	0802	BLANK					0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
519	0802	BLANK					0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501/42	3512	0401/9	BLANK
615	080201	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK								
616	08	BLANK																
635																		
642	080201	BLANK					0402	BLANK	0402	BLANK			020101	2425	350101	3512		
702	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
714	0802	BLANK					0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
726	0802	BLANK					0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
732	080201	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					020101	2425	3501/42	3512	0401/9	BLANK
743	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
805	0802	BLANK					0402	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
1018	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
1113	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
1189	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2411/40	3501/68	3512	0401	BLANK
1212	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2411N	35	35	0401	BLANK
1251	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
1498	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
1647	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
1686																		
1905	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
2004	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
2013	0802	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
2015													0201	2425	3501/42	3512	0401	BLANK
2019	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2402/25	3501/68	3512	0401	BLANK
2063	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK										
2411	08	BLANK					04	BLANK					02	24	35	35		
2518	0802	BLANK	NT	NT			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
2549	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
3248	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
3261	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
3324	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			0201/83	2425	3501/42	3512	0401/9	BLANK
3325	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK					0201	2402	3501	3512		
3410	0802	BLANK					0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
3438																		
3522	0802	BLANK			0401	BLANK	0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	04	BLANK
3548	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
3582	FTA	FTA	FTA	FTA			FTA	FTA	FTA	FTA			02	2425	35	3512	0401/9	BLANK
3600	08	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
3614	0802	BLANK					0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
3625	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	0802	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401/9	BLANK
3807	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK			020101	24	3554	3512	0401	BLANK
3849	0802	BLANK	BLANK	BLANK	04	BLANK	0402	BLANK					02	2425/45	35	35	04	BLANK
4237	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
4281																		
4336	0802	BLANK					0402	BLANK					0201/83	2425	3501/42	3512	0401/09	BLANK
4349	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
4420	0802	BLANK											0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
4545	0802	BLANK	BLANK	BLANK	0401	BLANK	0402	BLANK	0402	BLANK	0103	BLANK	0201	2425	3501/42	3512	04	BLANK
4551	08	BLANK	NT	NT			04	BLANK	NT	NT			02	24	35	35	04	BLANK
4582	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
4585	08	BLANK					0402	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK
4613																		
4623	080201	BLANK					0402	BLANK	0402	BLANK			02010101	2425	3501/42	3512	04	BLANK
4653	080201	BLANK					0402	BLANK					020101	2425	3501/42	3512	04	BLANK
4709	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501	3512	0401	BLANK
5204													0201	24	3501	3512	0401	BLANK
5365	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK					0201	24	35	35	04	BLANK
5720	0802	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			0201	2425	3501/42	3512	0401	BLANK
5982	0802	BLANK					0402	BLANK	0402	BLANK			020101	2425	3501/42	3512	040101	BLANK
6051	08	BLANK	BLANK	BLANK			0402	BLANK	0402	BLANK			02	24	35	35	04	BLANK
6313	080201	BLANK					0402	BLANK					0201	2425	3501/42	3512	04	BLANK
9221	0802	BLANK	BLANK	BLANK			04	BLANK					02	24	35	35	04	BLANK

DNA #539

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus									
7	03	16	302	502	01	05	0201	0502		24	33	57	81	08	18			
16	030101	160201	30202	50202	0102	0501	0201	0502/5	020102	8501	NT	NT	240201	330301	570301	8101/2	0804	1802
61	0301	1602	30202	50202			0201	0502					24	33	5703	81	08	18
80	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
124	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/2	0804	1802
131	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
134	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
138	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
139	03	1602/10	302	50202									24	33	57	07		
142	0304	16	302	502			02	05					24	33	57	81		
144	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
145	0301	1602	30202	50202			0201	0502					24	33	57	81	08	18
147																		
148	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/02	0804	1801/2
151	0301	1602	3	5									2402	3303	5703	8101	0804	1802
152	03	16											24	33	57	81		
153	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
155																		
156	0301	1602											2402	3303	5703	8101	0804	1802
158	0301	1602	30202	50202			0201	05	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0802	1801
160	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1801
162	030101	160201					02	050201					2402	3303	570301	8101/2	0804	1801/2
163	03	16	3	5			0201	0502					2402	3303	5703	8101/2		
164	03	16											24	33	57	81		
166	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			24	33	57	81	08	18
167	0301	1602											2402	3303	5703	8101	0804	1802
168	03	16											24	33	5703	81		
170	0301	1611	30202	50202			0201	050201					24	33	57	81	08	18
171	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502					24	33	57	81	08	18
173	0301/6	1602/10			0102	05	0201/2	0502					24	33	57	81		
174	03	1602/10											24	33	5701/3	8101/2		
175	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101/02	08	1801/2
176	03	16											24	33	57	81		
179	0301/6	1602/10	3	NT	0102	05	0201	050201					24	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
180	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
185	030101	160201					020101	050201					24	330301	570301	81	0804	18
186	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
187	0301	1602					0201	0502					24	33	57	81		
188													2402	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
189	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1801/2
190	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
191	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
192	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
193	03	1602/10											2402/59	33	5701/3	8101/2		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
196																		
197	0301	1602	302	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1801
199	03	15	3	5			02	05										
201	0301	1602	30202	50202			0201	0502					24	33	57	81	08	18
203	0301	1602	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
204	030101	160201											2402	330301	570301	8101	0804	1801
205	0301	1602	3	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	81	0804	1802
206	03	16											24	33	57	81		
207	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
208	03	16											24	33	57	8101/2		
209	0301	1602	30202	50202			02	05					24	33	57	81	08	18
210																		
211	0301	1602	302	50202			0201	0502	0201	8501			24	3303	5703	81	0804	1801/2
212	030101	160201											24020101	330301	570301	8101	0804	1801/2
213	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
216	03	16					0201	05					24	33	57	81	0804	18
230	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
239	0301/28	1602/11	30202	50202	0102	0501	0201/4	0502					24	33	5703	81		
278	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	1601	3901/9601			24	3303	5703	8101	0804	1802
291	0301/28	1602/11	302	50202	0102	0501	0201/4	0502					24	33	5701/3	8101/2	08	1801/2
401													2402/3	3303/10	5703	8101/2	0804	1801/2

DNA #539

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
452	0301	1602					0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
519	0301	1602					02	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
615	030101	160201	3020201	50202	01	05	020101	050201	020102	8501								
616	03	16																
635																		
642	030101	160201					0201	0502	0201	8501			24020101	330301	570301	8101/2		
702	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
714	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
726	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
732	030101	160201	3020201	50202			020101	050201					240201	330301	570301	8101/2	0804	1802
743	03	16	3	5			02	05					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0301	16					0201	0502/5					24	33	57	81	08	18
1018	0301	1602	3	5			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
1113	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/2	0804	1802
1189	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
1212	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/2	0804	1802
1251	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201	050201	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1801/2
1498	030101	160201	30202	50202	0102	0501	0201	050201					24	33	57	8101/2	08	18
1647	0301	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
1686																		
1905	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
2004	0301	1602	BLANK	50202	0102	0501	0201	0502					24	33	57	81	08	07
2013	0301	1602	302	502			02	05					24	33	57	81	08	18
2015													2402	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
2019	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			24	3303	5703	8101/2	0804	1802
2063	0301/32	1602	302	50202			02	0502/5										
2411	03	16					02	05					24	33	57	81		
2518	0301	1602	NT	NT			0201	0502					2402	3303	5703	8101	08	18
2549	0301	1602	30202	50202	0102	0501	0201/5	0502/5	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
3248	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
3261	0301	1602	3	5			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
3324	0301	1602	302	502	0102/6	05	0201	0502	0201	8501			2402/3	3303/10	5703	8101/2	0804	1801/2
3325	0301	1602	302	502	0102	0501	0201	0502					2402	3301/3	5701/3	8101		
3410	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
3438																		
3522	0301	1602			0102	0501	0201/4	0502					2402	3303	5703	81	0804	18
3548	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
3582	0301	1602	302	50202			02	0502	0201	8501			24	3303/10	5703	8101/2	0804	1801/2
3600	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18
3614	0301	1602					0201	0502					2402	3303	5703	8101/2	0804	1802
3625	03	16			0102	05	0201	0502	0201	2701	01	0202	24	33	57	81	0804	1801/2
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	0301	1602	30202	50202	01	05	0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1801/2
3807	0301	1602	30202	50101	010201	050101	020101	050201	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1801
3849	0301	1602	302	50202	0102	0501	0201	0502					24	3303/6	5703	81	0804	1801/2
4237	0301	1602	30202	50202			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1802
4281																		
4336	0301	1602					0201	0502					24	33	5703	8101/02	0804	1801/02
4349	0301	1602	302	502			0201	0502					2402	3303	5703	8101	0804	1801/02
4420	0301	1602											2402	3303	5703	8101	0804	1802
4545	0301	1602	302	50202	0102	0501	0201	0502	0201	8501	0103	0202	2402	3303	5703	8101/2	0804	1801/2
4551	03	16	NT	NT			02	05	NT	NT			24	33	57	81	08	18
4582	0301	160201	30202	502			0201	0502					2402	3303	570301	8101	0804	1802
4585	03	16					0201	05					24	33	5703	81	08	18
4613																		
4623	030101	160201					0201	0502	020102	8501			24020101	330301	570301	8101/2	0804	1801/2
4653	030101	160201					0201	0502					24	330301	570301	8101/2	0804	1801/2
4709	0301/28	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101	0804	1802
5204													2402	3303	5703	8101	0804	1802
5365	0301	1602	30202	50202			0201	0502					24	33	5703	81	08	18
5720	0301	1602	30202	50202			0201	0502	0201	8501			2402	3303	5703	8101/2	0804	1802
5982	030101	160201					020101	050201	020102	8501			24020101	330301	570301	8101/2	0804	1802
6051	03	1602/10	302	50202			02	0502	0201	2701			24	33	57	8101	08	18
6313	0301	1602					0201/4	0502					2402	3303	5703	8101	08	1801/2
9221	03	16	3	5			02	05					24	33	57	81	08	18

DNA #540

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	04	07	401	401	02	03	02	0302					26	68	1401	35	07	08
16	040701	070101	4010101	40103	0201	03	02	0302	040101	1401	NT	NT	260101	680301	1401	3548	07	08
61	0407	0701	40101	40103			0202	0302					26	68	14	35	07	08
80	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
124	0407	0701	401	401			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	07	08
131	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
134	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
138	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
139	04	07	401	401									26	68	1401	35		
142	04	07	401	401			02	0302					26	68	1401	35		
144	0407	0701					0202	0302					26	6803	1401	3548	0702	0802
145	0407	0701	40101	40103			0202	0302					26	68	14	35	07	08
147																		
148	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
151	0407	0701	4	4									2601	6803	1401	3548	0702	0802
152	04	07											26	68	14	35		
153	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
155																		
156	0407	0701											2601	6803	1401	3548	0702	0802
158	0407	0701	40101	40103			02	03	0401	1401			2601	6803	1401	3501/48	0702	0802
160	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
162	040701	070101					02	030201					2601	680301	1401	3548	070201	0802
163	04	07	4	4			0202	0302					2601	6803	1401	3548		
164	04	07											26	68	14	35		
166	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			26	68	14	35	07	08
167	0407	0701											2601	6803	1401	3548	0702	0802
168	04	07											26	68	14	35		
170	0407	0701	401	401			0202	0302					26	68	1401	35	07	08
171	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302					26	68	14	35	07	08
173	0407	0701			0201	03	0201/2	0302					26	68	14	35		
174	0407	07											26	6803/24	1401	3548		
175	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	07	08
176	04	07											26	68	1401	35		
179	0407	0701/10	401	401	0201	03	0202	030201					26	6803	1401	3548	07	08
180	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
185	040701	070101					0202	030201					26	680301	1401	3548	070201	0802
186	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
187	0407	0701					0202	0302					26	68	1401	35		
188													2601	6803	1401	3548	0702	0802
189	0407	0701	4	4			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
190	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
191	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
192	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
193	0407	07											26	6803/24	1401	35		
194	04	07	4	4			26	68	14	35			26	68	14	35		
195	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
196																		
197	0407	0701	401	401	0201	0301/3	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
199	04	07	4	4			02	03										
201	0407	0701	40101	40103			0202	0302					26	68	14	35	07	08
203	0407	0701	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
204	040701	070101					0202	030201					260101	680301	1401	3548	070201	0802
205	0407	0701	401	401	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
206	04	07											26	68	14	35		
207	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
208	04	07											26	68	1401/7	35		
209	0407	0701	40101	40103			02	03					26	68	14	35	07	08
210																		
211	0407	0701	401	401			0202	0302	0401	1401			26	6803	1401	3548	07	08
212	040701	070101											260101	680301	1401	3548	0702/17	0802/7
213	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
216	0407	07					02	0302					26	68	1401	35	07	08
230	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3501/48	0702	0802
239	0407	07	40101	40103	0201	0301	0202	0302					26	68	14	35		
278	0407	0701	40101	401	0201	03	0202	0302	NT	NT			26	6803	1401/7	3548	07	0802
291	0407	07	401	4	0201	0301	0202	0302					26	68	1401	35	07	08
401													2601	6803	1401	3548	07	08

DNA #540

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
452	0407	0701					0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
519	0407	0701					02	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
615	040701	070101	401	401	02	03	0202	030201	040101	1401								
616	04	07																
635																		
642	040701	0701											260101	680301	1401	3548		
702	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
714	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	350101	0702	0802
726	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
732	040701	070101	4010101	4010301			0202	030201					260101	680301	1401	3548	07	08
743	04	07	4	4			02	03					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	0407	0701/3					0202	0302					26	68	14	35	07	08
1018	0407	0701	4	4			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
1113	0407	0701	401	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
1189	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	0407	070101	40101	40103	0201	030101	0202	0302					26	68	14	35	07	08
1647	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
1686																		
1905	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3501/48	0702	0802
2004	0407	0701	4010101	40103	0201	030101	0202	0302					26	68	14	35	07	08
2013	0407	0701	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
2015													2601	6803	1401	3548	0702	0802
2019	0407	0701/12	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
2063	0407	0701/07	401	401			02	0302										
2411	04	07					02	03					26	68	14	35		
2518	0407	0701	NT	NT			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
2549	0407	0701	40101	40103	0201	0301	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
3248	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3261	0407	0701	4	4			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3324	0407	0701	40101	40103	0201	03	0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
3325	0407	0701	401	401	0201	0301	0202	0302					2601	6803	1401	35		
3410	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3438																		
3522	0407	0701			0201	0301	0202	0302					2601	6803	1401	35	0702	0802
3548	0407	0701/10	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3501	0702	0802
3582	0407	0701	401	401			02	0302	0401	1401			26	6803	1401	3548	0702/17	0802/7
3600	04	07	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08
3614	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3501	0702	0802
3625	04	07			0201	03	0202	0302	0401	1401	01	0201	26	68	1401	35	0702	0802
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT
3798	0407	0701	40101	401	0201	03	0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
3807	0407	0701	40101	BLANK	0201	0301	0202	030201	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
3849	0407	0701	401	401	0201	03	0202	0302					26	6803/24	1401	35	07	0802/7
4237	0407	0701	40101	40103			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
4281																		
4336	0407	0701					0202	0302					2601	6803	1401	3548	07	08
4349	0407	0701	401	401			0202	0302					2601	6803	1401	3548	0702	0802
4420	0407	0701											2601	6803	1401	3501	0702	0802
4545	0407	0701	401	401	0201	0301	0202	0302	0401	1401	0101	0201	2601	6803	1401	3548	0702/50	0802
4551	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	14	35	0702	0802
4582	0407	0701	401	401			0202	0302					2601	680301	1401	3548	0702	0802
4585	04	07					02	03					26	68	14	35	07	08
4613																		
4623	040701	070101					0202	0302	040101	1401			260101	680301	1401	3548	0702/50	0802
4653	040701	070101					0202	0302					260101	680301	1401	3548	0702/50	0802
4709	0407	0701	40101	401			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3548	0702	0802
5204													2601	6803	1401	3501	0702	0802
5365	0407	0701	40101	401			0202	0302					26	68	14	35	07	08
5720	0407	0701	40101	40103			0202	0302	0401	1401			2601	6803	1401	3501/42	0702	0802
5982	0407	0701					0202	030201	040101	1401			260101	680301	1401	3548	07	08
6051	0407	07	401	401			02	0302	0401	1401			26	68	1401	35	07	08
6313	0407	0701					0202	0302/4					2601	680301	1401	3548	07	08
9221	0407	0701	4	4			02	03					26	68	14	35	07	08

DNA #541

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus									
7	07	15	401030102N	501	01	02	0303	06	020102	0602	NT	NT	34	74	1531	58	02	04
16	070101	1503	401030102N	50101	0102	0201	0303	0602	020102	0602	NT	NT	3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407
61	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602					34	74	15	58	02	04
80	07	15	4	5			03	06					34	74	15	58	02	04
124	0701	1503	401	50101			0303	0602	NT	NT			3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407
131	07	15	401030102N	5			03	06					34	74	15	58	02	04
134	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0402			3402	7401	1531	5801/9	0210	0407
138	0701	1503					0303	0602					3402	7401	1531	5801	0210	0407
139	07	1503	401	501									34	74	1531	58		
142	07	15	401	501			0303	06					34	74	1531	58		
144	0701	1503					0303	0602					3402	7401	1531	5801/11	0210	0407
145	0701	1503	40103	50101			0303	0602					34	74	15	58	02	04
147																		
148	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0602			3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407
151	0701	1503	4	5									3402	7401	1531	5801	0202	0407
152	07	15											34	74	1531	58		
153	07	15	4	5			03	06					34	74	15	58	02	04
155																		
156	0701	1503											3402	7401	1531	5801/11	0210	0407
158	0701	1503	40103	50101			03	06	0201	0602			3402	7401	1531	5801	0210	0407
160	0701	1503	40103	50101			0303	0602					3402	7401	1531	5801	0210	0407
162	070101	1503					030302	0602					3402	7401/2	1531	5801	02	0407
163	07	15	4	5			NT	NT					3402	7401/2	1531	5801/11		
164	07	15											34	74	15	58		
166	0701	1503	401030102N	50101	0102	0201	0303	0602	0201	0602			34	74	15	58	02	04
167	0701	1503											3402	7401	1531	5801	0210	0407
168	07	1503											34	74	1531	58		
170	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602					34	74	1531	58	02	04
171	0701	1503	401030102N	50101	0102	0201	0303	0602					34	74	15	58	02	04
173	0701	1501/3			0102	0201	0303	0602/11					34	74	15	58		
174	07	1503											3402/4	74	1531	58		
175	0701	1503					0303	0602					3404	7401	1531	5801	0202	0407
176	07	1503											34	74	1531	58		
179	0701/10	1503	401	NT	0102	0201	0303/12	0602					3402	74	1531	58	0210	0407
180	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
185	070101	1503					030302	0602					3402	74	1531	58	0210	0407
186	07	15	4	5			03	06					34	74	15	58	02	04
187	0701	1503					0303	0602					34	74	1531	58		
188													3402	7401/2	1531	5801	0210	0407
189	0701	1503	401030102N	501			0303	0602					3402	7401	1531	5801/11	0210	0407
190	07	15	4	5			03	06					34	74	15	58	02	04
191	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
192	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602					3402	7401	1531	5801	0210	0407
193	07	1503											3402/4	74	1531	58		
194	07	15	4	5									34	74	15	58		
195	0701	1503	40103	50101			0303	0602					3402	7401	1531	5801	0210	0407
196																		
197	0701	1503	401030102N	501	0102	0201	0303	0602	0201	0602			3402	7401	1531	5801	0210	0407
199	07	15	4	5			03	06										
201	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602					34	74	15	58	02	04
203	0701	1503	4	5			03	06					34	74	15	58	02	04
204	070101	1503											3402	7401	1531	5801	02	0407
205	0701	1503	401030102N	501	0102	0201	0303	0602	0201	0602			3402	7401	1531	5801	0210	0407
206	07	15											34	74	15	58		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	07	15											34	74	15	58		
209	0701	1503	401030102N	5010101			03	06					34	74	15	58	02	04
210																		
211	0701	1503	401030102N	501			0303	0602	0201	0602			3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407
212	070101	1503											3402	7401	1531	5801/11	0210	0407
213	0701	1503	40103	50101	0102	0201	0303	0602	0201	0602			34	74	1531	5801	0210	0407
216	07	1503					0303	0602					34	74	1531	58	02	04
230	0701	1503	401030102N	50101	0102	0201	0303	0602	0201	0602			3402	7401	1531	5801	0210	0407
239	07	1503	401030102N	50101	0102	0201	0303	0602					34	74	15	58		
278	0701	1503	401030102N	50101	0102	0201	0303	0602	NT	NT			3402	7401	1531	58	0202	0407
291	07	1503	401	50101	0102	0201	0303	0602					3402/4	74	1531	58	0206/10	04
401													3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407

DNA #541

CENTER	DRB1	DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus		
452	0701	1503					0303	0602	0201	0602		3402	7401	1531	5801	0210	0407	
519	0701	1503					03	0602	0201	0602		3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
615	070101	1503	401	50101	01	02	030302	0602	020102	0602								
616	07	15																
635																		
642	0701	1503										3402	7401/2	1531	5801			
702	0701	1503	40103	50101	0102	0201	0303	0602	0201	0602		3402	7401	1531	5801	0210	0407	
714	0701	1503					0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
726	0701	1503					0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
732	070101	1503	401030102N	5010101			030302	0602				3402	7401/2	1531	5801	0210	0407	
743	07	15	4	5			0303	0602				NT	NT	NT	NT	NT	NT	
805	07	1503					0303	0602				34	74	15	58	02	04	
1018	0701	1503	4	5			0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
1113	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0602		3402	7401	1531	58	0210	0407	
1189	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0602		3402	7401	1531	5801	0210	0407	
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT	
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT		NT	NT	NT	NT	NT	NT	
1498	070101	1503	401030102N	5010101	0102	0201	0303	0602				34	74	1531	58	02	04	
1647	07	15	BLANK	5			03	06				34	74	15	58	02	04	
1686																		
1905	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0602		3402	7401	1531	5801	0210	0407	
2004	0701	1503	401030102N	5010101	0102	0201	0303	0602				34	74	15	58	02	04	
2013	0701	1503	401	501			03	06				34	74	15	58	02	04	
2015												3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
2019	0701/12	1503	40103	50101			0303	0602	0201	0602		3402	7401	1531	58	0210	0407	
2063	0701	1503	40103	501			03	0602										
2411	07	15					03	06				34	74	15	58			
2518	0701	1503	NT	NT			0302	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
2549	0701	1503	40103	50101	0102	0201	03	0602/33	0201	0602		3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
3248	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
3261	0701	1503	4	5			0303	0602				3402	7401	1531	5801	0202	0407	
3324	0701	1503	401030102N	501	0102/6	0201	0303	0602	0201	0602		3402	7401/2	1531	5801	0210	0407	
3325	0701	15	4	501	0102	0201	0303	0602				3402	7401	1531	5801			
3410	0701	1503					0303	0602				3402	74	1531	5801	0210	0407	
3438																		
3522	0701	1503			0102	0201	03	0602				3402	74	NT	NT	02	0407	
3548	0701/10	1503	401030102N	50101			0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
3582	0701	1503	401	50101			0303	0602	0201	0402		3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
3600	07	15	BLANK	5			03	06				34	74	15	58	02	04	
3614	0701	1503					0303	0602				3402	74	1531	5801	0202/10	0407	
3625	07	15			0102	0201	0303	0602	0201	0602	NT	34	74	15	58	0202/10	0407	
3631	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	
3798	0701	1503	401030102N	50101	01	0201	0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
3807	0701	1503	40101	50101	010201	0201	030302	0602	0201	0602		3402	7401	1531	5801	0210	0407	
3849	0701	1503	401	50101	0102	0201	0303	0602				3402/4	74	1531	58	02	04	
4237	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
4281																		
4336	0701	1503					0303	0602				3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
4349	0701	1503	40103	501			0303	0602				3402	7401/2	1531	5801	0210	0407	
4420	0701	1501										3402	7401	1531	5801	0202/10	0401	
4545	0701	1503	401030102N	501	0102	0201	0303	0602	0201	0602	0103	0301	3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407
4551	0701	1503	40103	50101			0303	0602	0201	0602			3402	7401	15	58	0210	0407
4582	0701	1503	401	501			0303	0602				3402	7401	1531	5801	0210	0407	
4585	07	1503					03	06				34	74	1531	58	02	04	
4613																		
4623	070101	1503					0303	0602	020102	0402		3402	7401/2	1531	5801	0210	0407	
4653	070101	1503					0303	0602				3402	7401/2	1531	5801	0210	0407	
4709	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0602		3402	74	1531	5801	0210	0407	
5204												3402	7401	1531	5801	0210	0407	
5365	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602				34	74	15	58	02	04	
5720	0701	1503	401030102N	50101			0303	0602	0201	0602		3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
5982	0701	1503					030302	0602	020102	0602		3402	7401/2	1531	5801/11	0210	0407	
6051	07	1503	401030102N	501			03	0602/19	0201	0602		34	74	15	58	02	04	
6313	0701	1503					03	0602				3402	7401	1531	5801	0206/10	04	
9221	07	15	4	5			03	06				34	74	15	58	02	04	

DNA #542

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
7	07	15	401	501	01	02	0202	06					02	33	44	54	01	07
16	070101	150101	40103	50101	0102	0201	0202	0602	020102	0402	NT	NT	020601	330301	440302	5401	0102/17	0706/40
61	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	33	44	54	01	07
80	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
124	0701	1501	401	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102/17	0706/40
131	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
134	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706/18
138	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
139	07	15	401	501									02	33	44	54		
142	07	15	401	501			02	06					02	33	44	54		
144	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	07
145	0701	1501	40103	50101			0202	0602					02	33	44	54	01	07
147																		
148	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	BLANK
151	0701	1501	4	5									0206	3303	4403	5401	0102	0706
152	07	15											02	33	44	54		
153	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
155																		
156	0701	1501											0206	3303	4403	5401	0102/17	0706/40
158	0701	1501	40103	50101			02	06	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
160	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
162	070101	150101					02	0602					020601	330301	440302	5401	0102	07
163	07	15	4	5			NT	NT					0206	3303	4403	5401		
164	07	15											02	33	44	54		
166	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602	0201	0402			02	33	44	54	01	07
167	0701	1501											0206	3303	4403	5401	0102	0706
168	07	15											02	33	44	54		
170	0701	1501	40103	50101			0202	0602					02	33	44	54	01	07
171	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602					02	33	44	54	01	07
173	0701/9	1501/3			0102	0201	0201/2	0602/11					02	33	44	54		
174	07	15											02	33	4403/47	5401/2		
175	0701	1501					BLANK	0602					0206	3303	4403	5401	01	07
176	07	15											02	33	44	54		
179	07	15	401	NT	0102	0201	0202	0602					020601	330301	4403	5401/5	0102/11	07
180	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401/8	0102	0706
185	070101	150101					0202	0602					020601	330301	440302	5401	0102	07
186	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
187	0701	1501					0202	0602					02	33	44	54		
188													0206	3303	4403	5401	0102	0706
189	0701	1501	401	501			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
190	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
191	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
192	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
193	07	15											02	33	4403	5401/2		
194	NT	NT	NT	NT									NT	NT	NT	NT		
195	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	3303/6	4403	5401	0102	0706
196																		
197	0701	1501	401	501	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	NT	NT
199	07	15	4	5			02	06										
201	0701	1501	40103	50101			0202	0602					02	33	44	54	01	07
203	0701	1501	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
204	070101	150101											020601	330301	440302	5401	0102	0701
205	0701	1501	401	501	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
206	07	15											02	33	44	54		
207	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
208	07	15											02	33	44	54		
209	0701	1501	40103	5010101			02	06					02	33	44	54	01	07
210																		
211	0701	1501	401	501			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	07
212	070101	150101											020601	330301	440302	5401	0102	07
213	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	54	0102	0706
216	07	15					0202	0602					02	33	4403	54	01	07
230	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
239	07	15	40103	50101	0102	0201	0202	0602					02	33	44	54		
278	0701	15	40103	50101	0102	0201	0202	0602	NT	NT			0206/91	3303	4403	5401	0102/11	07
291	07	15	401	50101	0102	0201	0202	0602					02	33	44	5401	01	07
401													0206	3303	4403	5401	0102/17	07

DNA #542

CENTER	DRB1		DRB3/4/5		DQA1		DQB1		DPB1		DPA1		A-Locus		B-Locus		C-Locus	
452	0701	1501					0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
519	0701	1501					02	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	07
615	070101	150101	401	50101	01	02	0202	0602	020102	0402								
616	07	15																
635																		
642	0701	150101					0202	0602	0201	0402			020601	330301	440302	5401	0102	0701
702	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
714	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
726	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
732	070101	150101	4010101	5010101			0202	0602					020601	330301	440302	5401	010201	07
743	07	15	4	5			0202	0602					NT	NT	NT	NT	NT	NT
805	07	1501					0202	0602/29					02	33	44	54	01	07
1018	0701	1501	4	5			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
1113	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401/8	01	07
1189	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
1212	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1251	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT	NT			NT	NT	NT	NT	NT	NT
1498	070101	1501	40103	5010101	0102	0201	0202	0602					02	33	44	54	01	07
1647	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
1686																		
1905	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
2004	0701	1501	40103	5010101	0102	0201	0202	0602					02	33	44	54	01	07
2013	0701	1501	401	501			02	06					02	33	44	54	01	07
2015													0206	3303	4403	5401	0102	0706
2019	0701/12	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
2063	0701	15	401	501			02	0602										
2411	07	15					02	06					02	33	44	54		
2518	07	15	3	5			0202	0602					02	33	44	54	01	07
2549	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	06	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
3248	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
3261	0701	1501	4	5			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
3324	0701	1501	401	501	0102/6	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	07
3325	0701	1501	401	501	0102	0201	0202	0602					0206	3301/3	4403	5401		
3410	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
3438																		
3522	0701	1501			0102	0201	0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	07
3548	0701/10	1501	40103	50101			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
3582	0701	1501	401	50101			02	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	07
3600	07	15	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07
3614	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
3625	07	15			NT	NT	0202	0602	0201	0402	01	BLANK	02	33	44	54	01	0706
3631	0701	1501	40103	50101	0102	0201	0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
3798	0701	1501	40103	50101	01	0201	0202	0602					0206	3303	440302	5401	0102	0706
3807	0701	1322	40101	BLANK	010201	0201	0202	0602	0201	0402			0206	330301	4403	5401	0102	0701
3849	0701	1501	401	50101	0102	0201	0202	0602					02	3303/6	4403/7	5401/2	01	07
4237	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
4281																		
4336	0701	1501					0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102/17	07
4349	0701	1501	401	501			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	07
4420	0701	1501											0206	3303	4403	5401	0102	0706
4545	0701	1501	40103	501	0102	0201	0202	0602	0201	0402	0103	BLANK	0206	3303	4403	5401	0102	07
4551	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	44	54	01	07
4582	0701	1501	401	501			0202	0602					0206	3303	4403	5401	0102	0706
4585	07	15					02	06					02	33	44	54	01	07
4613																		
4623	070101	150101					0202	0602	020102	0402			020601	330301	440302	5401	010201	0706
4653	070101	150101					0202	0602					020601	330301	440302	5401	010201	0706
4709	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	54	0102	0706
5204													0201	3303	4403	5401/13	0102	0706
5365	0701	1501	40103	50101			0202	0602					0206	33	44	54	01	07
5720	0701	1501	40103	50101			0202	0602	0201	0402			0206	3303	4403	5401	0102	0706
5982	0701	150101					0202	0602	020102	0402			020601	330301	440302	5401	0102/17	0706/40
6051	07	15	401	501			02	0602/19	0201	0402			02	33	44	54	01	07
6313	0701	1501					0202	0602					020601	330301	4403	5401	01	07
9221	0701	1501	4	5			02	06					02	33	44	54	01	07

PARTICIPANTS AND METHODS

CENTER	DRB1	DRB3/4/5	DQA1	DQB1	DPB1	DPA1	A-Locus	B-Locus	C-Locus
7	OL-RSSOP	OL-RSSOP	OL-RSSOP	OL-RSSOP			OL-RSSOP	OL-RSSOP	OL-RSSOP
16	RSSOP-OL/GBT	RSSOP-OL/SSP-INVGTGN	RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL/GBT		RSSOP-OL/GBT	RSSOP-OL/GBT/	RSSOP-OL/GBT
61	SSP-INVGTGN/RSSOP-OL	SSP-INVGTGN/RSSOP-OL		SSP-INVGTGN/RSSOP-OL			SSP-INVGTGN/RSSOP-OL	SSP-INVGTGN/RSSOP-OL	SSP-INVGTGN/RSSOP-OL
80	OneLambdaSSP	SSP2L-Lot#006					1LambdaSSP	SSP2L-LOT#006	
124	SBT	SBT		SBT	SBT		SBT	SBT	SBT
131	SSP-INVGTGN	SSP-INVGTGN		SSP-INVGTGN			SSP-INVGTGN	SSP-INVGTGN	SSP-INVGTGN
134	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP		SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP		SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP	SBT-ATRIA/SSP-OLRUP
138	SBT/SSP/SSOP			SSP/SSOP			SBT/SSP/SSOP	SBT/SSP/SSOP	SBT/SSP/SSOP
139	SSOPTepnel	SSOPTepnel					SSOPTepnel	SSOPTepnel	
142									
144	SSP/GBT			SSP/GBT			SSP/GBT	SSP/GBT	SSP/GBT
145	RSSOP-OL/SSP-GV-DYNL	SSP-GV		SSP-GV			RSSOP-OL	RSSOP-OL/SSP	SSP-BIOTST
147									
148	SBT(Atria)	SSP(Dynal)		RSSO+SSP(Dynal)	SSP(Dynal)		SBT(Atria)	SBT(Atria)	SBT(Atria)
151	FLOW-INVGTGN/GBT-INVGTGN	FLOW-INVGTGN/GBT-INVGTGN					FLOW-INVGTGN/GBT-INVGTGN	FLOW-INVGTGN/GBT-INVGTGN	FLOW/SSP
152	SSP-OL						SSP-OL	SSP-OL	
153	SSOP-DYNL	SSOP-DYNL		SSOP-DYNL			SSOP-DYNL	SSOP-DYNL	SSOP-DYNL
155									
156	SSO-DYNL/GBT-Atria/SSP-GV						SSO-Dynal/GBT-Atria/SSP-GV	SSO-Dynal/GBT-Atria/SSP-GV	SSO-Dynal/GBT-Atria/SSP-GV
158	SSP-DYNL-INVGTGN	SSP-DYNL-INVGTGN		RSSOP-DYNL	SSP-DYNL		SSP-INVGTGN-OLRUP	SSP-INVGTGN	SSP-INVGTGN
160	SSP-Dynal-Olerup	SSP-Dynal-Olerup		SSP-Dynal-Olerup			SBT-ATRIA/SSP-Olerup	SBT-ATRIA/SSP-Olerup	SBT-ATRIA/SSP-Olerup
162	SBT.Biosewoom			SBT.Biosewoom			SBT.Biosewoom	SBT.Biosewoom	SBT.Biosewoom
163	SSP-GV	SSP-GV		SBT-ATRIA			SBT-ATRIA	SBT-ATRIA	
164	LiPAAtypingtest						LiPAAtypingtest	LiPAAtypingtest	
166	SSPGenoVision	SSPGenoVision	SSPGenoVision	SSPGenoVision	SSPGenoVision		SSO-BIOTST/SSP-GV	SSO-BIOTST/SSP-GV	SSO-BIOTST/SSP-GV
167	SSP-OL/SSO-OL/GBT						SSP-OL/SSO-OL/GBT	SSP-OL/SSO-OL/SSO-LM/GBT	SSP-OL/GBT
168									
170	SSOP-INLPA/SSP-DYNL	SSP-DYNL		SSOP-INLPA/SSP-DYNL			SSOP	SSOP	SSOP
171	SSP-OL-Dynal	SSP-OL	SSPDynal	SSP-OL-DYNL			SSP-OL	SSP-OL	SSOP-BIOTST
173	ATRIA/Conexio		RocheSSO	RocheSSO			DYNALSSO	DYNALSSO	
174	RSSOP-OL						RSSOP-OL	RSSOP-OL	
175	SSODynalSBTInvitrogen			SSO-SSP-Invitrogen			SSO-SSP-Invitrogen	SSO-SSP-Invitrogen	SSODynal
176	SSOP-Capitalbio						SSOP-Capitalbio	SSOP-Capitalbio	
179	SBT	SSP	SBT	SSOP			SBT	SBT	SBT
180	SSP-OL-OLRUP	SSP-OL	SSP-OLRUP	SSP-OL	SSP-OL-OLRUP		SSP-OL-OLRUP	SSP-OL-OLRUP	SSP-OL-OLRUP
185	SBT			SBT/SSP			SBT	SBT	SBT
186	RSSOP-OL	RSSOP-OL		RSSOP-OL			RSSOP-OL	RSSOP-OL	RSSOP-OL
187	SBT-ATRIA			SBT-ATRIA			RSSOP-OL	RSSOP-OL	
188							SSOP/SSP/GBT	SSOP/SSP/GBT	SSOP/SSP/GBT
189	SSP	SSP		SSP			SBT-ATRIA/SSP-INVGTGN	SBT-ATRIA/SSP-INVGTGN	SBT-ATRIA/SSP-INVGTGN
190	SSP-OLRUP	SSP-OLRUP		SSP-OLRUP			SSP-OLRUP	SSP-OLRUP	SSP-OLRUP
191	SSP-OLRUP-PF	SSP-OLRUP-PF	SSP-OLRUP-PF	SSP-OLRUP-PF	SSP-OLRUP-PF		SSP-OLRUP-PF	SSP-OLRUP-PF	SSP-OLRUP-PF
192	SBT/SSP	SBT/SSP		SBT/SSP			SBT/SSP	SBT/SSP	SBT/SSP
193	SSOP-OL						SSOP-OL	SSOP-OL	
194									
195	RSSOP-OL/SSP-OLRUP	RSSOP-OL/SSP-OLRUP		RSSOP-OL/SSP-OLRUP			RSSOP-OL/SSP-OLRUP	RSSOP-OL/SSP-OLRUP	RSSOP-OL/SSP-OLRUP
196									
197	RSSOP-OL/GBT-ATRIA	RSSOP-OL	SSP/RSSOP	SBT/RSSOP	SBT		RSSOP-OL/GBT-ATRIA	RSSOP-OL/GBT-ATRIA	RSSOP-OL/GBT-ATRIA
199									
201	SSP-PF	SSP-PF		SSP-PRTRANS			RSSOP-LMNX	RSSOP-LMNX	SSP-PF
203	SSP-OL	SSP-OL		SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	SSP-OL
204	SBT-BIOSWM						SBT-BIOSWM	SBT-BIOSWM	SBT-BIOSWM
205	RSSOP-OL/GBT	RSSOP-OL	SSP	RSSOP/GBT	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL		RSSOP-OL/SSP/GBT	RSSOP-OL/SSP/GBT	RSSOP-OL/SSP/GBT
206	RSSOP-OL			RSSOP-OL			RSSOP-OL	RSSOP-OL	
207	SBT/SSOP/SSP	SBT/SSOP/SSP		SBT/SSOP/SSP	SBT/SSOP/SSP		SBT/SSOP/SSP	SBT/SSOP/SSP	SBT/SSOP/SSP
208	SSP-INVGTGN						SSP-INVGTGN	SSP-INVGTGN	
209	SSP-OLRUP	SSP-OLRUP		SSOP-INVGTGN			SSOP-INVGTGN	SSOP-INVGTGN	SSOP-INVGTGN
210									
211	RSSOP-OL/SSP-OLRUP	Luminex(onelambda)		RSSOP-OL/SSP-OLRUP			RSSOP-OL/GBT	RSSOP-OL/GBT	RSSOP-OL/GBT
212	SBTInhouse						SBTInhouse	SBTInhouse	SBTInhouse
213	SBT-Protrans	SSP-olerup	ssp-olerup	ssp-olerup	ssp-olerup		SSP-olerup	SBT-abbot	SSP-abbot
216	RSSOP-OL			RSSOP-OL			RSSOP-OL	RSSOP-OL/SSP-DYNL	RSSOP-OL
230	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL		SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL	SSP-QIAGN/SSOP-TPNEL
239	SSP-OL	SSP-OL	SSP-GV	SSP-OL			SSP-OL	SSP-OL	
278	SSP/RSSOP-OL	SSP/RSSOP-OL	RSSOP-INLPA	SSP/RSSOP-OL	RSSOP		SSP/RSSOP-OL	SSP/RSSOP-OL	SSP/RSSOP-OL
291	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA			RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA	RSSOP-INLPA
401							SBT	SBT	SBT

